



AL MAGNIFICO RETTORE  
DELL'UNIVERSITA' DEGLI STUDI DI MILANO

COD. ID: 4462

Il sottoscritto chiede di essere ammesso a partecipare alla selezione pubblica, per titoli ed esami, per il conferimento di un assegno di ricerca presso il Dipartimento di Scienze della Salute dell'Università degli Studi di Milano, Responsabile scientifico: Prof.ssa Raffaella Chiaramonte

**NADIA GALLUCCIO**

**CURRICULUM VITAE**

**INFORMAZIONI PERSONALI**

Cognome	GALLUCCIO
Nome	NADIA
Data Di Nascita	29/12/1980

**OCCUPAZIONE ATTUALE**

Incarico	Struttura
COLLABORATORE AUTONOMO SUPPORTO ALLA RICERCA	FONDAZIONE IRCCS -Policlinico San Matteo di Pavia , Centro Amiloidosi - Laboratorio di Biotecnologie Avanzate (PAVIA-ITALIA) BIOLOGIA MOLECOLARE

**ISTRUZIONE E FORMAZIONE**

Titolo	Corso di studi	Università	anno conseguimento titolo
Laurea Magistrale o equivalente	Laurea Specialistica in TECNOLOGIE APPLICATE ALLA DIAGNOSTICA DI LABORATORIO BIOMEDICO (classe LS6-Biologia)	Università degli Studi di Urbino "Carlo Bo"	2008
Dottorato Di Ricerca	METODOLOGIE BIOCHIMICHE E FARMACOLOGICHE (XXIV ciclo 2008 - 2011)	Università degli Studi di Urbino "Carlo Bo"	2012
Master	MASTER II LIVELLO IN GENETICA ONCOLOGICA (durata del corso annuale)	Università degli studi di Pavia	A.A. 2018/2019 Termine Gennaio 2020
Altro	Summer School: 6TH Sardinian International Summer School "FROM GWAS TO FUNCTION" (36 ore)	Istituto di Ricerca Genetica E Biomedica - CNR, PULA (CAGLIARI), Finanziato Regione Sardegna E Sardegna Ricerche	12-16 Giugno 2017
Altro	Corso Alta Formazione "BASIC NEXT GENERATION SEQUENCING PROCEDURES" (40 ore)	Università degli Studi DELL'INSUBRIA, ALTA FORMAZIONE INSUBRIA, BUSTO ARSIZIO (VARESE)	16-18 Marzo 2015

Università degli Studi di Milano - Direzione Risorse Umane  
Ufficio Contratti di formazione e Ricerca  
Via Sant'Antonio 12 - 20122 Milano, Italia  
assegni.ricerca@unimi.it



# UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

	Theoretical and Practical Course: "BIOINFORMATICS: COMPUTER METHODS IN MOLECULAR AND SYSTEM BIOLOGY" (45 ore)	for Genetic Engineering and Biothecnology, ICGB, Trieste (Trieste)	
Altro	BORSA DI STUDIO PER MOBILITÀ INTERNAZIONALE Programma Leonardo Da Vinci PLM "GREEN SKILLS IN MOTION"	Technological Educational Institute (TEI) of Crete (GRECIA)	10 Maggio - 19 Luglio 2012
Altro	CORSO ALTA FORMAZIONE "DALL'UNIVERSITA' ALL'IMPRESA: LA RICERCA COME PROFESSIONE"-	Università degli Studi di Urbino (Finanziato FSE)	Gennaio-Giugno 2010

## ISCRIZIONE AD ORDINI PROFESSIONALI

Data iscrizione	Ordine	Città
03/12/2019	ALBO DEI TECNICI DI LABORATORIO	NA-AV-BN-CE

