

UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Procedura di selezione per la chiamata a professore di II fascia da ricoprire ai sensi dell'art. 18, commi 1 e 4, della Legge n. 240/2010 per il settore concorsuale 05/E2,
(settore scientifico-disciplinare BIO/11)
presso il Dipartimento di Bioscienze,
(avviso bando pubblicato sulla G.U. n. 50 del 30/06/2020) - Codice concorso 4384

[BEATRICE BODEGA] CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI (NON INSERIRE INDIRIZZO PRIVATO E TELEFONO FISSO O CELLULARE)

COGNOME	BODEGA
NOME	BEATRICE
DATA DI NASCITA	[11, 02, 1980]

Dati Anagrafici

Data di Nascita 11 Febbraio 1980, Lecco, Italia.**Cittadinanza** Italiana**Lingue:** Italiano, Inglese

Affiliazione

Posizione Attuale Group Leader

Unità di Biologia del Genoma

Fondazione Istituto Nazionale di Genetica Molecolare (INGM),
"Romeo ed Enrica Invernizzi"

via Francesco Sforza 35, 20122, Milano, Italia

e-mail: bodega@ingm.org**web:** https://ingm.org/bodega_lab_ita/

Istruzione

- Dicembre 2006 **PhD** in Biotecnologie Applicate alle Scienze Mediche, Università degli Studi di Milano, Milano, Italia. Tesi: *Genomica comparativa e funzionale del locus della Distrofia Facioscapolomerale (FSHD)*.
- Luglio 2003 **Laurea** in Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Milano, Milano, Italia. Tesi: *Basi Molecolari della Menopausa Precoce*.
- Luglio 1998 **Diploma di Maturità Classica**, Liceo Classico Alessandro Manzoni, Lecco, Italia.

Congedo per maternità 28 Marzo 2016 – 28 Agosto 2016

Posizioni ed esperienze di ricerca

- 2019 – oggi **Coordinamento di un gruppo di ricerca come Group Leader (tenured)** dell'Unità di Biologia del Genoma, INGM, Milano, Italia.
Attività di ricerca: Ruolo epigenetico del DNA non codificante, in particolare degli elementi ripetuti, nell'identità e plasticità cellulare, organizzazione 3D del genoma umano.

2014 - 2019	Coordinamento di un gruppo di ricerca come Junior Group Leader dell'Unità di Biologia del Genoma, INGM, Milano, Italia. <u>Attività di ricerca:</u> Ruolo epigenetico del DNA non codificante, in particolare degli elementi ripetuti, nell'identità e plasticità cellulare, organizzazione 3D del genoma umano.
2009 – 2013	Senior Post-doc nel laboratorio di Epigenetica e Riprogrammazione del Genoma, Dr. Valerio Orlando, Fondazione Santa Lucia, Roma. <u>Attività di ricerca:</u> Epigenetica, biologia del muscolo scheletrico, dinamica degli elementi ripetuti del DNA nella Distrofia di Duchenne (DMD) funzione del complesso di repressione Polycomb nel differenziamento cellulare.
2006 – 2008	Post-doc nel laboratorio del Prof. Enrico Ginelli, Dip. di Biologia e Genetica per le Scienze Mediche, Università degli Studi di Milano, Milano, Italia. <u>Attività di ricerca:</u> Evoluzione del genoma umano, biologia del muscolo scheletrico, dinamica degli elementi ripetuti del DNA nella distrofia FSHD, Epigenetica.
2003 – 2006	Studente di dottorato: Tesi: " <i>Genomica comparativa e funzionale del locus della Distrofia Facioscapolomeroale (FSHD)</i> ." Prof. Enrico Ginelli, Laboratorio di Genomica funzionale, Dip. di Biologia e Genetica per le Scienze Mediche, Università degli Studi di Milano, Milano, Italia.
2001 – 2003	Internista di tesi di laurea: Tesi: " <i>Basi Molecolari della Menopausa Precoce</i> " Prof. Anna Marozzi, Laboratorio di Genetica Molecolare, Dip. di Biologia e Genetica per le Scienze Mediche, Università degli Studi di Milano, Milano, Italia.

