

## **ALLEGATO A**

UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Procedura di valutazione per la chiamata a professore di I fascia da ricoprire ai sensi dell'art. 24, comma 6, della Legge n. 240/2010 per il settore concorsuale 06/M1-Igiene Generale e Applicata, Scienze Infermieristiche e Statistica Medica, (settore scientifico-disciplinare MED/42-Igiene Generale e Applicata)

presso il Dipartimento di \_\_\_\_Scienze Biomediche e Cliniche "L.Sacco"\_\_\_\_, Codice concorso\_4368\_\_\_\_

## **Gianguglielmo Zehender** **CURRICULUM VITAE**

### **INFORMAZIONI PERSONALI (NON INSERIRE INDIRIZZO PRIVATO E TELEFONO FISSO O CELLULARE)**

COGNOME	ZEHENDER
NOME	GIANGUGLIELMO
DATA DI NASCITA	[ 26/05/1960 ]

### **ABILITAZIONE SCIENTIFICA NAZIONALE**

- Abilitazione alla funzione di Professore di I fascia per il settore concorsuale 06/M1 "Igiene Generale e Applicata, Scienze Infermieristiche e Statistica Medica". Validità:06/12/2017 - 06/12/2023.

### **Attività Professionale**

- Dal 2 febbraio 2015 è Professore di seconda fascia-Area concorsuale=06/M1-SSD: MED/42-Igiene Generale e Applicata.
- Dal 1 ottobre 2002 al 1 febbraio 2015 è stato Ricercatore Confermato (SSD MED/17-Malattie Infettive), presso l'Istituto di Malattie Infettive confluito nel 2005 nel "Dipartimento di Scienze Cliniche L. Sacco", dal 2012 "Dipartimento di Scienze Biomediche e Cliniche L. Sacco", dell'Università di Milano.
- Dal 22 settembre 1997 al 30 settembre 2002 ha svolto l'incarico di Funzionario Tecnico (VIII livello) presso l'Istituto di Malattie Infettive e Tropicali dell'Università degli Studi di Milano.

### **Istruzione e formazione**

- 1985: laurea con punteggio 110/110 e lode in Scienze Biologiche (vecchio ordinamento) presso l'Università degli Studi di Milano.
- 1986: tirocinio pratico annuale post-laurea presso l'Istituto di Virologia dell'Università di Milano e presso il Laboratorio di Immunoematologia e Centro Trasfusionale della USSL 72, Ospedale di Magenta dove ha proseguito l'attività di volontariato fino al 1988.
- Dal 1988 ad oggi: iscrizione all'Albo Professionale dei Biologi.
- Dal 1988 al 1992: conseguimento del titolo di Dottorato di Ricerca in Sanità Pubblica (IV ciclo), svolto presso l'Istituto di Virologia dell'Università di Milano.
- Dal 1993 al 1994: borsa di Studio post-dottorato biennale presso l'Istituto di Malattie Infettive e Tropicali dell'Università di Milano, diretto dal Prof. Mauro Moroni.

- Dal 1995 al 1996: borsa di Studio finalizzata alla lotta all'AIDS dell'Istituto Superiore di Sanità.
- Dal 25/11/2002 al 28/11/2002 ha seguito il “Corso base di introduzione alle tecniche di bioinformatica per analisi epidemiologico-molecolari con particolare riferimento alla virologia di HIV” organizzato dall'Istituto Superiore di Sanità di Roma (35 ore di formazione).
- Dal 9 al 14 settembre 2007 ha seguito a Lisbona il corso avanzato di evoluzione molecolare dei virus presso il “13th international bioinformatics workshop on virus evolution and molecular epidemiology” organizzato dal Laboratory for Clinical and Epidemiological Virology della Katholieke Universiteit di Leuven.

## **ATTIVITÀ DI RICERCA E PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE**

### **Attività di ricerca**

- Responsabile scientifico del Laboratorio di Malattie Infettive del Dipartimento di Scienze Biomediche e Cliniche L. Sacco, dove svolge la propria attività dal 1992 e dove coordina un gruppo di ricerca costituito da Assegnisti di Ricerca, Dottorandi, borsisti e studenti della Facoltà di Medicina e Chirurgia e di Scienze Biologiche.
- Membro proponente del Centro di Ricerca Coordinata (CRC) “EpiSoMI” (Epidemiologia e Sorveglianza Molecolare applicata alle Malattie Infettive), coordinato dalla Prof. E. Tanzi.
- Fa parte del CRC “CARE - Center for Advanced Biomedical Research and Precision Medicine Romeo ed Enrica Invernizzi”, coordinato dal Prof. G. Zuccotti.
- Socio dell'Accademia Lombarda di Sanità Pubblica, presieduta dal Prof. G. Pelissero.
- Principale campo di studio: epidemiologia molecolare e patogenesi delle infezioni sostenute da virus. In particolare, genomica microbica, analisi filogenetica avanzata (filodinamica e filogeografia), evoluzione molecolare e genetica di popolazione dei microrganismi applicate alla sorveglianza delle infezioni (virali e batteriche) di impatto sociale e emergenti/riemergenti.
- Campi di ricerca specifici:
  - Genomica, epidemiologia molecolare e filodinamica del virus SARS-CoV-2, causa della pandemia di COVID-19
  - Storia evolutiva dei genotipi del virus dell'epatite B (HBV) in Italia, nel Mediterraneo e nel mondo
  - Epidemiologia molecolare, filodinamica e filogeografia dei genotipi di HCV in Italia e nei Balcani
  - Storia evolutiva e filogeografia di West Nile Virus e di altri Arbovirus (Zika virus, Toscana Virus, Virus della Febbre Congo-Crimea) con particolare interesse all'epidemiologia in Italia e in Europa
  - Filodinamica e filogeografia dei virus influenzali e di altri virus responsabili di infezioni acute respiratorie, quali Bocavirus, virus respiratorio sinciziale
  - Sorveglianza ed epidemiologia molecolare delle infezioni da HTLV-1 e HTLV-2 in immigrati provenienti da zone ad alta endemia
  - Patogenesi delle condizioni extraepatiche associate ad Hepatitis C Virus (HCV), con particolare riguardo al linfotropismo del virus e alla dinamiche evolutive della quasispecie virale
  - Autore ad oggi (maggio 2020) di 134 lavori originali pubblicati su riviste internazionali presenti nelle principali banche dati, che hanno sommato un numero di citazioni complessivo=1739-h-index=21 (Scopus).

- E' autore di capitoli di libri (vedi elenco pubblicazioni) e di numerosi contributi in Atti di Convegni (non inclusi nel presente curriculum).
- Tecniche utilizzate:
- PCR (polymerase chain reaction)
- Analisi di sequenza con metodo classico di Sanger e genomica mediante Next Generation Sequencing (NGS)
- Analisi filogenetica di base ed avanzata (orologi molecolari, metodi di coalescenza e filogeografia)
- Bioinformatica applicata all'analisi filogenetica e alla genetica di popolazione
- Epidemiologia e biostatistica

### **Partecipazione scientifica a progetti di ricerca**

- 2020-Progetto straordinario COVID-19, "Mappatura molecolare dell'epidemia da SARS-CoV-2 in Italia"; Università di Milano (Responsabile scientifico).
- Dal 2012 al 2018-Ministero Università e Ricerca Scientifica, PROGETTI BANDIERA, progetto NanoMAX. Coordinatore Prof. F. Pavone; mesi=36; (Responsabile Unità)
- 2013- GILEAD Fellowship Program- Progetto "Filodinamica della coinfezione HIV/HBV: ricostruzione spazio-temporale delle reti di trasmissione"; mesi=18 (Ricercatore Principale).
- 2012- Progetti del Ministero della Salute-"Use of phylogenetics in the molecular epidemiology and evolutionary studies of respiratory diseases viruses of pigs PRRSV and SIV"-coordinatore Dr.ssa I. Barbieri; mesi =24 (Responsabile Unità)
- 2011-CARIPLO-"Molecular basis of severe influenzavirus A respiratory syndromes (pandemic and seasonal): study of viral evolution and identification of prognostic genetic markers". Coordinatore: Prof. F. Baldanti; mesi =24 (Partecipante).
- 2009-Bando AIDS: progetti innovativi-"RECONSTRUCTION OF EPIDEMIOLOGICAL LINKS AND TRANSMISSION EVENTS BY PHYLOGENESIS IN THE ITALIAN COHORT NAIVE FOR ANTIRETROVIRALS". Responsabile: Prof. C. Balotta; mesi =24 (Partecipante).
- 2009-Bando AIDS: progetti innovativi-"Large-Scale Phylodynamics of HIV-1 in Italy". Responsabile: Prof. A. De Luca; mesi =24 (Partecipante).
- 2003-V Programma Nazionale di Ricerca sull'AIDS: Sorveglianza della coinfezione e delle patologie indotte da HTLV-2 e HTLV-1 in pazienti con infezione da HIV-2; mesi= 12 (Responsabile Scientifico).
- PRIN 2003- Sorveglianza epidemiologica e virologica dell'epatite B e valutazione a lungo termine dell'immunità indotta da vaccino; mesi:24 (partecipante).
- 2001-IV Programma Nazionale di Ricerca sull'AIDS: Sorveglianza della coinfezione e delle patologie indotte da HTLV-2 e HTLV-1 in pazienti con infezione da HIV-1; mesi= 12 (Responsabile Scientifico).
- 2001- Centro di Eccellenza riconosciuto dal MIUR-CISI- Retroviruses, Hepatitis and Emerging pathogens. Coordinatore Prof. Salamini ; mesi=36(Partecipante).
- 1999-III Programma Nazionale di Ricerca sull'AIDS: Studio dell'interazione HIV-1/HTLV-II: valutazione del ruolo di HTLV-II in patologie HIV-1 correlate e nella progressione dell'infezione da HIV-1 in pazienti con doppia infezione; mesi=12 (Responsabile Scientifico).
- 1998-II Programma Nazionale di Ricerca sull'AIDS: Studio dell'interazione HIV-1/HTLV-II: valutazione del ruolo di HTLV-II in patologie HIV-1 correlate e nella progressione

dell'infezione da HIV-1 in pazienti con doppia infezione. Coordinatore: Prof. M. Galli; mesi=12 (Partecipante).

- 1997-I Programma Nazionale di Ricerca sull'AIDS: Studio dell'interazione HIV-1/HTLV-II: valutazione del ruolo di HTLV-II in patologie HIV-1 correlate e nella progressione dell'infezione da HIV-1 in pazienti con doppia infezione. Coordinatore: Prof. M. Galli; mesi=12 (Partecipante).
- 1996-IX progetto di ricerche sull'AIDS-Studio dell'interazione HIV-1/HTLV-II: valutazione del ruolo di HTLV-II in patologie HIV-1 correlate e nella progressione dell'infezione da HIV-1 in pazienti con doppia infezione". Coordinatore: Prof. M. Galli; mesi=12 (Partecipante).
- 1995-VIII progetto di ricerche sull'AIDS-Studio dell'interazione HIV-1/HTLV-II: valutazione del ruolo di HTLV-II in patologie HIV-1 correlate e nella progressione dell'infezione da HIV-1 in pazienti con doppia infezione". Coordinatore: Prof. M. Galli; mesi=12 (Partecipante).
- 1994-VII progetto di ricerche sull'AIDS-Studio dell'interazione HIV-1/HTLV-II: valutazione del ruolo di HTLV-II in patologie HIV-1 correlate e nella progressione dell'infezione da HIV-1 in pazienti con doppia infezione". Coordinatore: Prof. M. Galli; mesi=12 (Partecipante).

#### **Attività Editoriale**

- Ha svolto, su invito, compiti di revisione scientifica di manoscritti per giornali internazionali, tra cui: Plos One, Plos Neglected Diseases, Journal of Medical Virology, Infection Genetics and Evolution, BMC Infectious Diseases, Journal of Clinical Microbiology, Clinical Gastroenterology and Hepatology, Journal of Clinical Pathology, Advances in Hematology, Clinical Microbiology and Infection, BMC Microbiology.
- E' membro dell'Editorial Board del "World Journal of Gastroenterology" (Baishideng Publishing Group).

#### **Partecipazione a enti di alta qualificazione**

- Ha fatto parte del Centro Interdisciplinare Studi Biomolecolari e Applicazioni Industriali CISI-Centro di Eccellenza dell'Università di Milano approvato dal MIUR.

#### **Premi e Riconoscimenti**

- 2013- Fellowship Program-Supporting Research to Advance Patient Care (GILEAD, Sciences, Milano).
- 2005- Premio di studio "Prof. Angelo Monteverde" della Associazione Italiana per la Lotta alle Crioglobulinemie/Gruppo Italiano (ALCRI/GISC).