## LINGUE STRANIERE CONOSCIUTE

Lingue	livello di conoscenza
INGLESE	B2

## PREMI, RICONOSCIMENTI E BORSE DI STUDIO

anno	Descrizione premio
2013	Grant per partecipare alla Summer school: Theoretical and Practical Course: "BIOINFORMATICS: COMPUTERMETHODS IN MOLECULAR AND SYSTEM BIOLOGY" (45 ore), finanziato da International Centre for Genetic Engineering and Biothecnology, ICGB, Trieste
2012	ASSEGNO DI RICERCA PROFESSIONALIZZANTE DI TIPO A, Consiglio Nazionale Di Ricerca (CNR)- Istituto di Tecnologie Biomediche (ITB), Dipartimento di Bioinformatica, Segrate (MILANO - ITALIA); Ricerca nell'ambito del Programma Operativo Nazionale Ricerca e Competitività - PON R&C 2007-2013, VIRTUALAB
2012	BORSA DI STUDIO PER MOBILITÀ INTERNAZIONALE - FINANZIATA DA CONFINDUSTRIA MARCHE, nell'ambito del Programma Leonardo Da Vinci PLM - "GREEN SKILLS IN MOTION"
2009	PREMIO per "Merito Scolastico", finanziata dal Municipio di Aiello del Sabato (AV)
2008	BORSA DI STUDIO MINISTERIALE MIUR FONDO SOSTEGNO GIOVANI RICERCATORI (DOTTORATO XXIV ciclo 2008 -2011)
2006-2008	BORSA DI STUDIO FINANZIATA dall'E.R.S.U.(Ente Regionale per il diritto allo Studio Universitario ) di Urbino

## ATTIVITÀ DI FORMAZIONE O DI RICERCA

Mi sono occupata di studi di genomica e riguardanti varie patologie (tumori solidi, autismo, amiloidosi sistemiche) in diversi Centri/Istituti di ricerca. I progetti in cui sono stata coinvolta miravano alla ricerca di varianti genetiche germinali e somatiche (SNPs, CNVs, indels, mutazioni), inoltre comprendevano studi di livelli di espressione (miRNAs e mRNAs). Gli approcci impiegati riguardavano tecniche di biologia molecolare e tecnologie di sequenziamento (vecchia e nuova generazione). I risultati degli studi sono stati pubblicati su riviste internazionali di settore e presentati a diversi congressi. Nei vari anni di formazione e lavoro ho nutrito la passione per la bioinformatica frequentando corsi e Summer-School in

Università degli Studi di Milano - Direzione Risorse Umane  
Ufficio Contratti di formazione e Ricerca  
Via Sant'Antonio 12 - 20122 Milano, Italia  
assegni.ricerca@unimi.it



cui ho imparato ad utilizzare database e software *open source* utili per studi di DNA/RNA. Ho avuto esperienza nel settore della citogenetica, allestimento di colture cellulari di amniociti per analisi prenatale, e linfociti per analisi post-natali, compreso l'esecuzione della metodica della FISH.

### Tecniche citogenetiche:

Allestimento colture cellulari primarie (amniociti, materiale abortivo, linfociti da sangue periferico e linfociti da midollo osseo);

Tecniche di bandeggio (G/R) per lo studio del cariotipo;

Tecnica della FISH per valutare trisomie e/o monosomie dei cromosomi 13, 15, 21, X, Y;

### Tecniche di biologia molecolare:

Estrazione, purificazione di DNA/RNA/ miRNA (sangue periferico, tessuti paraffinati, feci);

Quantificazione acidi nucleici con NanoDrop 1000, Agilent 2100 Bioanalyzer;

Elettroforesi su gel d'agarosio, taglio bande di prodotti specifici e purificazione di esse su colonna;

Tecniche di clonaggio;

Preparazione campioni e librerie per sequenziamento high-throughput;

Sintesi di cDNA, RT-PCR, PCR end-point (termociclatore);

Real-Time Quantitative PCR (TaqMan e SYBR Green) (ABI prism 7500, Rotor-Gene Q);

Genotipizzazione: PCR-RFLP, High Resolution Melt (Rotor-Gene Q), Pirosequenziamento (PSQ96MA, Biotage), Sanger (ABI Genetic Analyzer), NGS (Ion S5, Illumina);

### Tecniche sierologiche:

Enzyme-linked Immunosorbent Assay (ELISA);

Test dell'antiglobulina umana (Coombs) classico e mediante citometria a flusso;

### Competenze bioinformatiche:

Disegno e validazione di Primer (Primer3 Plus, Blast, Primer Net), PSQ Assay Design Software e SQA Software (PSQ 96MA);

Database di geni e proteine, analisi di sequenze di DNA/RNA con strumenti bioinformatici open source (NCBI, Ensemble, UCSC genome bioinformatics, IGV, UniProt, Blast/Blat, Galaxy, principi base Programma R);

Analisi miRNAs (miRANDA, TargetScan, miRBASE, miR SNP);

Interpretazione e analisi di dati real-time PCR: CopyCaller™ Software (Applied Biosystems), SDS Software 1.9.1 (ABI prism 7500), Rotor Gene Q series software (Rotor Gene Q, Qiagen);