Premi e riconoscimenti

2020 – 2029	MIUR, Abilitazione Scientifica Nazionale – II fascia – Scienze delle Professioni Sanitarie e Tecnologie Mediche Applicate (s.c. 06/N1)
2018 – 2024	MIUR, Abilitazione Scientifica Nazionale – II fascia – Citologia e Anatomia Comparata (s.c. 05/B2)
2018 – 2024	MIUR, Abilitazione Scientifica Nazionale – II fascia – Biochimica Clinica e Biologia Molecolare Clinica (s.c. 05/E3)
2017 – 2023	MIUR, Abilitazione Scientifica Nazionale – II fascia – Biologia Molecolare (s.c. 05/E2)
2017 – 2023	MIUR, Abilitazione Scientifica Nazionale – II fascia – Biologia Applicata (s.c. 05/F1)
2017 – 2023	MIUR, Abilitazione Scientifica Nazionale – II fascia – Genetica (s.c. 05/I1)
2014	Assegnista di Ricerca di tipo B dell'Università degli Studi Milano, 1 anno
2010 – 2012	Postdoctoral fellowship da AFM Telethon French foundation (http://www.afm-telethon.com/), assegnato su base competitiva peer review, con progetto dal titolo: <i>Dissecting the role of repetitive DNA elements in pathogenesis of Duchenne muscular dystrophy</i> .
2008	Chiara D'Onofrio "Young" Award
2008	European Society of Human Genetics Young Scientist Award
2008	Nomination per Genomic Pioneers Award for outstanding contribution to the field of Genomics - Human Genome Meeting (HGM) Hyderabad 27-30 September
2006 – 2010	Assegnista di Ricerca dell'Università degli Studi di Milano, assegnato su base competitiva con partecipazione a bando di concorso.

Finanziamenti ottenuti come responsabile di progetto / responsabile di unita'

2020 – 2022	Fondazione Cariplo, Bando 2019, Unit-PI, 120.000 €. <i>The impact of Maternal Anxiety- DEpression and ImmuNo- inflammation on Foetus brAin growth and infant neurodevelopment. An iMaging- eplgenetic Longitudinal studY (MADE IN FAMILY).</i>
2020 – 2022	Fondazione regionale ricerca biomedica (FRRB) - programmi di rete, seconda edizione, Bando 2018, Unit-PI, 562.000 €. <i>A regional oncology network addressing the emerging problem of colorectal cancer in young individuals using an integrative omics approach to decipher mechanisms of cancer immunoediting as candidate targets of new therapies (IANG-CRC).</i>
2020 – 2022	Ministero della Salute, Giovani Ricercatori, Bando 2018, PI, 450.000 €. <i>Structural variations of the neural genome as prognostic biomarkers for prematurity related neurodevelopmental disorders in childhood.</i>
2017 – 2018	Fondazione Cariplo, Giovani Ricercatori, Bando 2015, Unit-PI, 80.000 €. <i>TIR8/SIGIRR pathway: when immune system affects synaptic plasticity, an epigenetic perspective.</i>
2015 – 2016	French Muscular Dystrophy association (AFM), Bando 2014, PI, 90.000 €. <i>Epigenetic role for DNA repeats and ncRNAs in FSHD manifestation.</i>
2013 – 2018	Epigenomics National Flagship Project (EPIGEN), PI, 300.000 €. <i>Epigenetic control of skeletal muscle differentiation by ncRNAs and DNA repeats.</i>
2013 – 2016	Ministero della Salute, Giovani Ricercatori, Bando 2011-2012, Unit-PI, 150.000€. <i>Dissecting the epigenetic landscape of rhabdomyosarcoma: role of p38alpha kinase in the control of Polycomb Repressive Complex 2.</i>

Composizione del gruppo di ricerca Biologia del Genoma coordinato da Bodega Beatrice

Attualmente:

1. Federica Marasca, Post Doc da febbraio 2016.
2. Marco Ghilotti, Post Doc da ottobre 2019.
3. Valeria Ranzani, Ricercatore (Bioinformatica) da gennaio 2020.
4. Shruti Sinha, Post Doc (Bioinformatica) da aprile 2015.
5. Valentina Menetti, Post Doc da giugno 2020.
6. Rebecca Vadalà, borsista pre-dottorato da dicembre 2017 e studente PhD (DIMET, Università di Milano Bicocca) da novembre 2018.
7. Erica Gasparotto, studente di tesi triennale (Biotecnologie Mediche, Università degli Studi di Milano) da febbraio 2016, studente di tesi magistrale (Medical Biotechnology and Molecular Medicine, Università degli Studi di Milano) da febbraio 2018 e studente PhD (SEMM, Università degli Studi di Milano) da novembre 2019.
8. Benedetto Polimeni, studente di Master di secondo livello (Bioinformatics and Functional Genomics, Università degli Studi di Milano) da ottobre 2018 e borsista pre-dottorato (Bioinformatico) da febbraio 2019.
9. Maria Luce Negri, studente di tesi magistrale (Biologia Cellulare e Molecolare, Alma Mater Studiorum, Università di Bologna) e borsista pre-dottorato da gennaio 2020.
10. Valeria Di Gioia, studente di tesi magistrale (Medical Biotechnology and Molecular Medicine, Università degli Studi di Milano) da febbraio 2020.