#### **Contributi a Congressi su invito**

- E' stato invitato a tenere numerosi interventi e relazioni a eventi di interesse Nazionale ed Internazionale tra cui i seguenti:
- Formazione a Distanza (FAD locale) "FOCUS ON: CORONAVIRUS COVID-19 EMERGENZA PANDEMIA", Responsabili Scientifici: Francesco De Rosa, Giovanni Di Perri, 9 maggio-31 luglio 2020.
- SIMIT, XVIII Congresso Nazionale, Gruppo di studio GISSEMI, "Il vaiolo del sec.XX: filogenesi e filogeografia", Palermo, 24 Novembre 2019.
- Fondazione Iniziative Zooprofilattiche e Zootecniche, Malattie Infettive Trasmissibili tra Animale e Uomo, "West Nile Virus: una infezione emergente in Italia e in Europa", Brescia, 17 Maggio 2019.

- Università di Milano, Convegno Internazionale Giornate Infettivologiche "Luigi Sacco", Introduzione alla sessione "Il piano vaccinale 2016-2018 e lo stato delle vaccinazioni in Italia" Milano, 25 Maggio 2017.
- Progetto di Formazione Pandora 4.0, Influenza, "Il virus dell'Influenza A: meccanismi evolutivi", Milano , 15 Maggio 2017.
- SIMIT, Workshop sulla Malattia Meningococcica Invasiva, "La vaccinazione: indicazioni". Roma, 07/02/2017
- Regione Lombardia-Università di Milano-Ospedale Sacco. Workshop Infezioni di animali, infezioni umane: animali da reddito e zoonosi, "Epatite E". Milano, Auditorium G. Testori, 26/09/2016
- Università di Milano, Convegno Internazionale Giornate Infettivologiche "Luigi Sacco", Filogenesi e filogeografia di HPV", Milano, 20 Maggio 2016.
- Progetto di Formazione Pandora 3.0, HCV: ultime dai congressi e stato dell'arte, Discussant nella sessione su "i dati sui fallimenti ai DAA di II generazione e sulla generazione di mutanti resistenti", Milano , 2 Maggio 2016.
- Progetto di Formazione Pandora 3.0, Il punto sulle infezioni emergenti,"Filogenesi e filogeografia dei flavivirus", Milano, 4 Aprile 2016.
- Progetto di Formazione Pandora 2.0, Cibo e Infezioni, Moderatore , Milano , 11 Maggio 2015.
- Consensus Conference Nazionale: Infezioni e DMARDs (disease-modifying anti-rheumatic drugs) biologici e non biologici, "Epatite A ed epatite E in RA e SpA: epidemiologia, clinica e raccomandazioni su profilassi in relazione con la terapia DMARDs biologici e non biologici". Milano, 21/01/2015.
- Progetto di Formazione Pandora 1.0, Terapia dell'Epatite B, "Filogenesi e filogeografia di HBV. In che misura varia la risposta alla terapia nei diversi genotipi circolanti?", Milano, 19 Maggio 2014.
- Progetto di Formazione Pandora 1.0, Infezioni Emergenti, "West Nile Virus: epidemiologia e diffusione in Europa e in Italia", Milano, 24 Marzo 2014.
- 19th International Bioinformatics Workshop on Virus Evolution and Molecular Epidemiology. "Phylogenetics and phylogeography of HBV subgenotypes"; Roma 10 Settembre 2014.
- Università di Milano, Convegno Internazionale "Giornate Infettivologiche Luigi Sacco, Epidemiologia e filogenesi di HEV", Milano, 10 Giugno 2014.
- Associazione Biologi Ambientalisti Pugliesi e ISS Roma, "Viaggio alla scoperta della Biologia Molecolare"- "Applicazioni della biologia molecolare alla diagnosi delle malattie infettive", Bari, 31 Gennaio 2014.
- Italian Conference on AIDS and Retroviruses (ICAR), "Phylogeny and phylodynamics of HBV", Torino, 13 Maggio 2013.
- Hepatitis B Aid, "Il virus dell'epatite B in Italia e nel mondo: filogenesi e filogeografia", Milano, 31 Gennaio 2012.
- International Conference NanotechItaly 2012. "New virologic tools for diagnosis and management of Hepatitis C virus chronic infection: a Point-Of-Care strategy", Venezia, 21 Novembre 2012.
- Hepatitis B Aid, Kick-off meeting. "Genotipi e sottogenotipi di HBV in Italia e nel mondo", Milano, 31 Maggio 2011.
- Conference of Albanian Infectious Diseases Society - "Molecular epidemiology and phylodynamic of HBV in Albania"- Tirana, 27 Maggio 2011.

- Università di Pavia, Simposio su “Il Virus Pandemico Influenzale”-Lettura introduttiva: “Filodinamica e filogeografia delle infezioni virali”, Pavia, 6 Maggio 2010.
- 4° Congresso nazionale Società di Virologia Medica (SIVIM) – “Filogenesi e filodinamica inter e intra-ospite dei virus delle epatiti B e C”, Milano, 6 Maggio 2010.
- National congress of the Bulgarian Association of Microbiologists: “Current problems in Hepatitis viruses”, Plovdiv (Bulgaria), 5 Aprile 2008.
- 13° Congresso Nazionale ALCRI/GISC. “Analisi della quasispecie virale di HCV nella crioglobulinemia mista”, Jesi, 29-30 Settembre 2006.
- 2° Congresso nazionale Società di Virologia Medica (SIVIM). “Significato clinico della variabilità virale: il virus dell’epatite B”, Roma, 16-18 maggio 2005.

## PUBBLICAZIONI

### Pubblicazioni su riviste Internazionali presenti in database pubblici

- 1 LUZZAGO, C., EBRANATI, E., LAVAZZA, A., BESOZZI, M., ZEHENDER, G., LANFRANCHI, P., LAUZI, S. Identification and genetic characterization of a novel respirovirus in alpine chamois (*Rupicapra rupicapra rupicapra*). *Animals* 2020, 10. [Epub ahead of print]. IF= 1.832
- 2 LAUZI, S., STRANIERI, A., GIORDANO, A., LUZZAGO, C., ZEHENDER, G., PALTRINIERI, S., EBRANATI, E. Origin and transmission of Feline coronavirus type I in domestic cats from Northern Italy: a phylogeographic approach. *Veterinary Microbiology* 2020, 244. [Epub ahead of print] IF= 2.791
- 3 ZEHENDER G, LAI A, BERGNA A, MERONI L, RIVA A, BALOTTA C, TARKOWSKI M, GABRIELI A, BERNACCHIA D, RUSCONI S, RIZZARDINI G, ANTINORI S, GALLI M. Genomic characterization and phylogenetic analysis of SARS-COV-2 in Italy. *J Med Virol.* 2020 Mar 29. doi: 10.1002/jmv.25794. [Epub ahead of print]. IF= 2.049
- 4 LAI A, BERGNA A, ACCIARRI C, GALLI M, ZEHENDER G. Early phylogenetic estimate of the effective reproduction number of SARS-CoV-2. *J Med Virol.* 2020 Feb 25. doi: 10.1002/jmv.25723. [Epub ahead of print]. IF= 2.049
- 5 FONTANA C, ANGELETTI S, MIRANDOLA W, CELLA E, ALESSIA L, ZEHENDER G, FAVARO M, LEONI D, ROSE DD, GHERARDI G, FLORIO L, SALEMI M, ANDREONI M, SARMATI L, CICCIOZZI M. Whole genome sequencing of carbapenem-resistant *Klebsiella pneumoniae*: evolutionary analysis for outbreak investigation. *Future Microbiol.* 2020 Feb;15:203-212. doi: 10.2217/fmb-2019-0074. Epub 2020 Feb 14. IF= 3.190
- 6 FRATI ER, BIANCHI S, AMENDOLA A, COLZANI D, PETRELLI F, ZEHENDER G, TANZI E. Genetic characterization of variants of HPV-16, HPV-18 and HPV-52 circulating in Italy among general and high-risk populations. *Mol Med Rep.* 2020 Feb;21: 894-902. doi: 10.3892/mmr.2019.10847. Epub 2019 Nov 25. IF= 1.851
- 7 LAI A, BERGNA A, SIMONETTI FR, FRANZETTI M, BOZZI G, MICHELI V, ATZORI C, RIDOLFO A, ZEHENDER G, CICCIOZZI M, GALLI M, BALOTTA C. Contribution of transgender sex workers to the complexity of the HIV-1 epidemic in the metropolitan area of Milan. *Sex Transm Infect.* 2020 Jan 3. [Epub ahead of print]. IF= 3.365
- 8 BIANCHI S, FRATI ER, LAI A, COLZANI D, CICERI G, BAGGIERI M, LAMBERTI A, SENATORE S, FACCINI M, MAZZILLI F, GRAMEGNA M, ZEHENDER G, MAGURANO F, TANZI E, AMENDOLA A. Genetic characterisation of Measles virus variants identified

- during a large epidemic in Milan, Italy, March-December 2017. *Epidemiol Infect.* 2019, Jan;147:e80. doi: 10.1017/S0950268818003606. IF= 2.047
- 9 EBRANATI E, VEO C, CARTA V, PERCIVALLE E, ROVIDA F, FRATI ER, AMENDOLA A, CICCOCCHI M, TANZI E, GALLI M, BALDANTI F, ZEHENDER G. Time-scaled phylogeography of complete Zika virus genomes using discrete and continuous space diffusion models. *Infect Genet Evol.* 2019 Sep;73: 33-43. IF= 2.611
  - 10 CICCOCCHI M, LAI A, ZEHENDER G, BORSETTI A, CELLA E, CIOTTI M, SAGNELLI E, SAGNELLI C, ANGELETTI S. The phylogenetic approach for viral infectious disease evolution and epidemiology: An updating review. *J Med Virol.* 2019 Oct;91(10):1707-1724. doi: 10.1002/jmv.25526. Epub 2019 Jul 12. Review. IF= 2.049
  - 11 CICERI G, CANUTI M, BIANCHI S, GORI M, PIRALLA A, COLZANI D, LIBRETTI M, FRATI ER, BAGGIERI M, LAI A, ROVIDA F, ZEHENDER G, BALDANTI F, MAGURANO F, TANZI E, AMENDOLA A. Genetic variability of the measles virus hemagglutinin gene in B3 genotype strains circulating in Northern Italy. *Infect Genet Evol.* 2019; 75:103943. doi: 10.1016/j.meegid.2019.103943. Epub 2019 Jun 28. IF= 2.611
  - 12 VEO C, DELLA VENTURA C, MORENO A, ROVIDA F, PERCIVALLE E, CANZIANI S, TORRI D, CALZOLARI M, BALDANTI F, GALLI M, ZEHENDER G. Evolutionary Dynamics of the Lineage 2 West Nile Virus That Caused the Largest European Epidemic: Italy 2011-2018. *Viruses.* 2019 Sep 3;11(9). pii: E814. doi: 10.3390/v11090814. IF= 3.811
  - 13 SEBASTIANI M, ATZENI F, MILAZZO L, QUARTUCCIO L, SCIRÈ C, GAETA GB, LAPADULA G, ARMIGNACCO O, TAVIO M, OLIVIERI I, MERONI P, BAZZICHI L, GRASSI W, MATHIEU A, MASTROIANNI C, SAGNELLI E, SANTANTONIO T, FOPPA CU, PUOTI M, SARMATI L, AIRÒ P, EPIS OM, SCRIVO R, GARGIULO M, RIVA A, MANFREDI A, CIANCIO G, ZEHENDER G, TALIANI G, MERONI L, SOLLIMA S, SARZI-PUTTINI P, GALLI M. Italian consensus recommendations for the management of hepatitis C infection in patients with rheumatoid arthritis. *Mod Rheumatol.* 2018 Dec 22:1-8. IF= 1.973
  - 14 CECCARELLI, G., CELLA, E., VITA, S., LAI, A., EBRANATI, E., ZEHENDER, G., FOGOLARI, M., ANTONELLI, F., LUCA GUARINO, M.P., RIVA, E., ANGELETTI, S., CICCOCCHI, M. A case of hepatitis B virus infection in Eritrean Dicitotti migrant: phylogenetic analysis and 'mirror effect'. *Future Virology* 2019, 14 (8), pp. 509-514. IF= 0.730
  - 15 DE FLORIO L, RIVA E, GIONA A, DEDEJ E, FOGOLARI M, CELLA E, SPOTO S, LAI A, ZEHENDER G, CICCOCCHI M, ANGELETTI S. MALDI-TOF MS Identification and Clustering Applied to Enterobacter Species in Nosocomial Setting. *Front Microbiol.* 2018;9 :1885. IF= 4.019
  - 16 GORI M, EBRANATI E, SCALTRITI E, HUEDO P, CICERI G, TANZI E, PONTELLO M, ZEHENDER G, PONGOLINI S, BOLZONI L. High-resolution diffusion pattern of human infections by Salmonella enterica serovar Napoli in Northern Italy explained through phylogeography. *PLoS One.* 2018;13(8):e0202573. IF= 2.776
  - 17 ZEHENDER G, LAI A, VEO C, BERGNA A, CICCOCCHI M, GALLI M. Bayesian reconstruction of the evolutionary history and cross-species transition of variola virus and orthopoxviruses. *J Med Virol.* 2018;90:1134-1141. IF= 2.049
  - 18 EBRANATI E, LAUZI S, CERUTTI F, CARUSO C, MASOERO L, MORENO A, DE MIA GM, PELETTO S, ZEHENDER G, LUZZAGO C. Highlighting priority areas for bovine viral diarrhea control in Italy: A phylogeographic approach. *Infect Genet Evol.* 2018 Jan 9;58:258-268. IF= 2.611
  - 19 CHIAPPONI C, EBRANATI E, PARIANI E, FACCINI S, LUPPI A, BAIONI L, MANFREDI R, CARTA V, MERENDA M, AFFANNI P, COLUCCI ME, VERONESI L, ZEHENDER G, FONI E.

