

CURRICULUM VITAE

Informazioni personali

- *Nome:* Antonio Palazzo
- *Indirizzo:* Via Martino Colonna
- *Data di nascita:* 16/02/1981

Esperienza lavorativa

- **Dicembre 2020 ad oggi:** Ricercatore a tempo determinato (art. 24 comma 3, lettera A della legge n° 240 del 30 Dicembre 2010) presso il Dipartimento di Biologia dell'Università degli studi di Bari, "A. Moro". Titolo del progetto "FlyPE: modello transgenico di Drosophila per l'utilizzo di PolyEtilene come fonte alternativa di carbonio".
- **Dicembre 2017 a Dicembre 2020:** Istituto Tumori "Giovanni Paolo II" IRCCS – BARI. Ricercatore Senior presso il Laboratorio di Nanotecnologia Traslazionale.
- **Agosto 2014 al Gennaio 2018:** Assegno di ricerca dal titolo "Il centromero: un rompicapo epigenetico" (Prof. M. Rocchi) presso il dipartimento di Biologia dell'Università degli Studi di Bari "A. Moro" (3 anni non continuativi).
- **Novembre – Dicembre 2010:** Co.Co.Co presso l'Ospedale "Casa Sollievo della Sofferenza" IRCCS, San Giovanni Rotondo (FG) presso il laboratorio di ricerca di Endocrinologia e Diabetologia (Prof. V. Trischitta).
- **Maggio a Ottobre 2010:** Borsa Lavoro finanziata da Promuovi Italia S.p.A. a copertura del tirocinio formativo svolto nello stesso periodo presso l'Ospedale "Casa Sollievo della Sofferenza" IRCCS, San Giovanni Rotondo (FG).

Istruzione e formazione

- **Gennaio 2011 a Dicembre 2013:** Dottorato di ricerca in "Genetica ed Evoluzione Molecolare e Strutturale" svolto presso il dipartimento di Biologia dell'Università degli studi di Bari "A. Moro" (Prof R. Caizzi). Titolo conseguito il 17/03/2014
- **Dicembre 2012 a Maggio 2013:** Guest Scientist nel gruppo di ricerca "Transposition and Genome Engineering" presso il "Paul Ehrlich Institut" (Langen Hessen – Germania) sotto la supervisione del Prof Zoltan Ivics.
- **09 Marzo 2010:** Laurea magistrale in Scienze Biologiche (quinquennale) conseguita presso l'Università degli studi di Bari con la votazione 106/110.

Partecipazione A Gruppi Di Ricerca Nazionali E Internazionali

2014-2017: EPIGEN: "il centromero, un rompicapo epigenetico" (progetto nazionale, coordinato dal prof. Rocchi).

2015-2017: Baboon Genome Analysis Consortium. Analisi e sequenziamento del genoma di Papio Anubis. (Progetto internazionale coordinato dal prof. Jeffrey Rogers).

2018-2019: Euronanomed II: "LungCheck: Multiplex point-of-care device for lung disease biomarkers in sputum"

(Progetto internazionale con la partecipazione di gruppi di ricerca di Italia, Spagna, Israele, Portogallo e Francia, coordinato dal prof. Cesar Fernandez-Sanchez – Spagna. Referente dell'unità Italiana: dott.ssa Silke Krol).

2020: Sviluppo di modelli predittivi di risposta agli inibitori checkpoints – Tecnomed: Tecnopolo per la medicina di precisione – Regione Puglia. (coordinatore dott.ssa Azzariti)

Progetti finanziati

“FlyPE: modello transgenico di Drosophila per l'utilizzo di PolyEtilene come fonte alternativa di carbonio”. REFIN (Research for Innovation) – Progetto finanziato dalla Regione Puglia. Maggio 2020

Attività Didattica

- Titolare del corso a scelta (3+1 crediti): “Tecniche di manipolazione Genetica e Genomica” nell'ambito del corso di laurea di Biologia Cellulare e Molecolare, Dell'Università degli studi di Bari. AA 2020/2021 (già svolto).
- Corso di “Tecnologie di Genetica molecolare” (20 ore, 2 crediti) nell'ambito del XXXVI ciclo di Dottorato di ricerca “Biodiversità, agricoltura e ambiente”, curriculum: “Genetica e Biotecnologie vegetali” dell'Università degli studi di Bari, “A. Moro” (già svolta).

Capacità e competenze di laboratorio

Biologia molecolare:

Microbiologia; Clonaggio, progettazione e costruzione di vettori di espressione; Genome editing via CRISPR/Cas9 mediated, PCR, Real-Time, FISH, Southern/Western-Blot, Immunofluorescenza, ChIp; Sequenziamento con metodo Sanger; Preparazione di librerie per sequenziamento Illumina; Estrazione e caratterizzazione di Esosomi e Microvescicole da linee cellulari e da fluidi biologici e isolamento di acidi nucleici.

Capacità linguistiche

Madrelingua: Italiana

Altra lingua: Inglese Buono (scrittura, comprensione ed espressione orale)

Capacità e competenze informatiche

Ottima conoscenza dei sistemi operativi Windows e Mac OS con i relativi e principali software per analisi di sequenze.