Precedentemente:

1. Mattia Battistella, studente di tesi magistrale (Medical Biotechnology and Molecular Medicine, Università degli Studi di Milano), febbraio 2019 – febbraio 2020, ora studente di Master di secondo livello (Bioinformatics and Functional Genomics, Università degli Studi di Milano).
2. Giulia Russo, studente di Master di secondo livello (Bioinformatics and Functional Genomics, Università degli Studi di Milano) ottobre 2019 – gennaio 2020.
3. Eleonora Sala, studente di tesi magistrale (Medical Biotechnology and Molecular Medicine, Università degli Studi di Milano) febbraio 2017 – settembre 2018, ora studente PhD (OPEN University, San Raffaele, Milano) nel laboratorio di Matteo Iannaccone.
4. Lorena Zannino, studente di tesi magistrale (Biologia, Università di Milano – Bicocca), luglio 2015 – ottobre 2016, ora studente PhD (Università di Pavia) nel laboratorio di Marco Biggiogera.
5. Marta Salvi, studente di tesi magistrale (Medical Biotechnology and Molecular Medicine, Università degli Studi di Milano) settembre 2015 – febbraio 2017, ora tecnico nel laboratorio di Tommaso Fellini (IIT, Genova).
6. Mara Cetty Spinella, studente di tesi magistrale (Medical Biotechnology and Molecular Medicine, Università degli Studi di Milano), settembre 2014 – settembre 2016, ora studente PhD (Humanitas University, Milano), nel laboratorio di Gioacchino Natoli.
7. Matthieu Pesant, Post Doc, giugno 2014 – dicembre 2017, ora NGS Product Manager (Takara Bio Europe, Parigi).
8. Alice Cortesi, studente PhD (DIMET, Università di Milano Bicocca), settembre 2013 – dicembre 2018, ora Post Doc nel laboratorio di Gioacchino Natoli (IEO Campus, Milano).

Responsabilità accademiche e istituzionali

2019 – oggi	Responsabile dell'organizzazione delle stanze comuni, strumenti e reagentario per INGM.
2016 – oggi	Responsabile dell'organizzazione dei seminari d'istituto per INGM.
2014 – oggi	Membro Collegio Docenti della Scuola di dottorato DIMET (Translational and Molecular Medicine PhD program), Università di Milano Bicocca, Milano.
2014 – 2016	Responsabile della gestione dei listini prezzi per reagenti e plastiche per INGM.
2014 – 2015	Membro del CTS (Comitato Tecnico Sanitario), sezione Ricerca Sanitaria, Esperto di età inferiore ai 40 anni designato dal Ministro della Salute, Roma.
2004 – 2008	Responsabile dell'esecuzione delle analisi dei test di paternità per il Dipartimento di Biologia e Genetica per le Scienze Mediche, Università degli Studi di Milano.

Partecipazione a consorzi e società scientifiche

2019 – oggi	Collaboratore ufficiale del Fantom_6 Consortium Project (RIKEN Center, Yokohama, Japan).
2010 – 2016	Collaboratore ufficiale del Fantom_5 Consortium Project (RIKEN Center, Yokohama, Japan).
2008 – oggi	Membro della SIBBM (Italian Society of Biophysics and Molecular Biology).

Revisore di articoli scientifici, grants e attività editoriale

Revisore di articoli	Stem Cells, FEBS letters, Human Genetics, PLoS ONE, BMC Genomics, BMC Medical Genomics, Frontiers in Cellular Neuroscience, Science Signalling, Scientific Reports, JoVE, Genome Research, Life Science Alliance, Genome Biology, Science.
Revisore per agenzie di finanziamento	ANR (Agence Nationale de la recherche), Francia.
Guest Editor	<i>Capturing chromosome conformation</i> , Methods in Molecular Biology, Springer, 2020. <i>Chromatin Traits in Human Diseases</i> , Research Topic in Frontiers in Cell and Developmental Biology, 2019. <i>Polycomb Group of proteins (PcG)</i> , Methods in Molecular Biology, Springer, 2016.