- Genetic analysis of human and swine influenza A viruses isolated in Northern Italy during 2010-2015. *Zoonoses Public Health*. 2018 Feb;65:114-123. IF= 2.164
- 20 ZEHENDER G, VEO C, EBRANATI E, CARTA V, ROVIDA F, PERCIVALLE E, MORENO A, LELLI D, CALZOLARI M, LAVAZZA A, CHIAPPONI C, BAIONI L, CAPELLI G, RAVAGNAN S, DA ROLD G, LAVEZZO E, PALÙ G, BALDANTI F, BARZON L, GALLI M. Reconstructing the recent West Nile virus lineage 2 epidemic in Europe and Italy using discrete and continuous phylogeography. *PLoS One*. 2017 Jul 5;12(7):e0179679. IF=3.39
  - 21 SEBASTIANI M, ATZENI F, MILAZZO L, QUARTUCCIO L, SCIRÈ C, GAETA GB, LAPADULA G, ARMIGNACCO O, TAVIO M, OLIVIERI I, MERONI P, BAZZICHI L, GRASSI W, MATHIEU A, MASTROIANNI C, SAGNELLI E, SANTANTONIO T, UBERTI FOPPA C, PUOTI M, SARMATI L, AIRÒ P, EPIS OM, SCRIVO R, GARGIULO M, RIVA A, MANFREDI A, CIANCIO G, ZEHENDER G, TALIANI G, MERONI L, SOLLIMA S, SARZI-PUTTINI P, GALLI M. Italian consensus Guidelines for the management of hepatitis B virus infections in patients with rheumatoid arthritis. *Joint Bone Spine*. 2017 May 18. pii: S1297-319X(17)30104-5. IF=3.05
  - 22 ANGELETTI S, CELLA E, LAI A, LO PRESTI A, ANTONELLI F, CONTI A, LOPALCO M, SPOTO S, ZEHENDER G, CICCOCCHI M. Whole-genome sequencing of *Klebsiella pneumoniae* MDR strain isolated in a Syrian refugee. *Pathog Glob Health*. 2017 Jun;111(4):212-215. IF=1.72
  - 23 MUGOSA B, CELLA E, LAI A, LO PRESTI A, BLASI A, VRATNICA Z, VUJOŠEVIĆ D, EBRANATI E, LAUŠEVIĆ D, GUARINO M, ZEHENDER G, MILANO T, PASCARELLA S, SPOTO S, ANGELETTI S, CICCOCCHI M. Hepatitis C virus genotype 3A in a population of injecting drug users in Montenegro: Bayesian and evolutionary analysis. *Arch Virol*. 2017 Jun;162(6):1549-1561. IF=2.14
  - 24 LO PRESTI A, ANDRIAMANDIMBY SF, LAI A, ANGELETTI S, CELLA E, MOTTINI G, GUARINO MP, BALOTTA C, GALLI M, HERAUD JM, ZEHENDER G, CICCOCCHI M. Origin and evolutionary dynamics of Hepatitis B virus (HBV) genotype E in Madagascar. *Pathog Glob Health*. 2017 Feb;111(1):23-30. IF= 1.72
  - 25 LUZZAGO C, EBRANATI E, CABEZÓN O, FERNÁNDEZ-SIRERA L, LAVÍN S, ROSELL R, VEO C, ROSSI L, CAVALLERO S, LANFRANCHI P, MARCO I, ZEHENDER G. Spatial and Temporal Phylogeny of Border Disease Virus in Pyrenean Chamois (*Rupicapra p. pyrenaica*). *PLoS One*. 2016 Dec 29;11(12):e0168232. IF=3.39
  - 26 AMENDOLA A, BIANCHI S, LAI A, CANUTI M, PIRALLA A, BAGGIERI M, RANGHIERO A, PIATTI A, TANZI E, ZEHENDER G, MAGURANO F, BALDANTI F. Measles re-emergence in Northern Italy: Pathways of measles virus genotype D8, 2013-2014. *Infect Genet Evol*. 2017 Mar;48:120-126. IF=2.85
  - 27 CERUTTI F, LUZZAGO C, LAUZI S, EBRANATI E, CARUSO C, MASOERO L, MORENO A, ACUTIS PL, ZEHENDER G, PELETTI S. Phylogeography, phylodynamics and transmission chains of bovine viral diarrhoea virus subtype 1f in Northern Italy. *Infect Genet Evol*. 2016 Nov;45:262-267. IF=2.85
  - 28 CELLA E, LO PRESTI A, GIOVANETTI M, VEO C, LAI A, DICUONZO G, ANGELETTI S, CIOTTI M, ZEHENDER G, CICCOCCHI M. Phylogenetic Analysis of Human Immunodeficiency Virus Type 2 Group B. *J Glob Infect Dis*. 2016 Jul-Sep;8(3):108-14. IF=nd
  - 29 CELLA E, CECCARELLI G, VITA S, LAI A, PRESTI AL, BLASI A, PALCO ML, GUARINO MP, ZEHENDER G, ANGELETTI S, CICCOCCHI M; Sanitary Bureau of Asylum Seekers Center of Castelnuovo di Porto. First epidemiological and phylogenetic analysis of Hepatitis B virus infection in migrants from Mali. *J Med Virol*. 2017 Apr;89(4):639-646. IF=2.05



- 30 ZEHENDER G, SORRENTINO C, VEO C, FIASCHI L, GIOFFRÈ S, EBRANATI E, TANZI E, CICCIOZZI M, LAI A, GALLI M. Distribution of Marburg virus in Africa: An evolutionary approach. *Infect Genet Evol.* 2016 Oct;44:8-16. IF=2.85
- 31 GIOVANETTI M, MILANO T, ALCANTARA LC, CARCANGIU L, CELLA E, LAI A, LO PRESTI A, PASCARELLA S, ZEHENDER G, ANGELETTI S, CICCIOZZI M. Zika Virus spreading in South America: Evolutionary analysis of emerging neutralizing resistant Phe279Ser strains. *Asian Pac J Trop Med.* 2016 May;9(5):445-52. IF=0.87
- 32 MONTESANO C, GIOVANETTI M, CIOTTI M, CELLA E, LO PRESTI A, GRIFONI A, ZEHENDER G, ANGELETTI S, CICCIOZZI M. Hepatitis E Virus Circulation in Italy: Phylogenetic and Evolutionary Analysis. *Hepat Mon.* 2016 Mar 12;16(3):e31951. IF=1.83
- 33 ANDRIAMANDIMBY SF, LO PRESTI A, LAI A, OLIVE MM, ANGELETTI S, DE FLORIO L, CELLA E, RAZAFINDRAMPARANY M, RAVALOHERY JP, ANDRIAMAMONJY S, GIOFFRÈ S, ZEHENDER G, MOTTINI G, CICCIOZZI M, HERAUD JM. Genetic diversity of hepatitis B virus (HBV) in Madagascar. *J Med Virol.* 2016 Dec;88(12):2138-2144. IF=2.05
- 34 CELLA E, GABRIELLI I, ZEHENDER G, GIOVANETTI M, LO PRESTI A, LAI A, DICUONZO G, ANGELETTI S, SALEMI M, CICCIOZZI M. Phylogeny of Murray Valley encephalitis virus in Australia and Papua New Guinea. *Asian Pac J Trop Med.* 2016 Apr;9(4):385-9. IF=0.87
- 35 GRIFONI A, LO PRESTI A, GIOVANETTI M, MONTESANO C, AMICOSANTE M, COLIZZI V, LAI A, ZEHENDER G, CELLA E, ANGELETTI S, CICCIOZZI M. Genetic diversity in Ebola virus: Phylogenetic and in silico structural studies of Ebola viral proteins. *Asian Pac J Trop Med.* 2016 Apr;9(4):337-43. IF=0.87
- 36 ZEHENDER G, FRATI ER, MARTINELLI M, BIANCHI S, AMENDOLA A, EBRANATI E, CICCIOZZI M, GALLI M, LAI A, TANZI E. Dating the origin and dispersal of Human Papillomavirus type 16 on the basis of ancestral human migrations. *Infect Genet Evol.* 2016 Apr;39:258-64. IF=2.85
- 37 LAI A, BOZZI G, FRANZETTI M, BINDA F, SIMONETTI FR, DE LUCA A, MICHELI V, MERAVIGLIA P, BAGNARELLI P, DI BIAGIO A, MONNO L, SALADINI F, ZAZZI M, ZEHENDER G, CICCIOZZI M, BALOTTA C. HIV-1 A1 Subtype Epidemic in Italy Originated from Africa and Eastern Europe and Shows a High Frequency of Transmission Chains Involving Intravenous Drug Users. *PLoS One.* 2016 Jan 11;11(1):e0146097. IF=3.53
- 38 EBRANATI E, PARIANI E, PIRALLA A, GOZALO-MARGÜELLO M, VEO C, BUBBA L, AMENDOLA A, CICCIOZZI M, GALLI M, ZANETTI AR, BALDANTI F, ZEHENDER G. Reconstruction of the Evolutionary Dynamics of A(H3N2) Influenza Viruses Circulating in Italy from 2004 to 2012. *PLoS One.* 2015 Sep 2;10(9):e0137099. IF= 3.53
- 39 LO PRESTI A, CELLA E, GIOVANETTI M, LAI A, ANGELETTI S, ZEHENDER G, CICCIOZZI M. Origin and evolution of Nipah virus. *J Med Virol.* 2016 Mar;88(3):380-8. IF=2.05
- 40 VAGHI V, POTRICH C, PASQUARDINI L, LUNELLI L, VANZETTI L, EBRANATI E, LAI A, ZEHENDER G, MOMBELLO D, COCUZZA M, PIRRI CF, PEDERZOLLI C. On-chip purification and detection of hepatitis C virus RNA from human plasma. *Biophys Chem.* 2016; 208:54-61. IF=2.1
- 41 AZARIAN T, LO PRESTI A, GIOVANETTI M, CELLA E, RIFE B, LAI A, ZEHENDER G, CICCIOZZI M, SALEMI M. Impact of spatial dispersion, evolution, and selection on Ebola Zaire Virus epidemic waves. *Sci Rep.* 2015;5:10170. IF=5.078
- 42 TANZI E, BIANCHI S, FRATI ER, AMICIZIA D, MARTINELLI M, BRAGAZZI NL, BRISIGOTTI MP, COLZANI D, FASOLI E, ZEHENDER G, PANATTO D, GASPARINI R. Human