Analisi dati sequenziamento: PSQ Assay Design Software and SQA Software (PSQ 96MA); SeqScape® Software (ABI Genetic Analyzer); Torrent Suite™ Software (Ion Torrent S5)

### ATTIVITÀ PROGETTUALE

Anno	Progetto
2019-ad oggi	<b>COLLABORATORE DELLA RICERCA COME LIBERO PROFESSIONISTA</b> (con Partita IVA) IRCCS -Policlinico San Matteo di Pavia , Centro Amiloidosi -Laboratorio di Biotecnologie Avanzate (PAVIA-ITALIA) <i>-Caratterizzazione molecolare delle amiloiosi sistemiche ed ereditarie</i>
2018-2019	<b>CLINICAL RESEARCH ASSOCIATE</b> in training, I.R.C.C.S. Istituto di Ricerche Farmacologiche "Mario Negri", Dipartimento Di Oncologia, Laboratorio di Metodologia della Ricerca Clinica, Via Giuseppe La Masa 19, (MILANO-ITALIA) <i>- Pianificazione, gestione, monitoraggio degli studi clinici di Fase II , III secondo le GCP</i>
2016-2017	<b>TIROCINANTE VOLONTARIA PER APPROFONDIMENTI DIDATTICI DI RICERCA/DIAGNOSTICA</b> Azienda Ospedaliera Universitaria Policlinico (AOUP) di Palermo "Paolo Giaccone"- Laboratorio di Genetica Oncologia molecolare (PALERMO - ITALIA) <i>-Studio tumori eredo-familiari</i>
2012-2015	<b>ASSEGNO DI RICERCA</b> , Consiglio Nazionale Di Ricerca (CNR)- Istituto di Tecnologie Biomediche (ITB), Dipartimento di Bioinformatica, Segrate (MILANO - ITALIA); Ricerca nell'ambito del Programma Operativo Nazionale Ricerca e Competitività - PON R&C 2007-2013, VIRTUALAB: <i>- Miglioramento di tecniche di estrazione ad uso diagnostico e PCR integrata, per lo sviluppo di una tecnica diagnostica intra-operatoriale per la quantificazione di biomarcatori nel cancro della mammella o linfonodi sentinella nel cancro testa-collo"</i>



# UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

2008-2011	<b>BORSA DI STUDIO FONDO SOSTEGNO GIOVANI RICERCATORI - FINANZIATA DAL M.I.U.R.;</b> Università degli Studi Di Urbino, Dipartimento di Scienze Biomolecolari, (URBINO - ITALIA) <i>-Studi traslazionali atti ad identificare e validare il ruolo prognostico e predittivo di un pannello di biomarcatori tessutali ed ematologici (SNPs, mutazioni, miRNAs, CNVs) associati alla farmacoresistenza nel cancro intestinale.</i>
2007-2008	<b>STUDENTE TIROCINANTE PER ATTIVITÀ DI RICERCA;</b> Università degli Studi Di Urbino, Dipartimento di Scienze Biomolecolari (URBINO - ITALIA) <i>-Studio farmacogenetico delle varianti genetiche che influenzano la risposta a farmaci biologici utilizzati nel cancro gastrointestinale, mediante tecnica High Resolution Melting Analysis (HRMA)</i>
2003	<b>STUDENTE TIROCINANTE PER ATTIVITÀ DI RICERCA;</b> A.O. Universitaria Federico II Napoli, Dipartimento di Immunoematologia e Medicina TrASFusionale (NAPOLI - ITALIA) <i>-Sviluppo di una nuova metodica necessaria ad identificare le malattie emolitiche Autoimmuni (Tecniche immunoematologiche e citometria a flusso)</i>