Inviti come relatore in seminari

1. Ospedale San Raffaele, Milano, 23 luglio 2020 (Ospite: Dr. Davide Mazza), *LINE1 mediates transcriptional plasticity in human T lymphocytes*.
2. Università degli Studi di Milano, Dipartimento di Bioscienze, 14 Febbraio 2020 (Ospite: Prof. Marco Muzi Falconi), *Unveiling the role of DNA repetitive elements in human genome plasticity*.
3. Friedrich Miescher Institute (FMI) for Biomedical Research, Basilea, 16 dicembre 2019 (Ospite: Prof. Susan Gasser), *LINE1 mediated transcriptional plasticity in human T lymphocytes*.
4. Riken OMICS Science Center, Yokohama, 23 ottobre 2019 (Ospite: Dr. Piero Carninci), *Intronic LINE1 retention mediates the switch to activation in human T lymphocytes*.
5. Istituto di Neuroscienze, CNR, Milano, I Venerdi di Farmacologia, 1 marzo 2019 (Ospite: Dott.ssa Roberta Benfante), *Transposable elements regulate T cell identity and plasticity in health and disease*.
6. Università di Milano Bicocca, Dipartimento di Medicina e Chirurgia, Milano, 31 gennaio 2018 (Ospite: Raffaella Meneveri), *Chromatin landscape of D4Z4 interactome unveils a muscle atrophy signature in Facioscapulohumeral Dystrophy*.
7. Humanitas University, Rozzano, 30 ottobre 2017 (Ospite: Giulia Soldà), *Epigenetic role of DNA transposable elements (TEs) in shaping CD4+ T cell identity and plasticity in health and disease*.
8. Nerviano Medical Sciences, Nerviano, 20 ottobre 2017 (Ospite: Anna Migliazza), *Epigenetic role of DNA transposable elements in shaping CD4+ T cell identity and plasticity in health and disease*.
9. Istituto Italiano di Tecnologia (IIT), Genova, 13 ottobre 2016 (Ospite: Prof. Stefano Gustincich), *Unraveling the DNA repetitive elements contribution in shaping 3D genome architecture in health and disease*.
10. Epigen Chromatin Seminar, Padova, 4 luglio 2014 (Ospite: Prof. Stefano Piccolo), *3D genome organization during cell differentiation: a role for DNA repetitive elements*.
11. Epigen Chromatin Seminar, Palermo, 16 giugno 2014 (Ospite: Prof. Davide Corona), *Epigenetics of DNA repetitive elements in health and disease*.

12. Università di Modena e Reggio Emilia, Modena, Scuola di Dottorato in Medicina Molecolare, 27 febbraio 2014 (Ospite: Prof. Rossela Tupler), *Non coding genome activity in health and disease*.
13. Università degli Studi di Milano, Dipartimento di Biologia e Genetica per le Scienze Mediche, 14 gennaio 2011 (Ospite: Prof. Enrico Ginelli), *Repetitive elements contribute to human skeletal muscle differentiation and Duchenne Muscular dystrophy progression*.
14. Fondazione IRCCS Istituto Neurologico C. Besta, Milano, Aggiornamenti in neurogenetica, 18 gennaio 2010 (Ospite: Dott.ssa Marina Mora), *Structural modification of the human three-dimensional genome and muscular dystrophy*.
15. Università degli Studi di Milano, Le nuove frontiere della biologia 2009: "L'epigenetica questa sconosciuta", CusMiBio, 18 marzo 2009 (Ospite: Prof. Paolo Plevani), *Il Genoma a "n" Dimensioni: Regolazione e Funzione dell'Organizzazione Nucleare*.
16. Università degli Studi di Torino, Scuola di Dottorato in Sistemi Complessi in Medicina e Scienze della Vita, 25 febbraio 2009 (Ospite: Prof. Michele De Bortoli), *Dissecting the higher order chromatin structure of the 4q35.2 locus at the basis of Facioscapulohumeral dystrophy*.

Relatore in congressi nazionali / internazionali

Presentazioni orale su invito:

1. XX SIGU Meeting, Napoli, 15 – 18 novembre 2017, *DNA repetitive elements mediate 3D genome folding in health and disease*.
2. 1st qBio mini Workshop, IFOM, Milano, 20 – 21 febbraio 2017, *DNA repetitive elements mediate genome folding in health and disease*.
3. EMBL/Sapienza PhD meeting, Roma, 26 – 27 settembre 2016, *Unraveling the DNA repeats contribution in shaping 3D genome architecture of normal and FSHD-associated myogenic differentiation*.
4. EPIGEN final meeting, San Servolo, Venezia, 28 – 29 settembre 2018, *Chromatin landscape of D4Z4 interactome unveils a muscle atrophy signature in Facioscapulohumeral Dystrophy*.
5. EPIGEN annual meeting, Roma, 21 – 24 aprile 2015, *Epigenetic control of skeletal muscle differentiation by ncRNAs and DNA repeats*.
6. EPIGEN annual meeting, Roma, 17 – 20 febbraio 2014, *Epigenetic control of skeletal muscle differentiation by ncRNAs and DNA repeats*.
7. EPIGEN meets EpiGeneSys, Mondello Lido, Palermo, 3 – 4 giugno 2013, *Non coding genome activity in health and disease*.

