



UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Curriculum vitae

AL MAGNIFICO RETTORE
DELL'UNIVERSITA' DEGLI STUDI DI MILANO

COD. ID: 4563

Il sottoscritto chiede di essere ammesso a partecipare alla selezione pubblica, per titoli ed esami, per il conferimento di un assegno di ricerca presso il Dipartimento di BIOSCIENZE

Responsabile scientifico: _____ Prof.ssa ELENA CATTANEO _____

GIANLUCA DAMAGGIO
CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI

Cognome	DAMAGGIO
Nome	GIANLUCA
Data Di Nascita	02/01/1993

OCCUPAZIONE ATTUALE

Incarico	Struttura
Visiting	Consiglio Nazionale delle Ricerche, Istituto di Genetica e Biofisica, Napoli, Italia

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Titolo	Corso di studi	Università	anno conseguimento titolo
Laurea Magistrale o equivalente	LM6 BIOLOGIA	FEDERICO II NAPOLI	2020
Laurea Triennale	L-13 SCIENZE BIOLOGICHE	FEDERICO II NAPOLI	2017
Specializzazione			
Dottorato Di Ricerca			
Master			
Diploma Di Specializzazione Medica			
Diploma Di Specializzazione Europea			

ISCRIZIONE AD ORDINI PROFESSIONALI

Data iscrizione	Ordine	Città



UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

LINGUE STRANIERE CONOSCIUTE

lingue	livello di conoscenza
INGLESE	B2

PREMI, RICONOSCIMENTI E BORSE DI STUDIO

anno	Descrizione premio

ATTIVITÀ DI FORMAZIONE O DI RICERCA

Formazione come studente:

- "Analysis of scRNA-seq using R" / NETABB / Nov 2019 / Università di Salerno, Fisciano (SA), Italy
- "Bulk RNA-Seq Differential Expression Workflow" / R-Bioconductor Meetup / Sep 2019 / National Research Council, Napoli, Italy
- "Crash Course on Computational Network Analysis" / ICAR / Jun 2019 / National Research Council, Napoli, Italy
- "Single-Cell RNA Sequencing and Data Analysis" / Elixir-ITA & Telethon Institute of Genetics and Medicine / May 2019 / Pozzuoli (NA), Italy
- "Chromosomal copy number changes detection" / R-Bioconductor Meetup / May 2019 / National Research Council, Napoli, Italy
- "Population genomics: Background, tools and programming" / EMBO practical course / Apr 2019 / Procida (NA), Italy
- "Unix Shell, R, version Control with Git" / Software Carpentry Workshop & Elixir-ITA / Feb 2019 / National Research Council, Napoli, Italy

Attività di ricerca:

- Analisi bioinformatica di dati genomici di embrioni di aborti spontanei prodotti mediante sequenziamento (whole-genome) di seconda generazione. Set-up di una pipeline per l'analisi a partire da dati di sequenza grezzi allo scopo di effettuare l'identificazione di varianti genetiche e loro annotazione funzionale.
- Studio ed applicazione di linguaggi di programmazione (python, bash, awk, R) e utilizzo di macchine ad alta prestazione con annessi sistemi di code
- Analisi del fenotipo di spore mutanti di *Bacillus Subtilis* tramite saggi di sopravvivenza con valutazione della densità ottica mediante spettrofotometro

ATTIVITÀ PROGETTUALE

Anno	Progetto
2020	Analisi di dati di sequenza ottenuti tramite third-generation sequencing con focus sulle regioni ripetute. (Tirocinio Laurea Magistrale presso IGB-CNR in collaborazione con Istituto di Biologia e Patologia Molecolari del CNR)
2019-2020	"Identificazione di varianti genetiche responsabili di abortività spontanea idiopatica attraverso lo studio di sequenze genomiche embrionali" (Tesi di Laurea magistrale presso l'Istituto di Genetica e Biofisica del Consiglio Nazionale delle Ricerche, IGB-CNR)
2017	"Analisi del fenotipo di spore mutanti di <i>Bacillus Subtilis</i> " (Tesi di Laurea triennale presso l'Università degli Studi di Napoli Federico II)