## CONGRESSI, CONVEGNI E SEMINARI

Data	Titolo	Sede
19 Novembre 2019	"ACIDI NUCLEICI E CELLULE TUMORALI CIRCOLANTI COME BIOMARCATORI NELLA GESTIONE E MONITORAGGIO DEL PAZIENTE ONCOLOGICO", satellite meeting 51° CONGRESSO SIBIOC	Centro Congressi San Raffaele -Milano (ITALIA)
5-7 Novembre 2018	"NGS to NGO Next Generation Sequencing to Next Generation Oncologists" Second Edition	Istituto di Ricerche Farmacologiche Mario Negri - Milano (ITALIA)
07 Ottobre 2014	NON SIAMO SOLI. METAGENOMICS@WORK, (Illumina)	Parco Tecnologico Padano, Lodi (ITALIA)
09 Ottobre 2013	Workshop: "Genomica in oncologia: comprensione della patobiologia e sviluppo di saggi informatici dal punto di vista clinico"	Istituto Nazionale dei Tumori. Milano (ITALIA)
28 Novembre 2012	Next Generation Sequencing: un approccio innovativo per lo studio della microbiologia clinica, ambientale ed alimentare. ILLUMINA	Milano (ITALIA)
4-7 Ottobre 2010	52nd Annual meeting of the Italian Cancer Society "Lost in Translation: bridging the gap between cancer research and effective therapies" - Società Italiana Cancerologia S.I.C.	Roma (ITALIA)
19-20 Giugno 2009	V Convegno educativo giovani oncologi AIOM "Trattamento adiuvante nel tumore gastrico, rettale e mammario"	Roma (ITALIA)

## PUBBLICAZIONI

Articoli su riviste

Università degli Studi di Milano - Direzione Risorse Umane  
Ufficio Contratti di formazione e Ricerca  
Via Sant'Antonio 12 - 20122 Milano, Italia  
assegni.ricerca@unimi.it



Francesca Anna Cupaioli, Ettore Mosca, Chiara Magri, Massimo Gennarelli, Marco Moscatelli, Maria Elisabetta Raggi, Martina Landini, Nadia Galluccio, Laura Villa, Arianna Bonfanti, Alessandra Renieri, Chiara Fallerini, Alessandra Minelli, Anna Marabotti, Luciano Milanese, Alessio Fasano, Alessandra Mezzelani. Assessment of haptoglobin alleles in autism spectrum disorders. *Molecular Psychiatry* (in submission)

Martina Landini, Ivan Merelli, Maria Elisabetta Raggi, Nadia Galluccio, Francesca Ciceri, Arianna Bonfanti, Serena Camposeo, Angelo Massagli, Chiara Laura Villa, Erika Salvi, Daniele Cusi, Massimo Molteni, Luciano Milanese, Anna Marabotti, Alessandra Mezzelani. Association Analysis of Noncoding Variants in Neuroligins 3 and 4X Genes with Autism Spectrum Disorder in an Italian Cohort. *Int. J. Mol. Sci.* 2016

October, 17(10):1765 DOI: 10.3390/ijms17101765

Ivan Kel, Zisong Chang, Nadia Galluccio, Margherita Romeo, Stefano Beretta, Christoph Dieterich, Luisa Diomede, Alessandra Mezzelani, Luciano Milanese, Ivan Merelli. SPIRE, a modular pipeline for eQTL analysis of RNA-Seq data, reveals a regulatory hotspot controlling miRNA expression in *C.elegans*. *Molecular BioSystems* 2016 Sep, DOI:10.1039/C6MB00453A

Flavia Pzzi, Anna Maria Caroli, Martina Landini, Nadia Galluccio, Alessandra Mezzelani, Luciano Milanese. Conservation of endangered animals: From biotechnologies to digital preservation. *Natural Science*, 2013 August, 5 (8): 903-913, doi: 10.4236/ns.2013.58109

Ruzzo A, Graziano F, Vincenzi B, Canestrari E, Perrone G, Galluccio N, Catalano V, Loupakis F, Rabitti C, Santini D, Tonini G, Fiorentini G, Rossi D, Falcone A, Magnani M. High let-7a microRNA levels in KRAS-mutated colorectal carcinomas may rescue anti-EGFR therapy effects in patients with chemotherapy refractory metastatic disease. *The Oncologist*, 2012;17(6):823-9, ISSN: 1083-7159

Graziano F\*, Galluccio N\*, Lorenzini P, Ruzzo A, Canestrari E, D'Emidio S, Catalano V, Sisti V, Ligorio C, Andreoni F, Rulli E, Di Oto E, Fiorentini G, Zingaretti C, De Nictolis M, Cappuzzo F, Magnani M. Genetic activation of the MET Pathway and Prognosis of Patients With High-Risk, Radically Resected Gastric Cancer. *Journal Of Clinical Oncology*, 2011 Oct, 29;4789-4795, ISSN: 0732-183X. (\*Contributed equally)