Presentazioni orali selezionate:

1. FEBS Workshop "Translating the epigenomes into function: a next-generation challenge for human disease", Capri, 13 – 16 ottobre 2013, *PcG Ezh1 controls gene silencing adaptive response upon environmental cues in muscle differentiation*.

2. Milan Chromatin Network, Università di Milano Bicocca, Milano, 25 giugno 2013, *Aberrant epigenetic regulation by Dystrophin-nNOS-HDAC2 pathway impairs LINE-1 dynamics in Duchenne Muscular Dystrophy*.
3. Conference on gene regulation: from DNA sequence to nuclear structure, InteGeR Closing Conference, Atene, Grecia, 14 – 16 novembre 2012, *PcG Ezh1 controls gene silencing adaptive response upon environmental cues in muscle differentiation*.
4. FANTOM5 Time-course meeting, Yokohama, Giappone, 29 ottobre – 2 novembre 2012, *Aberrant epigenetic regulation by dystrophin/HDAC2 pathway impairs myogenic L1 retrotransposition dynamics in Duchenne Muscular Dystrophy*.
5. VIII DTI Scientific Retreat, Mediterraneo Sea Cruising, 27 maggio – 3 giugno 2012, *Dystrophin-HDAC2 pathway regulates L1 retrotransposition during skeletal myogenesis and in Duchenne muscular Dystrophy*.
6. Molecular Mechanisms of muscle growth and wasting in health and disease, Ascona, Svizzera, 18 – 23 settembre 2011, *Modulation of LINE-1 retrotransposition activity in skeletal muscle differentiation and Duchenne muscular dystrophy*.
7. 36th FEBS Congress, Torino, 25 – 30 giugno 2011, *Repetitive elements transcription and mobilization contribute to human skeletal muscle differentiation and Duchenne muscular dystrophy progression*.
8. FANTOM5_Ume Blossom Meeting, Yokohama, Giappone, 20 – 25 febbraio 2011, *Repetitive elements transcription and mobilization contribute to human skeletal muscle differentiation and Duchenne muscular dystrophy progression*.
9. VII DTI Scientific Retreat, Palermo, 21 – 24 ottobre 2010, *Repetitive elements contribute to human skeletal muscle differentiation and Duchenne Muscular dystrophy progression*.
10. First IRE annual workshop, Chromatin Remodeling and Human Disease, Roma, 3 – 4 dicembre 2009, *Dissecting the 3D network of chromatin interactions orchestrated by Polycomb repressive complexes and its role in cell identity*.
11. XI AIBG Congress, Palermo, 8 – 10 ottobre 2009, *Structural modification of the human tridimensional genome and muscular dystrophy*.
12. 10th FISV Annual Congress, Riva del Garda, 24 – 27 settembre 2008, *Intra-chromosomal looping within FSHD locus provides the epigenetic link between D4Z4 array and FRG1 gene expression*.
13. European Human Genetics Conference 2008, Barcellona, Spagna, 31 maggio – 3 giugno 2008, *Polycomb complex shapes the higher order of D4Z4 chromatin structure during differentiation of normal and FSHD muscle stem cells*. [Questo talk ha vinto il premio "ESHG Young Scientist Award 2008"](#)
14. 4th SIBBM Seminar, Frontiers in Molecular Biology, Campus IFOM-IEO, Milano, 15 – 17 maggio 2008, *Polycomb complex shapes the higher order of D4Z4 chromatin structure during differentiation of normal and FSHD muscle stem cells*. [Questo talk ha vinto il premio "Chiara D'Onofrio Young Award"](#)
15. IX AIBG Congress, Massa Lubrense, 11 – 14 settembre 2006, *Regolazione dell'espressione genica in 4q35: implicazioni per la Distrofia Facio-Scapolomero (FSHD)*.

Attività didattica

2014 – oggi Membro Collegio Docenti della Scuola di dottorato DIMET (Translational and Molecular Medicine PhD program), Università di Milano Bicocca, Milano.