Capacità e competenze organizzative

Sono in grado di organizzare autonomamente il mio lavoro, gestire progetti definendone le priorità e le responsabilità. Ho ottime capacità di programmazione degli impegni lavorativi assunti nel rispetto delle scadenze e degli obiettivi prefissati. Attivamente impegnato nel volontariato.

Brevetti

- European Patent: EP 2772539 B1: “Bari Promoter Sequences and its uses”.
- Domanda di Brevetto US Patent: 16715451: “UnGE promoter sequence and its uses”

Poster a congressi internazionali e nazionali

- The Magic inside: the universal promoter of two Drosophila transposons of the Bari Family”
A Palazzo, P Lorusso, RM Marsano. In: XIX Italian Drosophila Research Conference Padova, Italy 20---22 June 2018
- “The role of the internal promoter in horizontal Transposon Transfer events”.
Palazzo, R. Caizzi, R. M. Marsano. In: The Mobile Genome: Genetic and Physiological Impacts of Transposable Elements, EMBL Heidelberg, Germany 16 - 19 Sep 2015
- “A comparative analysis of Bari-like transposons”.
Palazzo, R. Caizzi, R. M. Marsano. In XII FISV CONGRESS Rome, Italy September 24-27, 2012
- “An analysis of the transposase of the Bari-like family of mobile elements”
Palazzo, R. Caizzi, R. M. Marsano. In 22nd European Drosophila Research Conference. Lisbon, Portugal 21/24 September 2011

Pubblicazioni scientifiche

- 1) *The Interaction between Reactive Peritoneal Mesothelial Cells and Tumor Cells via Extracellular Vesicles Facilitates Colorectal Cancer Dissemination*. Serrati S, Porcelli L, Fragassi F, Garofoli M, Di Fonte R, Fucci L, Iacobazzi RM, **Palazzo A**, Margheri F, Cristiani G, Albano A, De Luca R, Altomare DF, Simone M, Azzariti A. *Cancers (Basel)*. 2021 May 20;13(10):2505. doi: 10.3390/cancers13102505. PMID: 34065529
- 2) *Long Non-Coding RNA Landscape in Prostate Cancer Molecular Subtypes: A Feature Selection Approach*. De Summa S, **Palazzo A**, Caputo M, Iacobazzi RM, Pilato B, Porcelli L, Tommasi S, Paradiso AV, Azzariti A. *Int J Mol Sci*. 2021 Feb 23;22(4):2227. doi: 10.3390/ijms22042227.
- 3) *A genomic survey of Tc1-mariner transposons in nematodes suggests extensive horizontal transposon transfer events*. **Palazzo A**, Escuder E, D'Addabbo P, Lovero D, Marsano RM. *Mol Phylogenet Evol*. 2021 May; 158:107090. doi: 10.1016/j.ympev.2021.107090. Epub 2021 Feb 2. PMID: 33545274.
- 4) *Transposable elements: a jump toward the future of expression vectors* (Review). **Palazzo A**, Marsano RM. *Crit Rev Biotechnol*. 2021 Aug;41(5):792-808. doi: 10.1080/07388551.2021.1888067. Epub 2021 Feb 23.
- 5) *What You Need, Baby, I Got It”: Transposable Elements as Suppliers of Cis-Operating Sequences in Drosophila* (Review). Moschetti, R., **Palazzo, A.**, Lorusso, P., Viggiano, L., Marsano, R.M. *Biology*, Feb 2020. DOI: 10.3390/biology9020025
- 6) *A single amino acid switch converts the Sleeping Beauty transposase into an efficient unidirectional excisionase with utility in stem cell reprogramming*. Kesselring, L., Miskey, C., Zuliani, C., Querques, I., Kapitonov, V., Laukó, A., Fehér, A., **Palazzo, A.**, Diem, T., Lustig, J., Sebe, A., Wang, Y., Dinnyés, A., Izsvák, Z., Barabas, O., Ivics, Z. *Nucleic Acids Research*, Jan 2020. DOI: 10.1093/nar/gkz1119
- 7) *Reproducibility warning: The curious case of polyethylene glycol 6000 and spheroid cell culture*. Serrati, S., Martinelli, C., **Palazzo, A.**, Iacobazzi, R.M., Perrone, M., Ong, Q.K., Luo, Z., Bekdemir, A., Pinto, G., Cavalleri, O., Cutrignelli, A., Laquintana, V., Denora, N., Stellacci, F., Krol, S. *PLoS ONE* Mar, 2020 doi:10.1371/journal.pone.0224002
- 8) *Alu insertion polymorphisms shared by Papio baboons and Theropithecus gelada reveal an intertwined common ancestry*. Walker, J.A., Jordan, V.E. [...]The Baboon Genome Analysis Consortium. *Mobile DNA*, Oct 2019. DOI: 10.1186/s13100-019-0187-y
- 9) *Transcriptionally promiscuous "blurry" promoters in Tc1/mariner transposons allow transcription in distantly related genomes*. **Palazzo, A.**, Lorusso, P., Miskey, C., Walisko, O., Gerbino, A., Marobbio, C.M.T., Ivics, Z., Marsano, R.M. *Mobile DNA*, Oct 2019. DOI: 10.1186/s13100-019-0155-6
- 10) *The comparative genomics and complex population history of Papio baboons*. Jeffrey Rogers, and the Baboon Genome Analysis Consortium. *Science Advance*. 2019 Jan 30;5(1). Doi: 10.1126/sciadv.aau6947.
- 11) *A computational reconstruction of Papio phylogeny using Alu insertion polymorphisms*. Jordan VE, Walker JA, Beckstrom TO, Steely CJ, McDaniel CL, St Romain CP; Baboon Genome Analysis Consortium, Worley KC, Phillips-Conroy J, Jolly CJ, Rogers J, Konkel MK, Batzer MA. *Mob DNA*. 2018 Apr 5;9:13. Doi: 10.1186/s13100-018-0118-3.
- 12) *Analysis of lineage-specific Alu subfamilies in the genome of the olive baboon, Papio Anubis*. Steely CJ, Baker JN, Walker JA, Loupe CD; Baboon Genome Analysis Consortium, Batzer MA. *Mob DNA*. 2018 Mar 19;9:10.