Loupakis F, Ruzzo A, Salvatore L, Cremolini C, Masi G, Frumento P, Schirripa M, Catalano V, Galluccio N, Canestrari E, Vincenzi B, Santini D, Bencardino K, Ricci V, Manzoni M, Danova M, Tonini G, Magnani M, Falcone A, Graziano F. Retrospective exploratory analysis of VEGF polymorphisms in the prediction of benefit from first-line FOLFIRI plus bevacizumab in metastatic colorectal cancer. *BMC Cancer*, 2011,11:247, ISSN: 1471-2407, doi: 10.1186/1471-2407-11-247

Ruzzo A, Canestrari E, Galluccio N, Santini D, Vincenzi B, Tonini G, Magnani M, Graziano F. Role of KRAS let-7 LCS6 SNP in metastatic colorectal cancer patients. *Ann Oncol.* 2010 Oct,22 (1): 234- 235.doi: 10.1093/annonc/mdq4726

Graziano F, Ruzzo A, Canestrari E, Catalano V, Santini D, Galluccio N, Loupakis F, Alessandrini P, Spada D, Ficarella R, Bissoni R, D'Emidio S, Vincenzi B, Angeletti S, Salvatore L, Cremolini C, Tonini G, Falcone A, Magnani M. Host genetic variants in the IGF binding protein-3 impact on survival of patients with advanced gastric cancer treated with palliative chemotherapy. *Pharmacogenomics*, 2010 Sep;11(9):1247-56, ISSN: 1744-8042, doi: 10.2217/pgs.10.92

Santini D, Spoto C, Loupakis F, Vincenzi B, Silvestris N, Cremolini C, Canestrari E, Graziano F, Galluccio N, Salvatore L, Caraglia M, Zito FA, Colucci G, Falcone A, Tonini G, Ruzzo A. High concordance of BRAF status between primary colorectal tumours and related metastatic sites: implications for clinical practice. *Ann Oncol*, 2010 Jul;21(7):1565, ISSN: 0923-7534

Graziano F, Canestrari E, Loupakis F, Ruzzo A, Galluccio N, Santini D, Rocchi M, Vincenzi B, Salvatore L, Cremolini C, Spoto C, Catalano V, D'Emidio S, Giordani P, Tonini G, Falcone A, Magnani M. Genetic modulation of the Let-7 microRNA binding to KRAS 3'-Untranslated region and survival of metastatic colorectal cancer patients treated with salvage cetuximab-irinotecan. *Pharmacogenomics Journal*, 2010



Oct;10(5):458-64, ISSN: 1470-269X

Loupakis F, Ruzzo A, Cremolini C, Vincenzi B, Salvatore L, Santini D, Masi G, Stasi I, Canestrari E, Rulli E, Floriani I, Bencardino K, Galluccio N, Catalano V, Tonini G, Magnani M, Fontanini G, Basolo F, Falcone A, Graziano F. KRAS codon 61, 146 and BRAF mutations predict resistance to cetuximab plus irinotecan in KRAS codon 12 and 13 wild-type metastatic colorectal cancer. British Journal Of Cancer, 2009 Aug; 101(4):715-21, ISSN: 0007-0920

Graziano F, Ruzzo A, Canestrari E, Loupakis F, Santini D, Rulli E, Humar B, Galluccio N, Bisonni R, Floriani I, Maltese P, Falcone A, Tonini G, Catalano V, Fontana A, Giustini L, Masi G, Vincenzi B, Alessandrini P, Magnani M. Variations in the Interleukin-1 Receptor antagonist gene impact on survival of patients with advanced colorectal cancer. Pharmacogenomics Journal, 2009 Feb;9(1):78-84, ISSN: 1470-269X

Atti di convegni

Giugno 16-19/2018 - EUROPEAN HUMAN GENETICS CONFERENCE, MILANO (ITALIA)

- Poster. Association of Haptoglobin-1 allele with Autism Spectrum Disorders.. (A. Mezzelani, F.A. Cupaioli, E. Mosca, C. Magri, M. Gennarelli, M.eE. Raggi, M. Landini, N. Galluccio, F. Chiappori, M. Moscatelli, M. Gnocchi, C. Villa, M. Molteni, A. Bonfanti, F. Ciceri, A. Marabotti, L. Milanese.) Proceedings of European Conference of Human Genetics ABSTRACT BOOK P09.070B/B

Giugno 15/2017 - 6TH Sardinian International Summer School "From GWAS to function", PULA CAGLIARI (ITALIA)

- Poster. Coding sequence analysis of the NLGN3 and NLGN4X in an Italian cohort. (Martina Landini, Nadia Galluccio, Ivan Merelli, M. Elisabetta Raggi, Francesca Ciceri, Arianna Bonfanti, Serena Camposeo, Angelo Massagli, Laura Villa, Erika Salvi, Daniele Cusi, Massimo Molteni, Luciano Milanese, Anna Marabotti, Alessandra Mezzelani). ABSTRACT BOOK.

