



AL MAGNIFICO RETTORE
DELL'UNIVERSITA' DEGLI STUDI DI MILANO

Andrea Gnocchi
CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI

Cognome	Gnocchi
Nome	Andrea
Data Di Nascita	28/05/1991

OCCUPAZIONE ATTUALE

Incarico	Struttura
Ricercatore PostDoc	IFOM (Istituto FIRC di Oncologia Molecolare)

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Titolo	Corso di studi	Università	anno conseguimento titolo
Laurea Magistrale o equivalente	Biotechnologie Industriali (LM-8)	Università degli studi di Milano-Bicocca	2015
Specializzazione			
Dottorato Di Ricerca	Medicina dei sistemi (R-20)	Università degli Studi di Milano / Univerità Federico II di Napoli	2021
Master			
Diploma Di Specializzazione Medica			
Diploma Di Specializzazione Europea			
Altro	Laurea in Biotechnologie (L-2)	Università degli studi di Milano-Bicocca	2013

ISCRIZIONE AD ORDINI PROFESSIONALI

Data iscrizione	Ordine	Città
-----------------	--------	-------



--	--	--

LINGUE STRANIERE CONOSCIUTE

lingue	livello di conoscenza
Italiano	Madrelingua
Inglese	C1 (IELTS)

PREMI, RICONOSCIMENTI E BORSE DI STUDIO

anno	Descrizione premio
2017	Research fellowship Fondazione Umberto Veronesi (FUV)

ATTIVITÀ DI FORMAZIONE O DI RICERCA

2021-oggi	Ricercatore PostDoc (IFOM, Milano, DNA Metabolism laboratory) Supervisore: Prof. Vincenzo Costanzo
2016-2020	PhD student (IFOM, Milano, DNA Metabolism laboratory) Supervisore: Prof. Vincenzo Costanzo
2016	Ricercatore con borsa (Università degli studi di Milano-Bicocca, Dipartimento di Biotecnologie e Bioscienze, Milano) Supervisore: Prof. Marco Ercole Vanoni
2015	Stagista tesi Magistrale (IRCCS Istituto Ortopedico Galeazzi, laboratorio di Ingegneria tissutale, Milano) Supervisori: Dr. Ing. Matteo Moretti, Dr.ssa Silvia Lopa
2013	Stagista tesi Triennale (Università degli studi di Milano-Bicocca, Dipartimento di Biotecnologie e Bioscienze, Milano) Supervisore: Prof.ssa Maria Pia Longhese

ATTIVITÀ PROGETTUALE

Anno	Progetto
2016 - 2021	Understanding the impact of replication stress on the expression of early genes in mouse embryonic stem cells (Atashpaz et al., e-life, 2020)
2016	Investigation of the mechanisms of 5-fluorouracil resistance acquisition in human colorectal cancer cells
2015	Chondrogenic and osteogenic response of human primary chondrocytes and mesenchymal stem cells to a bovine colostrum derivative
2013	Sae2 e Dna2 sono bersagli di CDK nella regolazione ciclo cellulare-dipendente della ricombinazione omologa

TITOLARITÀ DI BREVETTI



Brevetto

CONGRESSI, CONVEGNI E SEMINARI

Data	Titolo	Sede
2019	Speaker al YIP EMBO meeting (Genome stability) Titolo talk: "Understanding the consequences of replication stress in embryonic stem cells and cancer"	Università di Zurigo, EZH (politecnico di Zurigo) - Zurigo, Svizzera
2019	Workshop: "Introduction to scientific programming in Python"	IFOM - Milano, Italia
2019	Workshop: "RNA-seq and Single-cell-seq Workshop: An introductory course to RNA-Seq and Single-cell seq" (Bx2M associazione culturale per la medicina molecolare)	Università di Torino - Torino, Italia
2018	Summer school: "Bioinformatics: computer methods in molecular and systems biology"	ICGEB, Trieste, Italia
2018	Presentazione poster: "Uncovering the mechanisms underlying the transition of ESC to 2C-like cells" (IFOM PhD networking days)	IFOM - Milano, Italia

PUBBLICAZIONI

Libri

Articoli su riviste

ATR expands embryonic stem cell fate potential in response to replication stress., Atashpaz et al., eLife, 2020

Atti di convegni

ALTRE INFORMAZIONI

Competenze

Tecniche di coltura cellulare:

coltura di cellule di linea (umane e murine) e primarie (cellule staminali embrionali murine, condroblasti)



Trasfezione di RNA e plasmidi (CaCl o lipidi cationici) in cellule primarie o di linea. Produzione di vettori lentivirali ed infezione di cellule primarie murine.

Delezione di geni tramite CRISPR (trasfezione di complessi ribonucleoproteici).

Tecniche di Biologia Molecolare:

Estrazione di RNA e DNA. Elettroforesi di acidi nucleici su agarosio standard e Pulse-field, Southern-blot.

Retrotrascrizione di RNA, PRC e Real-time qPCR.

Restrizione e ligazione di plasmidi e clonaggi per la produzione di vettori di espressione batterici o eucariotici.

Produzione di vettori per knock-down costitutivo o transiente tramite shRNA o per espressione costitutiva di sgRNA (sistema CRISPR).

Tecniche di Biochimica:

estrazione di proteine (totali o frazionamento nucleo-citoplasma) da eucarioti e procarioti. Elettroforesi di proteine accoppiate a western blot, Comassie o Silver-staining. Saggi di immunoprecipitazione (iPOND, CHIP).

Espressione di proteine da batteri e purificazione per affinità (GST-glutatione, MBP-Mannosio o His-tag).

Separazione di proteine per cromatografia FPLC con size-exclusion.

FACS e Imaging:

citometria a flusso su cellule primarie o di linea marcate con Ioduro di Propidio (DNA) o anticorpi fluorescenti per identificazione di proteine citoplasmatiche.

Microscopia widefield su campioni fissati e non. Immunofluorescenza su cellule primarie o di linea.

Inclusione in paraffina e colorazioni istologiche (Azalin Red, Alcyan Ble, Ematossilina-Eosina) su cellule primarie e tessuti generati *in vitro*.

Microscopia confocale su cellule primarie e di linea (immunofluorescenza).

Tools bioinformatici:

Competenza intermedia nell'uso di pacchetti R (ggplot, limma, edgeR, etc..) e Python (Scipy, Numpy, Pandas, Seaborn, Matplotlib, etc..).

Blast, ClustalX, Primer3, ImageJ/Fiji, FlowJo, Cytoscape.

Le dichiarazioni rese nel presente curriculum sono da ritenersi rilasciate ai sensi degli artt. 46 e 47 del DPR n. 445/2000.

Il presente curriculum, non contiene dati sensibili e dati giudiziari di cui all'art. 4, comma 1, lettere d) ed e) del D.Lgs. 30.6.2003 n. 196.

Luogo e data: Milano, 06/08/2021

FIRMA _____