doi: 10.1186/s13100-018-0115-6

- 13) *Alu Insertion Polymorphisms as Evidence for Population Structure in Baboons*. Steely CJ, Walker JA, Jordan VE, Beckstrom TO, McDaniel CL, St Romain CP, Bennett EC, Robichaux A, Clement BN, Raveendran M; Baboon Genome Analysis Consortium, Worley KC, Phillips-Conroy J, Jolly CJ, Rogers J, Konkel MK, Batzer M. *Genome Biol Evol*. 2017 Sep 1;9(9):2418-2427. doi: 10.1093/gbe/evx184.
- 14) *Papio Baboon Species Indicative Alu Elements*. Walker JA, Jordan VE, Steely CJ, Beckstrom TO, McDaniel CL, St Romain CP, Bennett EC, Robichaux A, Clement BN, Konkel MK; Baboon Genome Analysis Consortium, Batzer MA. *Genome Biol Evol*. 2017 Jun 1;9(6):1788-1796. doi: 10.1093/gbe/evx130.
- 15) *Does the Promoter Constitute a Barrier in the Horizontal Transposon Transfer Process? Insight from Bari Transposons*. **Palazzo A**, Caizzi R, Viggiano L, Marsano RM. *Genome Biol Evol*. 2017 Jun 1;9(6):1637-1645. doi: 10.1093/gbe/evx122
- 16) *Epigenetically induced ectopic expression of UNCX impairs the proliferation and differentiation of myeloid cells*. Daniele G, Simonetti G, Fusilli C, Iacobucci I, Lonoce A, **Palazzo A**, [...], Storlazzi CT. *Haematologica*; April 2017; doi:10.3324/haematol.2016.163022
- 17) *Identification of Bari Transposons in 23Sequenced Drosophila Genomes Reveals Novel Structural Variants, MITEs and Horizontal Transfer*. **Palazzo A**, Lovero D, Moschetti R, Caizzi R, Marsano RM. *PLoS ONE* 2016 May 23; doi:10.1371/journal.pone.0156014.
- 18) *The Drosophila mojavensis Bari3 transposon: distribution and functional characterization*. **Palazzo A**, Moschetti R, Caizzi R, Marsano RM. *Mobile DNA*, 2014, July, 8; doi:10.1186/1759-8753-5-21.
- 19) *Functional characterization of the Bari1 transposition system*. **Palazzo A**, Marconi S, Specchia V, Bozzetti MP, Ivics Z, Caizzi R, Marsano RM. *Plos One*, 2013 Nov 14. DOI: 10.1371/journal.pone.0079385
- 20) *Role of somatomedin-B-like domains on ENPP1 inhibition of insulin signaling*. Dimatteo C, Marucci A, **Palazzo A**, Cisternino C, Marsano RM, Trischitta V, Di Paola R. *Biochim Biophys Acta*. 2012 Oct; DOI:10.1016/j.bbamcr.2012.10.017

Consapevole delle sanzioni penali, nel caso di dichiarazioni non veritiere, di formazione o uso di atti falsi, richiamate dall'art. 76 del D.P.R. 455/2000, dichiaro che quanto sopra corrisponde a verità. Ai sensi del Decreto Legislativo 196/2003 e del GDPR (Regolamento UE 2016/679) dichiaro, altresì, di essere informato che i dati personali raccolti saranno trattati, anche con strumenti informatici, esclusivamente nell'ambito del procedimento per il quale la presente dichiarazione viene resa e che al riguardo competono al sottoscritto tutti i diritti previsti dall'art.7 del D.LGS 196/2003 e dall'art. 13 del GDPR (Regolamento UE 2016/679).

Mola di Bari, 09/07/2021