- papillomavirus detection in paraffin-embedded colorectal cancer tissues. *J Gen Virol.* 2015; 96:206-9. IF=2,514.
- 43 ZEHENDER G, SVICHER V, GABANELLI E, EBRANATI E, VEO C, LO PRESTI A, CELLA E, GIOVANETTI M, BUSSINI L, SALPINI R, ALTERI C, LAI A, TANZI E, PERNO CF, GALLI M, CICCOCCHI M. Reliable timescale inference of HBV genotype A origin and phylodynamics. *Infect Genet Evol.* 2015 Jun;32:361-9. IF=3.264
  - 44 GIOVANETTI M, GRIFONI A, LO PRESTI A, CELLA E, MONTESANO C, ZEHENDER G, COLIZZI V, AMICOSANTE M, CICCOCCHI M. Amino acid mutations in Ebola virus glycoprotein of the 2014 epidemic. *J Med Virol.* 2015;87:893-8. IF=2.217
  - 45 VRATNICA Z, ZEHENDER G, EBRANATI E, SORRENTINO C, LAI A, VUJOŠEVIĆ D, VEO C, LO PRESTI A, CELLA E, GIOVANETTI M, LAUŠEVIĆ D, GALLI M, CICCOCCHI M, MUGOŠA B. Hepatitis B virus genotype and subgenotype prevalence and distribution in Montenegro. *J Med Virol.* 2015 May;87(5):807-13. IF=2.217
  - 46 SCALTRITI E, SASSERA D, COMANDATORE F, MORGANTI M, MANDALARI C, GAIARSA S, BANDI C, ZEHENDER G, BOLZONI L, CASADEI G, PONGOLINI S. Differential single nucleotide polymorphism-based analysis of an outbreak caused by *Salmonella enterica* serovar Manhattan reveals epidemiological details missed by standard pulsed-field gel electrophoresis. *J Clin Microbiol.* 2015;53:1227-38. IF=4.232
  - 47 LO PRESTI A, LAI A, CELLA E, ZEHENDER G, CICCOCCHI M. Chikungunya virus, epidemiology, clinics and phylogenesis: A review. *Asian Pac J Trop Med.* 2014;7:925-32. IF=0.926
  - 48 TANZI E, BIANCHI S, FRATI ER, AMICIZIA D, MARTINELLI M, BRAGAZZI NL, BRISIGOTTI MP, COLZANI D, FASOLI E, ZEHENDER G, PANATTO D, GASPARINI R. Human papillomavirus detection in paraffin-embedded colorectal cancer tissues. *J Gen Virol.* 2015;96(Pt 1):206-9. IF=3.529
  - 49 CICCOCCHI M, LO PRESTI A, CELLA E, GIOVANETTI M, LAI A, EL-SAWAF G, FAGGIONI G, VESCIO F, AL AMERI R, DE SANTIS R, HELALY G, POMPONI A, METWALLY D, FANTINI M, QADI H, ZEHENDER G, LISTA F, REZZA G. Phylogeny of Dengue and Chikungunya viruses in Al Hudayda governorate, Yemen. *Infect Genet Evol.* 2014;27:395-401. IF=3.264
  - 50 LUZZAGO C, LAUZI S, EBRANATI E, GIAMMARIOLI M, MORENO A, CANNELLA V, MASOERO L, CANELLI E, GUERCIO A, CARUSO C, CICCOCCHI M, DE MIA GM, ACUTIS PL, ZEHENDER G, PELETTI S. Extended Genetic Diversity of Bovine Viral Diarrhea Virus and Frequency of Genotypes and Subtypes in Cattle in Italy between 1995 and 2013. *Biomed Res Int.* 2014;2014:147145. IF=2.561.
  - 51 SAGNELLI C, CICCOCCHI M, PISATURO M, ZEHENDER G, LO PRESTI A, ALESSIO L, STARACE M, LOVERO D, SAGNELLI E, COPPOLA N. Molecular epidemiology of hepatitis B virus genotypes circulating in acute hepatitis B patients in the Campania region. *J Med Virol.* 2014;86:1683-93. IF=2.373.
  - 52 ZEHENDER G, EBRANATI E, GABANELLI E, SORRENTINO C, LO PRESTI A, TANZI E, CICCOCCHI M, GALLI M. Enigmatic origin of hepatitis B virus: An ancient travelling companion or a recent encounter? *World J Gastroenterol.* 2014;20:7622-7634. IF=2.547.
  - 53 MARTINELLI M, FRATI ER, ZAPPA A, EBRANATI E, BIANCHI S, PARIANI E, AMENDOLA A, ZEHENDER G, TANZI E. Phylogeny and population dynamics of respiratory syncytial virus (Rsv) A and B. *Virus Res.* 2014;189:293-302. IF=2.745.

- 54 ZEHENDER G, EBRANATI E, LAI A, LUZZAGO C, PALADINI S, TAGLIACARNE C, GALLI C, GALLI M, CICCOCCHI M, ZANETTI AR, ROMANÒ L. Phylogeography and phylodynamics of European genotype 3 hepatitis E virus. *Infect Genet Evol.* 2014;25:138-43. IF=3.264.
- 55 LAI A, BOZZI G, FRANZETTI M, BINDA F, SIMONETTI FR, MICHELI V, MERAVIGLIA P, CORSI P, BAGNARELLI P, DE LUCA A, CICCOCCHI M, ZEHENDER G, ZAZZI M, BALOTTA C. Phylogenetic analysis provides evidence of interactions between Italian heterosexual and South American homosexual males as the main source of national HIV-1 subtype C epidemics. *J Med Virol.* 2014;86:729-36. IF=2.373.
- 56 LAI A, CICCOCCHI M, FRANZETTI M, SIMONETTI FR, BOZZI G, BINDA F, ROSI A, BONORA S, DE LUCA A, BALOTTA C, ZEHENDER G. Local and global spatio-temporal dynamics of HIV-1 subtype F1. *J Med Virol.* 2014;86:186-92. IF=2.373.
- 57 MILAZZO L, EBRANATI E, CATTANEO D, GABANELLI E, LAI A, ZEHENDER G, GERVASONI C. Recurrence of another hepatitis B virus escape mutant comes back in a patient infected with HIV and low CD4+ count. *J Med Virol.* 2014;86:97-101. IF=2.373.
- 58 KARAN LS, CICCOCCHI M, YAKIMENKO VV, PRESTI AL, CELLA E, ZEHENDER G, REZZA G, PLATONOV AE. The deduced evolution history of Omsk hemorrhagic fever virus. *J Med Virol.* 2014;86:1181-7. IF=2.373
- 59 CICCOCCHI M., ZEHENDER G., POLAT C., LAI A, KAYMAN T, SORRENTINO C, EBRANATI E, CELLA E, LO PRESTI A, ABACIOGLU H. Phylogenetic analysis of HCV-4d in Turkey: the curious case of Kayseri Province. *J Med Virol.* 2014;86:454-60. IF=2.373
- 60 CICCOCCHI M, CICCAGLIONE AR, LO PRESTI A, EQUESTRE M, CELLA E, EBRANATI E, GABANELLI E, VILLANO U, BRUNI R, YALCINKAYA T, TANZI E, ZEHENDER G. Evolutionary dynamics of HBV-D1 genotype epidemic in Turkey. *J Med Virol.* 2014;86:109-116. IF=2.373
- 61 MORENO A, GABANELLI E, SOZZI E, LELLI D, CHIAPPONI C, CICCOCCHI M, ZEHENDER G, CORDIOLI P. Different evolutionary trends of swine H1N2 influenza viruses in Italy compared to European viruses. *Vet Res.* 2013;44:112. IF=3.426.
- 62 GIULIANI M, SANTORO MM, LO PRESTI A, CELLA E, SCOGNAMIGLIO P, LAI A, LATINI A, FABENI L, GORI C, PINNETTI C, GIRARDI E, PERNO CF, ZEHENDER G, CICCOCCHI M. Circulation of HIV-1 CRF02\_AG among MSM population in central Italy: a molecular epidemiology-based study. *Biomed Res Int.* 2013;2013:810617. IF=2.561
- 63 ZEHENDER G, EBRANATI E, SHKJEZI R, PAPA A, LUZZAGO C, GABANELLI E, LO PRESTI A, LAI A, REZZA G, GALLI M, BINO S, CICCOCCHI M. Bayesian phylogeography of crimean-congo hemorrhagic fever virus in Europe. *PLoS One.* 2013;8:e79663. IF=3.73
- 64 ZEHENDER G, SORRENTINO C, LAI A, EBRANATI E, GABANELLI E, LO PRESTI A, VUJOŠEVIC D, LAUŠEVIC D, TERZIC D, SHKJEZI R, BINO S, VRATNICA Z, MUGOSA B, GALLI M, CICCOCCHI M. Reconstruction of the evolutionary dynamics of hepatitis C virus subtypes in Montenegro and the Balkan region. *Infect Genet Evol.* 2013;17:223-230. IF=3.264.
- 65 CICCOCCHI M, PELETTO S, CELLA E, GIOVANETTI M, LAI A, GABANELLI E, ACUTIS PL, MODESTO P, REZZA G, PLATONOV AE, LO PRESTI A, ZEHENDER G. Epidemiological history and phylogeography of West Nile virus lineage 2. *Infect Genet Evol.* 2013;17:46-50. IF=3.264.
- 66 LO PRESTI A, CICCOCCHI M, CELLA E, GIOVANETTI M, ZEHENDER G, VALENTI D, IANNOTTI N, MALFATTO E, BERNARDINI C, MAGGIOLO F, CALLEGARO A. Migration patterns of HIV-1 subtype B virus in Northern Italy. *New Microbiol.* 2013;36:75-79. IF=1.000

- 67 CICCOTZI M, LO PRESTI A, CICCAGLIONE AR, ZEHENDER G, CIOTTI M. Phylogeny and phylodynamic of Hepatitis C in Italy. *BMC Infect Dis.* 2012;12:S5. IF=3.03.
- 68 PARIANI E, AMENDOLA A, EBRANATI E, RANGHIERO A, LAI A, ANSELM G, ZEHENDER G, ZANETTI A.R. Genetic drift influenza A(H3N2) virus hemagglutinin (HA) variants originated during the last pandemic turn out to be predominant in the 2011-2012 season in Northern Italy. *Infect Genet Evol.* 2013;13:252-260. IF=3.264
- 69 CICCOTZI M, BABAKIR-MINA M, LO PRESTI A, SALPINI R, CELLA E, GABANELLI E, TEOHAROV P, KEVORKYAN A, PERNO CF, ZEHENDER G, CIOTTI M. Molecular analysis of hepatitis B virus in Bulgaria. *J Med Virol.* 2013;85:49-54. IF=2.820.
- 70 ZEHENDER G, PARIANI E, PIRALLA A, LAI A, GABANELLI E, RANGHIERO A, EBRANATI E, AMENDOLA A, CAMPANINI G, ROVIDA F, CICCOTZI M, GALLI M, BALDANTI F, ZANETTI AR. Reconstruction of the evolutionary dynamics of the A(H1N1)pdm09 influenza virus in Italy during the pandemic and post-pandemic phases. *PLoS One.* 2012;7:e47517. IF=4.351.
- 71 CICCOTZI M, MADEDDU G, LO PRESTI A, CELLA E, GIOVANETTI M, BUDRONI C, BABUDIERI S, MURA MS, ZEHENDER G, SALEMI M. HIV type 1 origin and transmission dynamics among different risk groups in sardinia: molecular epidemiology within the close boundaries of an Italian island. *AIDS Res Hum Retroviruses.* 2013;29:404-410. IF=2.178.
- 72 CICCOTZI M, EQUESTRE M, COSTANTINO A, MARASCIO N, QUIRINO A, LO PRESTI A, CELLA E, BRUNI R, LIBERTO MC, FOCÀ A, PISANI G, ZEHENDER G, CICCAGLIONE AR. Hepatitis C virus genotype 4d in Southern Italy: reconstruction of its origin and spread by a phylodynamic analysis. *J Med Virol.* 2012;84:1613-1619. IF=2.820.
- 73 LAI A, SIMONETTI FR, ZEHENDER G, DE LUCA A, MICHELI V, MERAVIGLIA P, CORSI P, BAGNARELLI P, ALMI P, ZONCADA A, PAOLUCCI S, GONNELLI A, COLAO G, TACCONI D, FRANZETTI M, CICCOTZI M, ZAZZI M, BALOTTA C. HIV-1 Subtype F1 Epidemiological Networks among Italian Heterosexual Males Are Associated with Introduction Events from South America. *PLoS One.* 2012;7:e42223. IF=4.351.
- 74 PELETTI S, LO PRESTI A, MODESTO P, CELLA E, ARCUTIS PL, FARCHI F, CIOTTI M, ZEHENDER G, CICCOTZI M. Genetic diversity of Usutu virus. *New Microbiol.* 2012; 35: 167-174. IF=1.000.
- 75 ZEHENDER G, EBRANATI E, GABANELLI E, SHKJEZI R, LAI A, SORRENTINO C, LO PRESTI, A, BASHO M, BRUNO R, TANZI E, BINO S, CICCOTZI M, GALLI M. Spatial and temporal dynamics of hepatitis B virus d genotype in Europe and the Mediterranean basin. *PLoS One.* 2012;7:e37198. IF=4.351
- 76 CICCOTZI M, LAI A, EBRANATI E, GABANELLI E, GALLI M, MUGOSA B, VRATNICA Z, VUJOŠEVIC D, LAUŠEVIC D, CIOTTI M, CELLA E, LO PRESTI A, ZEHENDER G. Phylogeographic Reconstruction of HIV Type 1B in Montenegro and the Balkan Region. *AIDS Res Hum Retroviruses.* 2012;28:1280-1284. IF= 2.178
- 77 LO PRESTI A, CICCOTZI M, CELLA E, LAI A, SIMONETTI FR, GALLI M, ZEHENDER G, REZZA G. Origin, evolution, and phylogeography of recent epidemic CHIKV strains. *Infect Genet Evol.* 2012; 12:392-398. IF=3.086
- 78 ZEHENDER G, SHKJEZI R, EBRANATI E, GABANELLI E, ABAZAJ Z, TANZI E, KRAJA D, BINO S, CICCOTZI M, GALLI M. Reconstruction of the epidemic history of hepatitis B virus genotype D in Albania. *Infect Genet Evol.* 2012;12:291-298. IF=3.086