Lezioni in qualità di esperto della materia/ tutor:

2020 Lezione frontale, 2 ore, *Dissecting the genome shape to understand the function: the genome tridimensional information*, nel corso di Genomics and Trascrittomics, Laurea Magistrale in Bioinformatics for Computational Genomics, Università degli Studi di Milano, titolare del corso: Prof. Giulio Pavesi.

2020 Lezione frontale, 2 ore, *DNA repetitive elements, human endogenous retroviruses and genome responses*, nel corso di Virologia Molecolare, Laurea Magistrale in Biotecnologie del Farmaco, Università degli Studi di Milano, titolare del corso: Prof. Raffaele De Francesco.

2019 Titolare di un corso di tutorato (art. 45) per Anatomia Comparata, 24 ore, Corso di Laurea in Scienze Biologiche, Università degli Studi di Milano, titolare del corso: Prof. Elena Menegola.

2019 – Oggi Lezione frontale, 2 ore, *Epigenetica e Malattie umane*, nel corso di Patologia, Corso di Laurea di Medicina e Chirurgia, Università degli Studi di Milano, titolare del corso: Prof. Sergio Abrignani.

2016 – 2019 Lezioni frontali, 4 ore, *Analisi dell'architettura del genoma per capire la funzione: regolazione epigenetica in 3D della trascrizione geni*, nel corso di Genetica 4, Scuola di Specializzazione in Genetica Medica, Università degli Studi di Milano, titolare del corso: Prof. Silvia Sirchia.

2018 – Oggi Lezioni Frontali, 4 ore, *Dissecting genome shape to understand the function: tridimensional epigenetic organization of transcription*, nel corso di From Molecular Biology to Functional Genomics, Master II livello post-Laurea di Bioinformatics and Functional Genomics, Università degli Studi di Milano, titolare del corso: Prof. Elena Battaglioli.

2014 – Oggi Lezioni frontali, 4 ore, *Dynamics of DNA repetitive elements in cell programming, differentiation and disease*, nel corso di Molecular biology applied to biotechnology, Laurea magistrale in Medical Biotechnology and Molecular Medicine, Università degli Studi di Milano, titolare del corso: Prof. Massimiliano Pagani.

2014 – 2018 Lezione frontale, 2 ore, *Dynamics of DNA repetitive elements in cell programming, differentiation and disease*, nel corso di Molecular Biology, corso di Laurea in Medicina e Chirurgia - International Medical School, Università degli Studi di Milano, titolare del corso: Prof. Massimiliano Pagani.

2013 – 2015 Lezione frontale, 2 ore, *Epigenetics of DNA repetitive elements in health and disease*, nel corso di Basi Molecolari delle Malattie, Laurea Magistrale in Biotecnologie Mediche Molecolari e Cellulari, Università Vita e Salute San Raffaele, titolare del corso: Prof. Angelo Manfredi.

2005 – 2008 Esercitazioni ed assistenza agli esami di profitto in qualità di cultore della materia nel corso di Metodologie Cellulari e Molecolari, Laurea Triennale in Biotecnologie Mediche, Università di Milano, titolare del corso: Prof. Enrico Ginelli.

2004 – 2008 Esercitazioni ed assistenza agli esami di profitto in qualità di cultore della materia nel corso di Laboratorio di Biotecnologie Applicate alla Medicina, Laurea Magistrale in Biotecnologie Mediche e Medicina Molecolare, Università di Milano, titolare del corso: Prof. Diego Fornasari.

Tutor dello studente e correlatore/relatore dell'elaborato di tesi:

Tesi di laurea triennale:

1. Elisabetta Diana: *Analisi dei metodi di silenziamento dei trascritti LINE1 associati alla cromatina per individuarne il possibile ruolo nel potenziamento dell'immunogenicità del cancro al colon*, Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2019 – 2020).
2. Laura Fiorenza: *Analisi di metilazione degli elementi ripetuti LINE1 come biomarcatori per disordini neurocomportamentali associati alla nascita prematura*, Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2018 – 2019).
3. Anna Tricarico: *Modulazione dei livelli di metilazione di LINE1 durante lo sviluppo cerebrale in modello murino*, Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2017 – 2018).
4. Erika Ferrandi: *A bioinformatics approach to study the role of transposable elements in the hematopoietic system*. Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2017 – 2018).
5. Matteo Colombo: *Ruolo degli elementi trasponibili LINE1 nella regolazione della trascrizione nei linfociti T umani*, Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2017 – 2018).
6. Giulia Francesca Manenti: *Descrizione dell'organizzazione nucleare degli elementi ripetuti del DNA LINE1 mediante la tecnologia 3D DNA-RNA-IMMUNO FISH*, Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2016 – 2017).
7. Erica Gasparotto: *Sviluppo di un protocollo di western blot mirato alla rilevazione di Atrogin 1, un nuovo gene candidato in FSHD*, Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2015 – 2016).
8. Silvia Manfro: *Produzione di un costrutto fluorescente per la visualizzazione e il sorting della proteina DUX4*, Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2013 – 2014).
9. Claudio Lorenzi: *Disegno e realizzazione di un plasmide fluorescente TALE per imaging in vivo di sequenze ripetute del DNA nel genoma umano*, Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2013 – 2014).
10. Filippo Baitelli: *Clonaggio delle sequenze che interagiscono con il repeat D4Z4 nel nucleo interfase di cellule muscolari umane*, Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2007 – 2008).
11. Marta Giussani: *Analisi dell'espressione del gene FRG1 in cellule muscolari di pazienti affetti da Distrofia Facioscapolomerale (FSHD)*, Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2007 – 2008).
12. Sara Zovetti: *Uso dei polimorfismi del DNA per lo studio di variazioni di sequenza di alleli 4q35.2 associati alla Distrofia Facioscapolomerale (FSHD)*, Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2007 – 2008).

13. Valentina Spada: *Messa a punto di un metodo rapido per valutare la metilazione del DNA e suo utilizzo in diagnostica*, Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2006 – 2007).
14. Emanuela Toffolo: *Analisi mutazionale del gene FRG1 in pazienti affetti da Distrofia Facio-scapolomerale (FSHD)*, Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2006 – 2007).
15. Letizia Armenio: *Analisi del ruolo dei fattori REST e YY1 durante il differenziamento miogenico mediante immunoprecipitazione della cromatina (ChIP)*, Corso di Laurea triennale in Biotecnologie mediche, Università degli studi di Milano (a.a 2006 – 2007).

Tesi di laurea magistrale:

1. Valeria Di Gioia: *Dissecting the LINE-1-mediated Chromatin Organization in Human T CD4+ Lymphocytes*, Corso di Laurea Magistrale in Medical Biotechnology and Molecular Medicine, Università degli Studi di Milano (a.a. 2019 – 2020).
2. Mattia Battistella: *Transposable Elements mediated transcriptional plasticity in T lymphocytes identity and differentiation*, Corso di Laurea Magistrale in Medical Biotechnology and Molecular Medicine, Università degli Studi di Milano (a.a. 2018 – 2019).
3. Maria Luce Negri: *Caratterizzazione del ruolo epigenetico dei trasposoni LINE1 nell'identità cellulare dei linfociti T CD4+ nella maturazione del sistema immunitario*, Corso di Laurea Magistrale in Biologia Cellulare e Molecolare, Alma Mater Studiorum Università di Bologna (a.a. 2018 – 2019).
4. Erica Gasparotto: *LINE1 transcriptional dynamics in human T lymphocytes in physiology and cancer*, Corso di Laurea Magistrale in Medical Biotechnology and Molecular Medicine, Università degli Studi di Milano (a.a. 2017 – 2018).
5. Eleonora Sala: *Analisi delle interazioni tridimensionali mediate dal macrosatellite 4q-d4z4 deregolate nella distrofia Facioscapolomerale (FSHD)*, Corso di Laurea Magistrale in Medical Biotechnology and Molecular Medicine, Università degli Studi di Milano (a.a. 2016 – 2017).
6. Lorena Zannino: *Caratterizzazione della topologia e delle dinamiche d'interazione del macrosatellite D4Z4, come modello per la comprensione del ruolo delle sequenze ripetute nell'organizzazione 3D del genoma*, Corso di Laurea Magistrale in Biologia, Università di Milano Bicocca (a.a. 2015 – 2016).
7. Marta Salvi: *Caratterizzazione del ruolo epigenetico dei trasposoni LINE-1 nell'identità cellulare dei linfociti T CD4+*, Corso di Laurea Magistrale in Biotecnologie Mediche e Medicina Molecolare, Università degli studi di Milano (a.a. 2015 – 2016).
8. Mara Cetty Spinella: *Sviluppo di tools di imaging per descrivere le dinamiche genomiche 3D degli elementi ripetuti del DNA durante il differenziamento cellulare*, Corso di Laurea Magistrale in Biotecnologie Mediche e Medicina Molecolare, Università degli studi di Milano (a.a. 2014 – 2015).
9. Pamela Belotti: *Struttura cromatinica ed espressione genica del locus 4q35 in cellule staminali muscolari di pazienti affetti da Distrofia Facio-scapolomerale (FSHD)*, Corso di Laurea Magistrale in Biotecnologie Mediche e Medicina Molecolare, Università degli studi di Milano (a.a. 2006 – 2007).
10. Pasquale Carpinelli: *Genomica comparativa del locus della Distrofia Facioscapolomerale (FSHD)*, Corso di Laurea Magistrale in Biotecnologie Mediche e Medicina Molecolare, Università degli studi di Milano (a.a. 2005 – 2006).