Giugno 20-22/2016 - 18° CONGRESSO NAZIONALE GOIM: "From complexity to personalized medicine in cancer therapy", Palermo (ITALIA)

- Abstract. The potential role of H19, HOTAIR and MALAT1 as prognostic biomarkers in gastrointestinal stromal tumors (GISTs). (Barraco N, Listi A, Maragliano R, Bazan V, Calò V, Cangemi A, Castiglia M, Di Stefano AB, Di Piazza F, Fanale D, Galluccio N, Massihnia D, Perez A, Badalamenti G, Bronte E, Incorvaia L, Insalaco L, Passiglia F, Russo A)

Maggio 21 -24/2016 - ESHG 2016, BARCELONA (SPAGNA)

- Abstract. An integrative analysis of genomic studies for the identification of the molecular network regions associated with autism spectrum disorders. (E. Mosca, M. Bersanelli, R. Alfieri, M. Landini, N. Galluccio, M. E. Raggi, L. Villa, M. Moletani, A. Bonfanti, S. Camposeo, A. Massagli, G. Castellani, F. Ciceri, A. Marabotti, L. Milanese, A. Mezzelani) European Journal Of Human Genetics. Suppl. Abstract P16.03

Giugno 3-5/ 2015 - Twelfth annual meeting of the bioinformatics Italian society (BITS), Milano (ITALIA)

- Abstract. An integrative approach to discover changes in the association of miRNA and target genes. (Beretta S, Merelli I, Mezzelani A, Pini MG, Landini M, Galluccio N, Raggi ME, Marabotti A, Milanese L) Proceedings of BITS2015

Ottobre 20-22/ 2014 - 3rd International Summit on Toxicology & Applied Pharmacology, Chicago (ILLINOIS - USA)



- Abstract. Sex-specific neurotoxicity as possible cause of regressive autism. *Journal of Clinical Toxicology* Vol. 4. Pag.4-4 . (Mezzelani A, Landini M, Galluccio N, Merelli I, Raggi ME, Ciceri F, Villa L, Molteni M, Bonfanti A, Marabotti A, Milanese L.)

Febbraio 26-28/2014 - BITS Annual Meeting 2014, Roma (ITALIA)

-Abstract. Microvesicles in cancer: a meta-analysis of proteins in different types of tumours. (Merelli I, Galluccio N, Mezzelani A, Milanese L.) [http://bits2014.uniroma2.it/Abstract\\_book.pdf](http://bits2014.uniroma2.it/Abstract_book.pdf) (Proteomics-PRO2)

Agosto 27- 29/2013 - Neuroinformatics, Stoccolma (SVEZIA):

- Abstract. Bioinformatics molecular dynamics and docking pipeline analysis for high -throughput genome analysis and drug discovery oriented to personalized pain therapy in non-responsive patients. *Front Neuroinform Conference Abstract: Neuroinformatics 2013*. doi:10.3389/conf.fninf.2013.09.00100 (Santoro S, D'Ursi P, Galluccio N, Landini M, et al.)

Giugno 3-7/2011 - 47TH Annual meeting of the American Society Of Clinical Oncology (ASCO). Chicago (ILLINOIS - USA)

- Poster. C-MET gene copy number variation (CNV) analysis by quantitative PCR(qPCR) assay in Caucasian patients with gastric cancer (GC). *J Clin Oncol* 29: 2011 (suppl; abstr 4038) (N. Galluccio, A. Ruzzo, E. Canestrari, S. D'Emidio, P. Lorenzini, V. Sisti, V. Catalano, C. Zingaretti, M. De Nictolis, C. Ligorio, F. Cappuzzo, M. Magnani, F. Graziano)

- Poster. Let-7a microRNA levels in KRAS mutated colorectal carcinomas determine survival differences in patients treated with anti-EGFR. *J Clin Oncol* 29: 2011 (suppl; abstr 3635) (E. Canestrari, A. Ruzzo, B. Vincenzi, N. Galluccio, G. Perrone, F. Andreoni, P. Lorenzini, E. Rulli, S. D'Emidio, V. Catalano, F. Loupakis, R. Bissoni, C. Rabitti, I. Floriani, M. De Nictolis, D. Santini, L. Salvatore, G. Tonini, L. Giustini, A. Falcone, M. Magnani, F. Graziano)