- 79 LUZZAGO C, EBRANATI E, SASSERA D, LO PRESTI A, LAUZI S, GABANELLI E, CICCOCCHI M, ZEHENDER G. Spatial and temporal reconstruction of bovine viral diarrhea virus genotype 1 dispersion in Italy. *Infect Genet Evol.* 2012; 12: 324-331. IF=3.086
- 80 LAI A, VIOLIN M, EBRANATI E, FRANZETTI M, MICHELI V, GISMONDO MR, CAPETTI A, MERAVIDGLIA P, SIMONETTI FR, BOZZI G, CICCOCCHI M, GALLI M, ZEHENDER G, BALOTTA C. Transmission of resistant HIV-1 variants and epidemiological chains in italian newly diagnosed individuals. *AIDS Res Hum Retroviruses.* 2011;28:857-65. IF=2.178
- 81 MILAZZO L, CORBELLINO M, FOSCHI A, MICHELI V, DODERO A, MAZZOCCHI A, MONTEFUSCO V, ZEHENDER G, ANTINORI S. Late onset of hepatitis B virus reactivation following hematopoietic stem cell transplantation: successful treatment with combined entecavir plus tenofovir therapy. *Transpl Infect Dis.* 2011;14: 95-98. IF=2.035.
- 82 CICCOCCHI M, ZEHENDER G, CENTO V, LO PRESTI A, TEOHAROV P, PAVLOV I, BOGDANOVA V, PERNO CF, CIOTTI M. Molecular analysis of hepatitis C virus infection in Bulgarian injecting drug users. *J Med Virol.* 2011;83: 1565-1570. IF=2.895.
- 83 CICCOCCHI M, CICCAGLIONE AR, LO PRESTI A, YALCINKAYA T, TASKAN ZP, EQUESTRE M, COSTANTINO A., BRUNI R, EBRANATI E, SALEMI M, GRAY R, REZZA G, GALLI M, ZEHENDER G. Reconstruction of the evolutionary dynamics of the hepatitis C virus 1b epidemic in Turkey. *Infect Genet Evol.* 2011; 11 :863-868. IF=3.086.
- 84 ZEHENDER G, EBRANATI E, BERNINI F, LO PRESTI A, REZZA G, DELOGU M, GALLI M, CICCOCCHI M. Phylogeography and Epidemiological History of West Nile Virus Genotype 1a in Europe and the Mediterranean Basin. *Infect Genet Evol.* 2011;11: 646-653. IF=3.086
- 85 BERNINI F, EBRANATI E, DE MADDALENA C, SHKJEZI R, MILAZZO L, LO PRESTI A, CICCOCCHI M, GALLI M, ZEHENDER G. Within-Host Dynamics of the Hepatitis C Virus Quasispecies Population in HIV-1/HCV Coinfected Patients. *PLoS One.* 2011; 31:e16551. IF=4.351
- 86 CICCOCCHI M, VUJOEVI, D, LO PRESTI A, MUGOSA B, VRATNICA Z, LAI A, LAUEVI, D, DRAKOVI, N, MARJANOVIC A, CELLA E, SANTORO MM, ALTERI C, FABENI L, CIOTTI M, ZEHENDER G. Genetic Diversity of HIV-1 in Montenegro. *Aids Research And Human Retroviruses.* 2011;27:921-4. IF: 2.178
- 87 CICCOCCHI M, BABAKIR-MINA M, LO PRESTI A, FARCHI F, ZEHENDER G., EBRANATI E, PERNO CF, CIOTTI M. Genetic variability of the small t antigen of the novel KI, WU and MC polyomaviruses. *ARCHIVES OF VIROLOGY.* 2010;155; 1433-1438. IF: 1.909
- 88 BON I, CICCOCCHI M, ZEHENDER G, BIAGETTI C, VERRUCCHI G, LAI A, LO PRESTI A, GIBELLINI D, RE MC. HIV-1 subtype C transmission network : the phylogenetic reconstruction strongly supports the epidemiological data. *JOURNAL OF CLINICAL VIROLOGY.* 2010; 48: 212-214. IF: 3.124
- 89 ZEHENDER G, EBRANATI E, LAI A, SANTORO MM, ALTERI C, GIULIANI M, PALAMARA G, PERNO CF, GALLI M, LO PRESTI A, CICCOCCHI M. Population dynamics of HIV-1 subtype B in a cohort of men-having-sex-with-men in Rome, Italy. *JOURNAL OF ACQUIRED IMMUNE DEFICIENCY SYNDROMES.* 2010;55;156-160. IF: 4.207
- 90 ZEHENDER G, DE MADDALENA C, CANUTI M, ZAPPA A, AMENDOLA A, LAI A, GALLI M, TANZI E. Rapid molecular evolution of human bocavirus revealed by Bayesian coalescent inference . *Infection Genetics and Evolution.* 2010;10: 215-220. IF:2.792.
- 91 ZEHENDER, G, BERNINI F, DELOGU M, CUSI M G, REZZA G, GALLI M , CICCOCCHI M. Bayesian skyline plot inference of the Toscana virus epidemic: a decline in the effective

- number of infections over the last 30 years. *Infect Genet Evol.* 2009; 9: 562-566. IF:2.792.
- 92 ZEHENDER G, DE MADDALENA C, GIAMBELLI C, MILAZZO L, SCHIAVINI M, BRUNO R, TANZI E, GALLI M. Different evolutionary rates and epidemic growth of hepatitis B virus genotypes A and D. *Virology.* 2008; 380: 84-90. IF:3.539
  - 93 ZEHENDER G, EBRANATI E, DE MADDALENA C, GIANELLI E, RIVA A, RUSCONI S, MASSETTO B, RANKIN F, ACURIE M, GALLI M. Description of a trans-Saharan strain of human T-lymphotropic virus type 1 in West Africa. *J Acquir Immune Defic Syndr.* 2008; 47: 269-273. IF:4.57.
  - 94 ZEHENDER G, EBRANATI E, BERNINI F, DE MADDALENA C, GIAMBELLI C, COLLINS J, VALVERDE A, MONTIN Z, GALLI M. Phylogeny of human T-cell lymphotropic virus type 1 (HTLV-1) in Peru: a high degree of evolutionary relatedness with South African isolates. *AIDS Research and Human Retroviruses.* 2007; 23: 1146-1149. IF=2.531
  - 95 DE MADDALENA C, GIAMBELLI C, TANZI E, COLZANI D, SCHIAVINI M, MILAZZO L, BERNINI F, EBRANATI E, CARGNEL A, BRUNO R, GALLI M, ZEHENDER G. High level of genetic heterogeneity in S and P genes of genotype D hepatitis B virus. *Virology.* 2007; 365: 113-124. IF=3.08
  - 96 ZEHENDER G, DE MADDALENA C, BERNINI F, EBRANATI E, MONTI G, PIOLTELLI P, GALLI M. Compartmentalisation of HCV quasispecies in the blood mononuclear cells of patients with mixed cryoglobulinemic syndrome. *JOURNAL OF VIROLOGY.* 2005;79: 9145-9156. IF= 5.178
  - 97 ZEHENDER G, COLASANTE C, DE MADDALENA C, BERNINI F, SAVASI V, PERSICO T, MERLI S, RIDOLFO A, SANTAMBROGIO S, MORONI M, GALLI M. High prevalence of human T-lymphotropic virus type 1 (HTLV-1) in immigrant male-to-female transsexual sex workers with HIV-1 infection. *Journal of Medical Virology.* 2004; 74: 207-215. IF=2.520
  - 98 GALLI M, BERNINI F, ZEHENDER G. Alexander the Great and West Nile virus encephalitis (replies). *Emerging Infectious Diseases.* 2004; 10: 1330-1332. IF=5.308
  - 99 ZEHENDER G, DE MADDALENA C, MILAZZO L, PIAZZA M, TANZI E, BRUNO R, GALLI M. Hepatitis B virus (HBV) genotype distribution in HIV-1 coinfecting patients. *Gastroenterology.* 2003; 215:1559-1560. IF=12.386
  - 100 ZEHENDER G, COLASANTE C, SANTAMBROGIO S, DE MADDALENA C, MASSETTO B, CAVALLI B, JACCHETTI G, FASAN M, ADORNI F, OSIO M, MORONI M, GALLI M. Increased risk of developing peripheral neuropathy in HTLV-2 and HIV-1 coinfecting patients. *Journal of Acquired Immune Deficiency Syndromes.* 2002; 31: 440-447. IF=3.871
  - 101 ZEHENDER G, VARCHETTA S, DE MADDALENA C, COLASANTE C, RIVA A, MERONI L, MORONI M, GALLI M. Resistance to Fas-mediated apoptosis of human T-cell lines expressing human T-lymphotropic virus type-2 (HTLV-2) Tax protein. *Virology.* 2001; 281 :43-50. IF=3.08
  - 102 ZEHENDER G, MANZIN A, DE MADDALENA C, COLASANTE C, SOLFOROSI L, CORSI F, BIANCHI-BOSISIO A, GIROTTO M, SCHIRRU I, RUSSO U, GALLI M, CLEMENTI M. Molecular epidemiology of TT virus in Italy and phylogenesis of viral isolates from subjects at different risk for parenteral exposure. *Journal of Medical Virology.* 2001; 63:76-84. IF=2.520
  - 103 ROSSI MC, GORI A, ZEHENDER G, MARCHETTI G, FERRARIO G, DE MADDALENA C, BANDERA A, DEGLI ESPOSTI A, FRANZETTI F. A PCR-colorimetric microwell plate hybridization assay for detection of *Mycobacterium tuberculosis* and *M. avium* from

- culture samples and Ziehl-Neelsen-positive smears. *Journal of Clinical Microbiology*. 2000; 38: 1772-1776. IF=3.537
- 104 ZEHENDER G, ZAGLIANI A, DE MADDALENA C, BIANCHI BOSISIO A, COLASANTE C, BIASIN M, GIROTTI M, CLERICI M, GALLI M. Peripheral blood lymphocyte proliferation specific for HTLV-Tax peptides in enzyme-linked immunosorbent assay-negative HTLV DNA-positive blood donors. *Journal of Acquired Immune Deficiency Syndromes*. 2000; 23:103-105. IF=3.871
  - 105 ESPOSITO S, ZEHENDER G, ZUCCOTTI GV, VEGNI C, GALLI L, VECCHI V, AGOSTONI C, RANCILIO C, DE MADDALENA C, CLERICI M, PRINCIPI N. Role of CCR5 chemokine receptor gene in vertical human immunodeficiency virus type 1 transmission and disease progression. *The Pediatric Infectious Disease Journal*. 1998; 17:847-849. IF=3.047
  - 106 ZEHENDER G, MERONI L, VARCHETTA S, DE MADDALENA C, CAVALLI B, GIANOTTO M, BIANCHI BOSISIO A, COLASANTE C, RIZZARDINI G, MORONI M, GALLI M. Human T-lymphotropic virus type 2 (HTLV-2) provirus in circulating cells of the monocyte/macrophage lineage in patients dually infected with human immunodeficiency virus type 1 and HTLV-2 and having predominantly sensory polyneuropathy. *Journal of Virology*. 1998; 72: 7664-8. IF=5.178
  - 107 ZEHENDER G, GALLI M, MONTI G. GB virus C infection in patients with type II cryoglobulinemia. *Annals of Internal Medicine*. 1998; 128:779. IF=13.254
  - 108 ZEHENDER G., DE MADDALENA C., BIANCHI BOSISIO A., GIANOTTO M, SANTAMBROGIO S., MORONI M., GALLI M. Prevalence of hepatitis G virus RNA in human immunodeficiency virus type 1-positive intravenous drug users. *Journal of Human Virology*. 1998; 1: 96-100. IF=1.974
  - 109 ZEHENDER G, MERONI L, DE MADDALENA C, VARCHETTA S, MONTI G, GALLI M. Detection of hepatitis C virus in CD19 peripheral mononuclear cells of chronically infected patients. *Journal of Infectious Diseases*. 1997; 176: 1209-14. IF=4.953
  - 110 GALLI M, MUSICCO M, SANTAMBROGIO S, DI MARCO A, MURGO L, AUTELITANO MA, RIZZARDINI G, FASAN M, SARACCO A, ZEHENDER G, CORBELLINO M, MORONI M. Time-dependent cumulative probability of long-term maintenance of CD4+ cell counts >500/ul in a cohort of HIV-1 positive individuals. *Journal of Acquired Immune Deficiency Syndromes and Human Retrovirology*. 1997; 15: S14-S18. IF=3.871
  - 111 ZEHENDER G, DE MADDALENA C, GIANOTTO M, CAVALLI B, SANTAMBROGIO S, ORSO M, MORONI M, GALLI M. High prevalence of false negative anti-HTLV-I/II ELISA results in HIV-1 positive patients. *AIDS Research and Human Retroviruses*. 1997; 13: 1141-1146. IF=2.531
  - 112 GALLI M, PIOLTELLI P, ZEHENDER G, MONTI G, MONTEVERDE A. HCV and lymphomagenesis. *Lancet*. 1996; 348: 275. IF=23.407
  - 113 ZEHENDER G, GIANOTTO M, DE MADDALENA C, CAVALLI B, GALLI M. Recent spreading of Human T-lymphotropic virus type II (HTLV-II) among injecting drug users in Spain-Reply. *Journal of Infectious Diseases*. 1996; 174: 892-893. IF=4.953
  - 114 ZEHENDER G, GIROTTI M, DE MADDALENA C, FRANCISCO G, MORONI M, GALLI M. HTLV infection in ELISA-negative blood donors. *AIDS Research and Human Retroviruses*. 1996; 12: 737-740. IF=2.531
  - 115 PIOLTELLI P, ZEHENDER G, MONTI G, MONTEVERDE A, GALLI M. HCV and non-Hodgkin lymphomas. *Lancet*. 1996; 347: 624-625. IF=23.407