TITOLARITÀ DI BREVETTI



Brevetto

CONGRESSI, CONVEGNI E SEMINARI

Data	Titolo	Sede
9/Apr/2020	Automate Developer Workflows and Increase Productivity with Docker Hub	Webinar
8/Apr/2020	Nanopore sequencing the SARS-CoV-2 genome: introduction to protocol	Webinar
8/Apr/2020	Bioinformatics workflows for SARS-CoV-2; from raw Nanopore reads to consensus genomes using the ARTIC coronavirus protocol	Webinar
17/Feb/2020	Modeling neurogenesis with human-derived cerebral organoids	National Research Council, Napoli, Italy
30/Oct/2019	Ginecologia e Donna Un viaggio di tutta una vita (SIGO)	Napoli, Italy
28/Oct/2019	Phenotypic plasticity: busting cancer myths	National Research Council, Napoli, Italy
30/Sep/2019	Microfluidic Chambers for cell culturing	National Research Council, Napoli, Italy
17/Jun/2019	Survival of human-specific germline methylation differences and the maintenance of allelic methylation	National Research Council, Napoli, Italy
27/May/2019	Stem cell models of early embryogenesis	National Research Council, Napoli, Italy
20/May/2019	Relevance of natural history study to develop new diagnostic and therapeutic strategies for rare diseases	National Research Council, Napoli, Italy
29/Apr/2019	(Epi)genome editing of expanded CAG/CTG repeats	National Research Council, Napoli, Italy
15/Apr/2019	Molecular mechanisms regulating muscle stem cell quiescence and activation	National Research Council, Napoli, Italy

PUBBLICAZIONI

Libri

[titolo, città, editore, anno...]

Articoli su riviste

[titolo articolo, rivista, città, editore, anno...]

Atti di convegni

Biology of Genomes, Cold Spring Harbor Laboratory, US, 2020

Deciphering genetic causes of idiopathic pregnancy loss from an embryonic perspective

Buonaiuto S. , Di Biase I. , Aleotti V. , Damaggio G. , D'Ambrosio P. , Catapano O. , Ravaioli A. , Esposito G. , Chierici M. , Pulijala M. , Ayub Q. , Furlanello C. , Garrison E. , Soranzo N. , Capalbo A. , Rubini M. , Di Biase S. , Colonna V.



UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

European Society of Human Reproduction and Embryology, Copenhagen, Denmark, 2020

Identification of genomic variants responsible for pregnancy loss: a pilot study

Buonaiuto S. , Di Biase I. , Aleotti V. , Ravaei A. , **Damaggio G.** , D'Ambrosio P. , Catapano O. , Esposito G. , Chierici M. , Pulijala M. , Ayub Q. , Furlanello C. , Garrison E. , Soranzo N. , Capalbo A. , Rubini M. , Di Biase S. , and Colonna V.

European Society of Human Reproduction and Embryology, Copenhagen, Denmark, 2020

Genomics analysis of maternal exomes reveals new candidate genes and pathways for the diagnosis and prediction of recurrent preimplantation embryo arrest in IVF cycles

Kahraman S. , Sagir F. , Yuksel B. , Cetinkaya M. , Gavaz M. , Kara B. , Yesil M. , Akar G. , Buonaiuto S. , **Damaggio G.** , Fabiani M. , De Marino A. , Colonna V. , Si-mon C. , Capalbo A.

Network Tools and Applications in Biology /Bioinformatics and Computational Biology Conference, University of Fisciano (SA), Italy, 2019

Identification of genomic variants responsible for pregnancy loss: a pilot study

Buonaiuto S. , Di Biase I. , Aleotti V. , **Damaggio G.** , D'Ambrosio P. , Catapano O. , Esposito G. , Chierici M. , Pulijala M. , Ayub Q. , Furlanello C. , Garrison E. , So-ranzo N. , Capalbo A. , Rubini M. , Di Biase S. , Colonna V.

Associazione Genetica Italiana, Cortona (AR), Italy, 2019

Genomics of Pregnancy Loss

Buonaiuto S. , Di Biase I. , Aleotti V. , **Damaggio G.** , D'Ambrosio P. , Catapano O. , Esposito G. , Chierici M. , Pulijala M. , Ayub Q. , Furlanello C. , Garrison E. , Soranzo N. , Rubini M. , Di Biase S. , Colonna V.

ALTRE INFORMAZIONI

Attività di training come istruttore:

Helper / Software carpentry shell-git-python / Software Carpentry Workshop / July 2019 / National Research Council, Napoli, Italy

Pagina GitHub personale: <https://github.com/GianlucaDamaggio>

Le dichiarazioni rese nel presente curriculum sono da ritenersi rilasciate ai sensi degli artt. 46 e 47 del DPR n. 445/2000.

Il presente curriculum, non contiene dati sensibili e dati giudiziari di cui all'art. 4, comma 1, lettere d) ed e) del D.Lgs. 30.6.2003 n. 196.

Luogo e data: NAPOLI , 16/4/2020

FIRMA