Giugno 2010 - 23rd National Meeting 'A. Castellani' of student research biochemical topics. society for the study of the biochemistry of blood cells. Brallo of Pergola (PAVIA-ITALIA)

- Poster. Host genetic variants in the Insulin Growth Factor Binding Protein-3 impact on survival of patients with advanced gastric cancer treated with palliative chemotherapy. Session Abstract No PA11. (Nadia Galluccio, Francesco Graziano, Annamaria Ruzzo, Emanuele Canestrari, Mauro Magnani)

Ottobre 10-13/2009 - XI National Congress AIOM - Milano (ITALIA)

- Poster. Genetic modulation of the LET-7 microRNA binding to KRAS 3'-untranslated region (3'UTR) impacts on survival of metastatic colorectal cancer (MCRC) patients (PTS) with unresponsive disease to salvage cetuximab-irinotecan. *Annals of Oncology Ott. 2009, Supp. 8 Vol. 20, session C viii47*. (F Graziano, E Canestrari, F Loupakis, A Ruzzo, D Santini, N Galluccio, B Vincenzi, L Salvatore, C Cremolini, C Spoto, M Schirripa, V Catalano, S D'Emidio, P Giordani, P Alessandroni, A Falcone, G Tonini, M Magnani)

- Poster. VEGF gene polymorphisms in the prediction of benefit from first-line Folfiri plus Bevacizumab (BV) in metastatic colorectal cancer (MCRC) patients (PTS). *Annals of Oncology Ott. 2009, Supp. 8 Vol. 20, session L viii113*. (F Loupakis, A Ruzzo, L Salvatore, E Canestrari, C Cremolini, G Masi, M Schirripa, C Spoto, N Galluccio, B Vincenzi, D Santini, K Bencardino, V Ricci, V Catalano, M Manzoni, M Danova, G Tonini, M Magnani, A Falcone, F Graziano)

- Poster. KRAS codon 61, 146 and BRAF mutations predict resistance to cetuximab plus irinotecan in KRAS codon 12 and 13 wild-type metastatic colorectal cancer. *Annals of Oncology Ott. 2009, Supp. 8 Vol. 20, session L viii116*. (A Ruzzo, F Loupakis, E Canestrari, C Cremolini, B Vincenzi, L Salvatore, D Santini, G



Masi, I Stasi, E Rulli, I Floriani, K Bencardino, N Galluccio, V Catalano, G Tonini, M Magnani, G Fontanini, F Basolo, A Falcone, F Graziano)

ALTRE INFORMAZIONI

2004-2006:

TECNICO DI LABORATORIO BIOMEDICO; Centro Diagnostico Di Analisi Medico Cliniche "A. Guarino", sede operativa presso il C.so Vittorio Emanuele, 111, 83100 Avellino

-Settori di citogenetica cellulare per diagnosi pre-natale e post-natale

ATTIVITA' DI DOCENZA:

2018-2019, M.I.U.R. ISTITUTO STATALE ISTR. SUPERIORE -I.P.C. "VERRI", BUSTO ARSIZIO (VA), *Materia insegnata: Igiene E Cultura Medico-Sanitaria ( Discipline Sanitarie), corso serale*

2017-2018, M.I.U.R. ISTITUTO STATALE ISTR. SUPERIORE -I.S.I.S."E. STEIN", GAVIRATE (VA), *Materia insegnata: Igiene E Cultura Medico-Sanitaria ( Discipline Sanitarie), corso diurno*

2016-2017, ENTE DON ORIONE-FORMAZ. AGG. PROFESSIONALE (ENDOFAP), PALERMO, *Materia insegnata: Merceologia Alimentare (Scienze degli alimenti), corso serale*

Le dichiarazioni rese nel presente curriculum sono da ritenersi rilasciate ai sensi degli artt. 46 e 47 del DPR n. 445/2000.

Il presente curriculum, non contiene dati sensibili e dati giudiziari di cui all'art. 4, comma 1, lettere d) ed e) del D.Lgs. 30.6.2003 n. 196.

Luogo e data: MILANO, 04/01/2020

FIRMA

Nada Galluccio