- 116 ANTINORI S, GALIMBERTI L, ZEHENDER G, ESPOSITO R, GALLI M. Disappearance of cryoglobulins and remission of symptoms in a patient with HCV-associated type II mixed cryoglobulins after HIV-1 infection. *Clinical and Experimental Rheumatology*. 1995; 13: S157-S159. IF=2.366
- 117 DE MADDALENA C, ZEHENDER G, BIANCHI BOSISIO A, MONTI G, MONTEVERDE A, INVERNIZZI F, GALLI M. HCV-RNA detection using different PCR methods in sera, cryoglobulins and peripheral blood mononuclear cells of patients with mixed cryoglobulinemia. *Clinical and Experimental Rheumatology*. 1995; 13: S119-S122. IF=2.366
- 118 ZEHENDER G, DE MADDALENA C, MONTI G, BALLARE' M, SACCARDO S, PICONI S, INVERNIZZI F, MONTEVERDE A, GALLI M. HCV genotypes in bone marrow and peripheral blood mononuclear cells of patients with mixed cryoglobulinemia. *Clinical and Experimental Rheumatology*. 1995; 13: S87-S90. IF=2.366
- 119 RUSCONI S, RIVA A, MERONI L, ZEHENDER G, COCCHI F, SCAPELLATO L, GALLI M. In vitro anti-HIV-1 antibody production in subjects in different stages of HIV-1 infection. *Clinical and Experimental Immunology*. 1995; 102: 26-30. IF=2.366
- 120 ZEHENDER G, DE MADDALENA C, OSIO M, CAVALLI B, PARRAVICINI C, MORONI M, GALLI M. High prevalence of Human T cell lymphotropic virus infection in patients affected by human immunodeficiency virus type 1-associated predominantly sensory polyneuropathy. *Journal of Infectious Diseases*. 1995; 172: 1595-1598. IF=4.953
- 121 ZEHENDER G, MERONI L, PICONI S, DE MADDALENA C, PARRAVICINI C, CLERICI M, RIDOLFO AL, MORONI M, GALLI M. Frequent detection of antibodies directed against HTLV antigens in patients affected by AIDS-related non Hodgkin lymphoma. *AIDS Research and Human Retroviruses*. 1995; 11: 823-827. IF=2.531
- 122 GALLI M, ZEHENDER G, MONTI G, BALLARE' M, SACCARDO F, PICONI S, DE MADDALENA C, BERTONCELLI MC, RINALDI G, INVERNIZZI F, MONTEVERDE A. Hepatitis C virus RNA in the bone marrow of patients with mixed cryoglobulinemia and in subjects with noncryoglobulinemic chronic hepatitis type C. *Journal of Infectious Diseases*. 1995; 171: 672-675. IF=4.953
- 123 LEE HH, GALLI C, BRCZAK JD, BIFFONI F, DE STASIO G, DE VIRGILIIS S, FANETTI G, MANNELLA E, MARINUCCI G, ONGARO G, ZEHENDER G, ZANETTI AR, AND THE ITALIAN HTLV COLLABORATIVE GROUP. A multicentric seroepidemiological survey of HTLV-I/II in Italy. *Clinical and Diagnostic Virology*. 1994; 2: 139-147. IF=1.644
- 124 ZANETTI AR, ZEHENDER G, TANZI E, GALLI C, REZZA G, CARGNEL A, BOSCHINI A, MARI D, PIZZOCOLO G, MAZZOTTA F, CANAVAGGIO M, LEE H. HTLV-II among italian intravenous drug users and hemophiliacs. *European Journal of Epidemiology*. 1992; 8: 702-707. IF=1.361
- 125 BARBI M, BARDARE M, LURASCHI C, ZEHENDER G, CLERICI-SHOELLER M, FERRARIS G. Antibody response to inactivated poliovaccine (E-IPV) in children born to HIV positive mothers. *European Journal of Epidemiology*. 1992; 8: 211-216. IF=1.361
- 126 DIPOLANTONIO T, MARIANI G, GHIRARDINI A, GRINGERI A, MANNUCCI PM, MASTRULLO L, DE BIASI R, GIUSTARINI G, MORFINI M, SCHIAVONI M, CIAVARELLA N, ZEHENDER G, ZANETTI AR. Low risk of transmission of the human immunodeficiency virus by a solvent detergent treated factor VIII concentrate. *Journal of Medical Virology*. 1992; 36: 71-74. IF=520
- 127 CARGNEL A, ORLANDO G, ZEHENDER G, ZANETTI AR. Drug addiction and AIDS. In *Biomedical and Social Developments in AIDS and Associated Tumors*, Eds Giraldo G,



- Salvatore M, Piazza M, Zarrilli D, Beth-Giraldo E, Antibiotics and Chemoterapy. 1991; 43: 45-54. IF=0.67
- 128 CARIANI E, ZONARO A, PRIMI D, MAGNI E, INCARBONE C, SCALIA P, TANZI E, ZEHENDER G, ZANETTI AR. Detection of HCV RNA and antibodies to HCV after needlestick injuri. Lancet. 1991; 337: 850. IF=23.407
  - 129 ZANETTI AR, TANZI E, ZEHENDER G, MAGNI E, INCARBONE C, ZONARO A, PRIMI D, CARIANI E. Hepatitis C virus RNA in symptomless donors implicated in post-transfusion non-A, non-B hepatitis. Lancet. 1990; 336: 448. IF=23.407
  - 130 ZANETTI AR, ZEHENDER G, TANZI E, RUMI MG, MARI D, FERRONI P, THE LOMBARDY STUDY GROUP ON AIDS OF THE ITALIAN SOCIETY OF IMMUNOHEMATOLOGY. Anti-LAV/HTLV III antibodies in high and low risk groups. Antibiotics and Chemotherapy. 1987; 38, 167-173. IF=0.67

### Contributi in libri

1. GALLI M, ZEHENDER G. Mezzi di accertamento diagnostico in patologia infettiva. In: Moroni M., Esposito R., Antinori S. (Eds). "Malattie Infettive"-Ottava edizione. Masson Ed., Milano, 2014, 67-91.
2. MORONI M, GALLI M, ZEHENDER G. Mezzi di accertamento diagnostico in patologia infettiva. In: Moroni M., Esposito R., De Lalla (Eds). "Manuale di Malattie Infettive"-Settima edizione. Masson Ed., Milano, 2008, 79-103.
3. ZEHENDER G, RUSCONI S, DE MADDALENA C, GALLI M. "I retrovirus umani" In: Alessandro Zanetti (Ed). Il rischio trasfusionale: le infezioni trasmissibili". Edizioni SIMTI Servizi srl, Milano, 2003, 51-63.
4. MORONI M, GALLI M, ZEHENDER G. Mezzi di accertamento diagnostico in patologia infettiva. In: Moroni M., Esposito R., De Lalla (Eds). "Manuale di Malattie Infettive"-Sesta edizione. Masson Ed., Milano, 2003, 77-103.
5. MORONI M, GALLI M, ZEHENDER G. Mezzi di accertamento diagnostico in patologia infettiva. In: Moroni M., Esposito R., De Lalla (Eds). "Manuale di Malattie Infettive"-Quinta edizione. Masson Ed., Milano, 1998, 75-97.
6. MONTEVERDE A, INVERNIZZI F, PILERI S, MONTI G, BALLARE' M, BORDIN G, ZIGROSSI P, CAMPANINI M, SABATTINI E, BERTONCELLI MC, SACCARDO F, ZACCALA G, PACCAGNINO L, DUGNANI M, MADULI E, ZEHENDER G., GNEMMI P, PIETROGRANDE M. Le crioglobulinemie miste. Edizioni Luigi Pozzi, Roma, 1996.
7. GALLI M, D'ARMINIO MONFORTE A, MERONI L, VAGO L, VIGANO' A, ZEHENDER G. Le infezioni da citomegalovirus: clinica e terapia. Edizioni Ulisse, Segrate (MI), 1995.
8. GALLI M, RIDOLFO AL, ZEHENDER G. Metodiche immunologiche e monitoraggio clinico dell'infezione da HIV-1. In: Burlina A. (Ed.) "Immunologia Clinica" , Piccin Ed., Padova, 1994, 393-412.
9. MORONI M., GALLI M., ZEHENDER G. Mezzi di accertamento diagnostico in patologia infettiva. In: Moroni M., Esposito R., De Lalla (Eds). "Manuale di Malattie Infettive"-Quarta edizione. Masson Ed., Milano, 1994, 65-82.
10. ZANETTI A.R., ZEHENDER G., TANZI E. AIDS: un problema sanitario di importanza mondiale. In: AIDS una prossimità possibile, Atti del Corso per la promozione e la formazione del volontariato, Milano 30 ottobre-18 dicembre 1987, Cargnel A.-Zanetti A.R. eds, CLAS International, Brescia, 1988 [Italia].

### **Altre Pubblicazioni**

- 1 TANZI E, ROMANO' L, ZEHENDER G, CAPELLI C, COCCHIONI M, ZANETTI AR. HCV e test per la sua identificazione. La Trasfusione del Sangue. 1991; 36: 305-310.
- 2 GALLI C, ZEHENDER G, TANZI E, ZANETTI AR. Human T-Cell Leukemia Virus Type I (HTLV I): aspetti epidemiologici e diagnostici. The Ligand Quarterly. 1989; 8, 65-70.
- 3 ZEHENDER G, BOLZERN U, CHIESA I, MOTTA F, RECALDE HR, GOBBI A. Contributo epidemiologico sulla diffusione dell'HBV nel Magentino. La Trasfusione del Sangue. 1988; 33, 273-278.
- 4 ZANETTI AR, TANZI E, ZEHENDER G, CARGNEL A, FERRONI P. Sindrome da Immunodeficienza Acquisita (AIDS): attualità e prospettive. Rivista di Emoterapia e Immunoematologia. 1986; 33: 1-26.
- 5 ZANETTI AR, FERRONI P, COLOMBO M, CARGNEL A, MARI D, ZEHENDER G, RUMI MG, GRINGERI A, AMMASSARI M, MANNUCCI PM. Anti-LAV/HTLV III antibodies in groups of individuals at high risk for infection in Italy. La Ricerca in Clinica e in Laboratorio. 1985; 15, 357-364.
- 6 GIROTTI M, ZEHENDER G, FRANCISCO G, DE MADDALENA C, GALLI M. Donatori di sangue con infezione da HTLV-I/II e Western blot indeterminato. La Trasfusione del Sangue. 1997; 42: 341-2.
- 7 CLERICI-SHOELLER M, ZEHENDER G, ZANETTI A, PLEBANI A, BARDARE M. Mother to child transmission of HIV infection. Developmental Physiopathology and Clinics. 1991; 2: 59-66.
- 8 ZEHENDER G, TANZI E, CAPELLI C, ROMANO' L, ORSO M, PIZZOCOLO G, VALSECCHI L, MAZZOTTA F, MARI D, GIANNELLI F, ZANETTI AR. Importanza della conferma dei campioni anti-HTLV-I positivi al test EIA. La Trasfusione del Sangue. 1991; 36: 58-61.

### **ATTIVITÀ DI DIDATTICA, DI DIDATTICA INTEGRATIVA E DI SERVIZIO AGLI STUDENTI**

#### **Attività didattica**

- Dall'AA 2015/2016 a tutt'oggi è titolare in qualità di Professore di II fascia presso il Dipartimento di Scienze Biomediche e Cliniche "L.Sacco"-polo Vialba, Università degli Studi di Milano di:
  - Modulo di Igiene generale e applicata dell'insegnamento di Sanità Pubblica (2°anno-CFU=3), CdLM a ciclo unico in Medicina e Chirurgia (LM-41), Polo Vialba.
  - Modulo di Igiene del corso di "Introduzione alla Medicina" (1°anno-CFU=1), CdLM a ciclo unico in Medicina e Chirurgia (LM-41), Polo Vialba.
  - Modulo di Igiene dell'insegnamento di "Scienze della prevenzione" (1°anno-CFU=2), corso di Laurea in Infermieristica (L/SNT1), presso Sezione Sacco.
  - Modulo di Igiene del corso di "Clinica e Ricerca in Infermieristica"-(3°anno-CFU=1) corso di Laurea in Infermieristica (L/SNT1), presso Sezione Sacco.
  - Modulo di Igiene generale ed applicata dell'insegnamento in "Scienze della prevenzione e dei servizi sanitari" presso il corso di Laurea in Tecnica della Riabilitazione Psichiatrica (classe L/SNT2-3 CFU=3).
  - Modulo di Igiene nell'insegnamento di "Scienze dei Servizi Sanitari" del CdL in Educazione Professionale (L/SNT2-CFU=2, mutuato dal precedente), fino all'AA 2018/2019.

- Modulo di Igiene nell'insegnamento "Sanità Pubblica" del corso di Laurea in Logopedia (classe L/SNT2-3-CFU=1),
- Modulo di Igiene nell'insegnamento "Scienze fisiche, statistiche, epidemiologiche e radioprotezione" presso il corso di laurea di Terapia della Neuro e Psicomotricità dell'Età Evolutiva (classe L/SNT2-1-CFU=1) a partire dall'AA 2016/2017.
- Dall'AA 2014/2015 e fino all'AA 2018/2019 è stato titolare dell'insegnamento di Microbiologia Clinica e Igiene (CFU=6) presso la laurea specialistica in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica (LM-6).
- Dall'AA 2003/2004 all'AA 2014/2015 è stato titolare dell'insegnamento di Malattie Infettive (CFU=1) nella Laurea in Igiene Dentale (classe L/SNT3), nella laurea in Podologia (classe L/SNT2) presso l'Università di Milano e, fino all'AA 2015/2016, nel Corso di Laurea Magistrale in Biotecnologie Mediche e Medicina Molecolare (classe LM/9).
- Dall'AA 2003/2004 ad oggi è titolare di insegnamenti (CFU=1) presso la Scuole di Specializzazione in "Malattie Infettive e Tropicali"
- dall'AA 2016/2017 ad oggi è titolare di insegnamenti (CFU=1) presso la Scuola di Specializzazione in "Igiene e Medicina Preventiva".
- Dall'AA 2007/2008 all'AA 2017/2018 è stato responsabile scientifico e docente del Corso di Perfezionamento in "Bioinformatica applicata all'evoluzione molecolare e filogenesi degli agenti infettivi" (ore totali 45/anno) presso l'Università di Milano.
- Dall'AA 1999 all'AA 2013/2014 ha svolto continuativamente attività di tutoraggio presso il Dottorato in "Malattie Infettive" e dall'AA 2013/2014 a tutt'oggi è nel collegio dei docenti del Dottorato in "Epidemiologia, Ambiente e Sanità Pubblica".
- Dall'AA 1995/1996 all'AA 2000/2001 ha svolto attività didattica nell'ambito dell'insegnamento di "Immunologia e Immunoematologia" per il Diploma Universitario di Tecnico Sanitario di Laboratorio Biomedico dell'Università degli Studi di Milano.
- Dall'AS 1988/1989 all'AS 1998/1999, è stato titolare dell'insegnamento in "Medicina Sociale-Igiene-Educazione alla Salute" presso la Scuola Regionale per Operatori Sociali di Milano.

#### **Didattica Integrativa e servizio agli studenti**

- Svolge continuativamente da più di 15 anni attività di tutorato presso il Laboratorio di Malattie Infettive, per gli studenti dei corsi di Laurea Magistrale in Medicina e Chirurgia e in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica e nel corso di Laurea Triennale in Scienze Biologiche.
- E' stato Relatore delle seguenti tesi di laurea:
  - AA 2018-2019. Dottorato in Epidemiologia, Ambiente e Sanità pubblica dal titolo: ORIGINE E DISPERSIONE DI WNV-2 IN ITALIA DAL 2011 AL 2018: RICOSTRUZIONE FILOGENETICA E FILOGEOGRAFICA. Candidato: Carla Veo; Coordinatore: Prof. Carlo La Vecchia. Università degli Studi di Milano.
  - AA 2018-2019. Laurea Magistrale in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica dal titolo: EFFICACY OF THE MEDICATIONS THAT RELEASE SILVER CATIONS USED IN THE TREATMENT OF CUTANEOUS ULCERS AND INFECTIONS. Candidato: Valentina Niola; Correlatore: Dr. Carlos Muñoz Collado. Università degli Studi di Milano.
  - AA 2018-2019. Laurea Magistrale in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica dal titolo: FILODINAMICA ED EVOLUZIONE MOLECOLARE DI ZIKA VIRUS: RICOSTRUZIONE FILOGEOGRAFICA DELLA DIFFUSIONE PANDEMICA DEL VIRUS IN AMERICA E STUDIO DELLE MUTAZIONI ASSOCIATE A RESISTENZA AL TRATTAMENTO ANTIVIRALE. Candidato: Carla Della Ventura; Correlatore: Dr.ssa Carla Veo. Università degli Studi di Milano.

- AA 2018-2019. Laurea Magistrale in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica dal titolo: CARATTERIZZAZIONE MOLECOLARE E ANALISI FILOGENETICA DEI GENOMI COMPLETI DI MORBILLIVIRUS RESPONSABILI DELLE EPIDEMIE DEL 2017-2018 IN LOMBARDIA. Candidato: Gianluca Perrone; Correlatore: Dr.ssa Alessia Lai. Università degli Studi di Milano.
- AA 2018-2019. Laurea Magistrale in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica dal titolo: CARATTERIZZAZIONE GENOMICA E ANALISI FILOGENETICA DI ISOLATI CLINICI MULTIRESISTENTI DI ACINETOBACTER BAUMANNII ASSOCIATI A INFEZIONI NOSOCOMIALI. Candidato: Monica Brambilla; Correlatore: Dr.ssa Alessia Lai. Università degli Studi di Milano.
- AA 2017-2018. Laurea Magistrale in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica dal titolo: GENOMICA, EVOLUZIONE ED EPIDEMIOLOGIA MOLECOLARE DI HCV DI GENOTIPO 2 IN ITALIA E NEL MONDO. Candidato: Martina Airoldi; Correlatore: Dr.ssa Erika Ebranati. Università degli Studi di Milano.
- AA 2017-2018. Laurea Magistrale in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica dal titolo: CARATTERIZZAZIONE MOLECOLARE E ANALISI FILOGENETICA DI WHOLE GENOME SEQUENCING DI ISOLATI DI STAPHYLOCOCCUS AUREUS CIRCOLANTI NELL'AREA DI MILANO. Candidato: Amanda Asso; Correlatore: Dr.ssa Alessia Lai. Università degli Studi di Milano.
- AA 2016/2017. Laurea Magistrale in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica dal titolo: EPIDEMIOLOGIA E STORIA EVOLUTIVA DEL GENOTIPO 2 DI HCV IN ITALIA E NEL MONDO: RICOSTRUZIONE FILOGENETICA E FILOGEOGRAFICA. Candidato: Silvia Renica; Correlatore: Dr.ssa Erika Ebranati. Università degli Studi di Milano.
- AA 2016/2017. Laurea in Infermieristica dal titolo: L'IMMUNIZZAZIONE ATTIVA DEGLI OPERATORI SANITARI: ATTEGGIAMENTI E PERCEZIONI IN MERITO ALLA VACCINAZIONE ANTINFLUENZALE, INDAGINE CONOSCITIVA PRESSO L'OSPEDALE SACCO. Candidato: Roberta Martinelli; Correlatore: Dr.ssa Patrizia Basile, Dr. Paolo Carrer. Università degli Studi di Milano.
- AA 2015/2016. Laurea Magistrale in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica dal titolo: STUDIO DELL'EPIDEMIOLOGIA MOLECOLARE DI WNV IN EUROPA E IN ITALIA: CARATTERIZZAZIONE DI ISOLATI TRAMITE NGS E RICOSTRUZIONE FILOGEOGRAFICA. Candidato: Valentina Carta; Correlatore: Dr.ssa Erika Ebranati. Università degli Studi di Milano.
- AA 2014/2015. Laurea Magistrale in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica dal titolo: EPIDEMIOLOGIA DI HCV: FILODINAMICA E FILOGEOGRAFIA DEI SOTTOTIPI PIU' DIFFUSI IN ITALIA E NEI BALCANI OCCIDENTALI; Candidato: Lisa Fiaschi; Correlatore: Dr.ssa Erika Ebranati. Università degli Studi di Milano.
- E' stato correlatore delle seguenti tesi/elaborati di laurea:
- AA 2014/2015. Tesi di specializzazione in Biochimica Clinica: WEST NILE VIRUS IN EUROPA E IN ITALIA: NUOVI APPROCCI DI CARATTERIZZAZIONE MOLECOLARE E STUDI DI FILODINAMICA E FILOGEOGRAFIA. Candidato: Dott.ssa Carla Veo; Relatore: Prof. Pietro Denticò. Università degli Studi di Bari.
- AA 2014/2015. Laurea in Podologia dal titolo: ANOMALIE DEL PIEDE MASCHILE DOPO USO PROLUNGATO DI CALZATURE FEMMINILI CON CONGRUE. Candidato: Marina Talpa; Relatore: Prof. Antonio Serafin. Università degli Studi di Milano.
- AA 2014/2015. Dottorato in Malattie Infettive dal titolo: FILODINAMICA E FILOGEOGRAFIA DEI PRINCIPALI SOTTOTIPI DI HCV NEI BALCANI OCCIDENTALI. Candidato: Chiara

Sorrentino; Coordinatore: Prof.ssa Antonella d'Arminio Monforte. Università degli Studi di Milano.

- AA 2013/2014. Dottorato in Malattie Infettive dal titolo: ORIGINE, EPIDEMIOLOGIA E FILOGEOGRAFIA DEI GENOTIPI D E A DEL VIRUS DELL'EPATITE B. Candidato: Elena Gabanelli; Coordinatore: Prof.ssa Antonella d'Arminio Monforte. Università degli Studi di Milano.
- AA 2013/2014 EPIDEMIOLOGIA MOLECOLARE E FILOGENESI DI HBV IN ITALIA E NEL BACINO DEL MEDITERRANEO; Candidato: Linda Bussini; Relatore: Prof. Massimo Galli; Tesi di Laurea Magistrale in Medicina e Chirurgia - Università degli Studi di Milano.
- AA 2011/2012 EPIDEMIOLOGIA MOLECOLARE E FILOGEOGRAFIA DI HBV E DEI SUOI GENOTIPI IN ITALIA E NEI BALCANI; Candidato: Olivera Ivkovic; Relatore: Prof.ssa Elisabetta Tanzi; Tesi di Laurea Magistrale in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica - Università degli Studi di Milano
- AA 2011/2012 EPIDEMIOLOGIA MOLECOLARE DI HCV IN MONTENEGRO E ALBANIA: FILODINAMICA E FILOGEOGRAFIA DEI SOTTOTIPI PIU' DIFFUSI NEI BALCANI OCCIDENTALI; Candidato: Chiara Sorrentino; Relatore: Prof.ssa Elisabetta Tanzi; Tesi di Laurea Magistrale in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica - Università degli Studi di Milano.
- AA 2010/2011 FILOGEOGRAFIA E FILODINAMICA DEL SOTTOGENOTIPO D DEL VIRUS DELL'EPATITE B IN EUROPA E NELL'AREA DEL MEDITERRANEO; Candidato: Renata Shkjezi; Relatore: Prof. Massimo Galli; Tesi di Laurea Magistrale in Medicina e Chirurgia - Università degli Studi di Milano.
- AA 2010/2011 FILODINAMICA E FILOGEOGRAFIA DEI GENOTIPI DI HBV IN ITALIA E IN ALBANIA; Candidato: Elena Gabanelli; Relatore: Prof.ssa Elisabetta Tanzi; Tesi di Laurea Magistrale in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica - Università degli Studi di Milano.
- AA 2009/2010 EPIDEMIOLOGIA E FILODINAMICA DEI GENOTIPI E SOTTOGENOTIPI DI HBV PIU' DIFFUSI IN ITALIA E IN ALBANIA; Candidato: Renata Shkjezi; Relatore: Prof. Massimo Galli; Tesi di Dottorato in Malattie Infettive - Università degli Studi di Milano
- AA 2008/2009 ANALYSIS OF VESICULAR STOMATITIS VIRUS EXPRESSING NS5A AND NS5B NON-STRUCTURAL PROTEINS OF HEPATITIS C VIRUS AS A POTENTIAL VACCINE; Candidato: Camilla Giambelli, Relatore: Prof. Massimo Galli; Tesi di Dottorato in Fisiopatologia, Clinica e Diagnostica delle infezioni nell'Ospite Immunocompromesso
- AA 2007/2008 DISTRIBUZIONE ED EVOLUZIONE MOLECOLARE DEI GENOTIPI DI HBV IN PAZIENTI CRONICAMENTE INFETTI; Candidato: Deborah Scarinzi; Relatore: Prof.ssa Elisabetta Tanzi; Tesi di laurea Magistrale in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica - Università degli Studi di Milano.
- AA 2007/2008 STUDIO DELL'EVOLUZIONE MOLECOLARE DEL VIRUS DELL'EPATITE C IN SOGGETTI HIV-1/HCV COINFETTI; Candidato: Damaso Icolaro; Relatore: Prof.ssa Elisabetta Tanzi; Tesi di laurea Magistrale in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica - Università degli Studi di Milano.
- AA 2006/2007 SVILUPPO DI UN METODO PER IL RILEVAMENTO DI HBV-DNA IN SANGUE ESSICCATO RACCOLTO SU MEMBRANA; Candidato: Omar Linzani; Relatore: Prof.ssa Elisabetta Tanzi; Tesi di Laurea Triennale in Scienze Biologiche - Università degli Studi di Milano.
- AA 2005/2006 PREVALENZE ED EPIDEMIOLOGIA MOLECOLARE DI HTLV E HBV IN SOGGETTI VIVENTI IN PERU' E AFRICA; Candidato: Erika Ebranati; Relatore: Prof. Massimo Galli; Tesi di Dottorato in Fisiopatologia, Clinica e Diagnostica delle infezioni nell'Ospite

Immunocompromesso e della Sindrome da Immunodeficienza Acquisita - Università degli Studi di Milano.

- AA 2004/2005 STUDIO DELL'EVOLUZIONE E DELLA DINAMICA DELLE QUASISPECIE DEL VIRUS DELL'EPATITE C (HCV) IN SOGGETTI AFFETTI DA CRIOGLOBULINEMIA MISTA E IN SOGGETTI HIV-1/HCV COINFETTI; Candidato: Flavia Bernini; Relatore: Prof. Mauro Moroni; Tesi di Dottorato in Fisiopatologia, Clinica e Diagnostica dell'Ospite Immunocompromesso - Università degli Studi di Milano
- AA 2003/2004 ANALISI FILOGENETICA ED EPIDEMIOLOGIA MOLECOLARE DI HBV IN SOGGETTI CON INFEZIONE CRONICA ED IN PAZIENTI HIV-1 POSITIVI. STUDIO DELLE VARIANTI ESCAPE E FARMACO-RESISTENTI; Candidato: Camilla Giambelli; Relatore: Prof.ssa Elisabetta Tanzi; Tesi di Laurea Quinquennale in Scienze Biologiche - Università degli Studi di Milano.
- AA 2001/2002 EPIDEMIOLOGIA MOLECOLARE DEL VIRUS DELL'EPATITE B IN UNA COORTE DI PAZIENTI CON INFEZIONE DA HIV; Candidato: Manuela Piazza; Relatore: Prof. Massimo Galli; Tesi di Specializzazione in Malattie Infettive - Università degli Studi di Milano.
- AA 2001/2002 DISTRIBUZIONE DI TT VIRUS E DEI SUOI GENOTIPI IN SOGGETTI ITALIANI A DIVERSO RISCHIO DI INFEZIONE; Candidato: Laura Del Fedele; Relatore: Prof.ssa Elisabetta Tanzi; Tesi di Laurea Quinquennale in Scienze Biologiche - Università degli Studi di Milano.
- AA 2000/2001 STUDIO DELL'EVOLUZIONE DELLE QUASISPECIE DEL VIRUS DELL'EPATITE C (HCV) NEL PLASMA, NEL CRIOPRECIPITATO E NELLE CELLULE MONONUCLEATE DI SANGUE PERIFERICO DI PAZIENTI CON SINDROME CRIOGLOBULINEMICA; Candidato: Flavia Bernini; Relatore: Prof.ssa Elisabetta Tanzi; Tesi di Laurea Quinquennale in Scienze Biologiche - Università degli Studi di Milano.
- AA 2000/2001 DINAMICA DELLE QUASISPECIE DELLA REGIONE E1/E2 DEL VIRUS DELL'EPATITE C (HCV) IN SOGGETTI AFFETTI DA CRIOGLOBULINEMIA MISTA; Candidato: Chiara De Maddalena; Relatore: Prof. Mauro Moroni; Tesi di Dottorato in Fisiopatologia, Clinica e Diagnostica delle infezioni nell'Ospite Immunocompromesso e della Sindrome da Immunodeficienza Acquisita - Università degli Studi di Milano.
- AA 2000/2001 SORVEGLIANZA DELLE INFEZIONI DA HTLV-1 E HTLV-2 IN ITALIA : EPIDEMIOLOGIA E PATOGENESI; Candidato: Chiara Colasante; Relatore: Prof. Mauro Moroni; Tesi di Dottorato in Fisiopatologia, Clinica e Diagnostica delle infezioni nell'Ospite Immunocompromesso e della Sindrome da Immunodeficienza Acquisita - Università degli Studi di Milano.
- AA 1998/1999 PREVALENZA E DISTRIBUZIONE GENOTIPICA DI TRANSFUSION TRANSMITTED VIRUS (TTV) IN GRUPPI DI POPOLAZIONI A DIVERSO RISCHIO PERENTERALE O SESSUALE; Candidato: Benedetta Massetto; Relatore: Prof. Massimo Galli; Tesi di Laurea in Medicina e Chirurgia – Università degli Studi di Milano.
- AA 1998/1999 STUDIO DELL'INFEZIONE DA HTLV-2: TROPISMO CELLULARE DEL VIRUS IN SOGGETTI COINFETTATI CON HIV-1 E SUO RUOLO NELLA SUSCETTIBILITA' ALLA APOPTOSI FAS-MEDIATA; Candidato: Stefania Paola Varchetta; Relatore: Prof. Mauro Moroni; Tesi di Dottorato in Fisiopatologia, Clinica e Diagnostica delle infezioni nell'Ospite Immunocompromesso e della Sindrome da Immunodeficienza Acquisita - Università degli Studi di Milano.
- AA 1996/1997: PREVALENZA DEI GENOTIPI DI HCV IN UNA POPOLAZIONE DI TOSSICODIPENDENTI HIV-1 POSITIVI O NEGATIVI; Candidato: Emanuela Lattuada; Relatore: Prof. Massimo Galli; Tesi di Laurea in Medicina e Chirurgia - Università degli Studi di Milano.

- AA 1995/1996 DETERMINAZIONE DI RNA GENOMICO DI HCV IN SOTTOPOPOLAZIONI PURIFICATE DI CELLULE MONONUCLEATE DI SANGUE PERIFERICO DI PAZIENTI CON EPATITE CRONICA C; Candidato: Luca Meroni; Relatore: Prof. Massimo Galli; Tesi di Specializzazione in Malattie Infettive - Università degli Studi di Milano.
- Referente delle seguenti tesi:
  - AA 2012/2013. Master di II livello in Bioinformatica conseguito dal titolo: STRUMENTI BIOINFORMATICI UTILI ALL'IDENTIFICAZIONE DI SPECIE DI ANIMALI SUPERIORI MEDIANTE ANALISI FILOGENETICA. Candidato: Mariangela Masia; Referente: Dr. Ciriaco Ligios. Università degli Studi di Cagliari
- Dall'AA 2013/2014 svolge attività di tutorato presso il Dottorato in "Epidemiologia, Ambiente e Sanità Pubblica", dove tiene anche lezioni e seminari.
- Dal 1999 al 2013/2014 ha svolto attività di tutorato presso il Dottorato in "Malattie Infettive" (ex-"dottorato in "Fisiopatologia clinica e diagnostica delle infezioni nell'ospite immunocompromesso e della sindrome da immunodeficienza acquisita").
- Dall'AA 2014/2015 all'AA 2018/2019 è stato coordinatore e docente dell'elettivo in "Molecular epidemiology and evolution of infectious diseases" per i 4 curricula del C.d.L. in Molecular Biotechnology and Molecular Medicine.
- Ha tenuto seminari nelle seguenti attività elettive per gli studenti di Medicina e Chirurgia dell'Università di Milano:
  - Epatiti Virali ( dall' AA2000/2001 al 2004/2005)
  - Terapia Virale (AA 2003/2004, 2004/2005)
  - Storia Sociale ed Evolutiva delle Malattie Infettive (a partire dall'AA 2005/2006).

#### **Altra attività didattica**

- Aggiornamento professionale per il personale medico che opera nei reparti di malattie infettive (legge L.N. 135/90) anno formativo 2016-" Filogenesi e filogeografia di WNV e Zika Virus" 30 Novembre 2016, UOC Malattie Infettive ASST Lodi.
- Giugno-Luglio 2015- Docente presso il Corso "Applicazioni bioinformatiche nello studio dell'epidemiologia molecolare e dell'evoluzione delle malattie infettive e delle zoonosi in sanità pubblica", Zooprofilattico Sperimentale della Sardegna, Sassari.
- AA 2013/2014 incaricato dei corsi di "Bioinformatica e basi di epidemiologia genetica" e "Genetica Strutturale e Comparativa" nel Dottorato di Ricerca in "Sanità Pubblica, Diagnosi Molecolare delle Malattie Infettive e Farmacovigilanza", presso la Facoltà di farmacia dell'Università Cattolica "Nostra Signora del Buon Consiglio" di Tirana.
- Dal 13 al 17 Novembre 2012 ha tenuto una serie di lezioni teorico/pratiche sulla filogenesi applicata alle malattie infettive nel quadro del Master in "Tecniche di Bioinformatica e Epidemiologia Molecolare applicate alla Malattie Infettive" organizzato dalla Associazione Biologi Ambientalisti Pugliesi (ABAP) di Bari.
- 7 Giugno 2013: Simposio di aggiornamento professionale Ginecologia: "Il paziente infetto: c'è qualcosa di nuovo o sapevamo già che..." Virus HCV, HBV: storia naturale della malattia, interpretazione degli esami.", Milano, Crso Monforte.
- Dal 9 al 10 Aprile 2013 ha partecipato in qualità di docente, al Corso di formazione "Analisi filogenetica in ambito veterinario", organizzato dall'Istituto Zooprofilattico Sperimentale della Lombardia e Emilia Romagna.
- Negli AA 2011/2012 e 2012/2013 ha ottenuto l'incarico dall'Università La Sapienza di Roma

per l'insegnamento dell'argomento "Metodi di ricostruzione filogenetica: metodi di distanza, metodi di massima parsimonia e massima verosimiglianza", per un totale di 8 ore, nel quadro del Master di II livello in Virologia Molecolare, della stessa Università.

- Dal 19 al 21 Marzo 2012 ha tenuto una serie di Lezioni/Seminari Teorico/Pratici presso il Medical Research Institute di Alessandria (Egitto) nel quadro del Workshop in "Molecular Epidemiology and Phylogenesis of Infectious Diseases", organizzato in cooperazione da MRI-Alessandria e ISS-Italia.
- Progetto "Formazione a Distanza HIV SACCO: Aggiornamenti in Infettivologia"- "Trends nell'epidemiologia molecolare di HIV", Registrato a Milano, presso Ospedale L. Sacco, Dicembre 2011.
- Aggiornamento professionale per il personale medico che opera nei reparti di malattie infettive (legge L.N. 135/90) anno formativo 2011-" Filogenesi dei virus epatitici" 25 e 26 Ottobre 2011, Ospedale Sacco, Milano.
- Nel Dicembre 2010 ha tenuto una serie di lezioni in qualità di docente nel corso di formazione "Sequenziamento genico e tecniche bioinformatiche per lo studio dell'evoluzione molecolare e della filogenesi dei microrganismi" presso l'Istituto Nazionale di malattie Infettive "L. Spallanzani" di Roma.
- Dal 11 al 13 Marzo 2008 ha partecipato in qualità di docente al "Basic course on phylogenetic analysis" tenutosi a Sofia (BG) ed organizzato dall' Istituto Superiore di Sanità di Roma e dal National Center for Infectious and Parasitic Diseases di Sofia, nel quadro del Twinnig Project STRENGTHENING OF THE NATIONAL SURVEILLANCE SYSTEM FOR COMMUNICABLE DISEASES
- Dal 2 al 5 Ottobre 2007 ha partecipato all'organizzazione e allo svolgimento del corso "INTRODUZIONE ALLE TECNICHE DI BIOINFORMATICA PER ANALISI EPIDEMIOLOGICO – MOLECOLARI" organizzato dall'Istituto Superiore di Sanità di Roma
- Dal 26 al 29 settembre 2006 ha tenuto lezioni teorico/pratiche in qualità di docente nel corso "INTRODUZIONE ALLE TECNICHE DI BIOINFORMATICA PER ANALISI EPIDEMIOLOGICO – MOLECOLARI" organizzato dal REPARTO EPIDEMIOLOGIA del DIPARTIMENTO di MALATTIE INFETTIVE, PARASSITARIE, IMMUNOMEDIATE dell'Istituto Superiore di Sanità e dall'Ordine Nazionale dei Biologi – Delegazione di Bari-Associazione Biologi Ambientalisti Pugliesi (ABAP)

## **ATTIVITÀ ISTITUZIONALI, ORGANIZZATIVE E DI SERVIZIO**

- Presidente della Commissione Paritetica di Logopedia e membro della Commissione Paritetica di Medicina e Chirurgia presso il Polo Vialba dell'Università di Milano.
- Fa parte della commissione Open Access/Open Science dell'Università di Milano.
- Presso il Dipartimento di Scienze Biomediche e Cliniche L.Sacco ricopre gli incarichi di Delegato per l'Open Access/Open Science e membro della Commissione Spazi e Apparecchiature.
- Membro della Commissione Scientifica della Biblioteca "Alberto Malliani", Università di Milano.
- Fa parte dei seguenti Collegi dei Docenti:
  - CDLM in Medicina e Chirurgia e Biologia applicata alla Ricerca Biomedica dell'Università di Milano
  - CDL Infermieristica
  - CDL in Terapia Della Neuro E Psicomotricità Dell'età Evolutiva, Logopedia, Tecnici della Riabilitazione Psichiatrica
  - Dottorato di "Epidemiologia, Ambiente e Salute Pubblica" (dal 2013/2014)



- Scuola di Specializzazione in “Igiene e Medicina Preventiva”
- Iscritto alla Società di Igiene Medicina Preventiva e Sanità Pubblica (Siti) e alla Società Italiana di Malattie Infettive (SIMIT).

#### ALTRE INFORMAZIONI

##### Conoscenza lingue:

- Italiano (lingua madre)
- Inglese: lettura, scrittura e espressione=B2
- Francese: lettura =B1, scrittura e espressione orale =A2.

Data

14/05/2020

Luogo

Milano