11. Laura Mora: *Superfamiglia dei TGF beta e oogenesi: Analisi Molecolare dei geni GDF9 e INH alfa in donne affette da menopausa precoce*, Corso di Laurea Magistrale in Biotecnologie Mediche e Medicina Molecolare, Università degli studi di Milano (a.a. 2005 – 2006).
12. Francesca Ornaghi: *La premutazione FRAXA nella menopausa precoce: caratterizzazione molecolare e meccanismo patogenetico*, Corso di Laurea Magistrale in Biotecnologie Mediche e Medicina Molecolare, Università degli studi di Milano (a.a. 2004 – 2005).

Tesi di master II livello:

1. Benedetto Polimeni: *Chromatin State Discovery and CAGE-Seq analysis reveal distinct patterns of Transposable Elements enrichment in CD4+ Naïve cells*, Master di II livello in Bioinformatics and Functional Genomics, Università degli studi di Milano (a.a. 2017 – 2018).
2. Giulia Russo: *Transposable elements expression and methylation in CD4+T cells during ageing: an analysis on published data*, Master di II livello in Bioinformatics and Functional Genomics, Università degli studi di Milano (a.a. 2017 – 2018).

Tesi di Dottorato di Ricerca:

1. Alice Cortesi: *Chromatin landscape of D4Z4 repeat interactome reveals a muscle atrophy signature in facioscapulohumeral dystrophy*, PhD Program in translational and molecular medicine (DIMET), Università di Milano Bicocca (a.a. 2015 -2016, XXIX ciclo).
2. Federica Marasca: *Epigenetics as adaptive modulation of cell identity in differentiated cells: a role for the Polycomb protein Ezh1*, Dottorato in Biologia Cellulare e Molecolare, Università degli studi di Roma Tor Vergata (a.a.2014 – 2015, XXVIII ciclo).

Pubblicazioni Scientifiche

Pubblicazioni in corso di revisione:

1. Marasca F, Sinha S, Vadalà R, Polimeni B, Ranzani V, Paraboschi E, Negri ML, Campagnoli S, Torre O, Harari S, Viale G, Soldà G, Biffo S, Grifantini R, Abrignani S, [Bodega B*](#). *Intronic LINE1 are included in chromatin associated transcripts and regulate human T lymphocytes function.*
* [Corresponding author](#)
2. Fontana C, Marasca F, Provitera L, Mancinelli S, Pesenti N, Sinha S, Passera S, Abrignani S, Mosca F, Lodato S, [Bodega B*](#), Fumagalli M. *Early maternal care restores LINE-1 methylation and enhances neurodevelopment in preterm infants* * [Co-last and Co-corresponding author](#)
3. Spreafico M, Cafora M, Bragato C, Capitanio D, Marasca F, [Bodega B](#), Mora M, Gelfi C, Marozzi A, Pistocchi A. *Targeting HDAC8 to ameliorate skeletal muscle differentiation in Duchenne muscular dystrophy*

Pubblicazioni in giornali internazionali:

Numero totale: 36

IF medio: 9.792

H-index: 18

Numero totale di citazioni: 3627

1. Marasca F, Cortesi A, [Bodega B*](#) n3D COMBO chrRNA-DNA-Immuno FISH: a versatile tool to study chromatin associated RNAs, DNA and protein dynamics in human primary T cells” *Methods Mol Biol., in press* * [Corresponding author](#)
2. Rovina D, La Vecchia M, Cortesi A, Fontana L, Pesant M, Maitz S, Tabano S, [Bodega B](#), Miozzo M, Sirchia SM. Profound Alterations of the Chromatin Architecture at Chromosome 11p15.5 in Cells From Beckwith-Wiedemann and Silver-Russell Syndromes Patients. *Sci Rep.* 2020 19;10(1):8275.
IF = 3.998
3. Marasca F, Gasparotto E, Polimeni B, Vadalà R, Ranzani V, [Bodega B*](#). The Sophisticated Transcriptional Response Governed by Transposable Elements in Human Health and Disease *Int J Mol Sci.* 2020 30;21(9):3201. * [Corresponding author](#) **IF = 4.556**
4. Marasca F, Cortesi A, Manganaro L, [Bodega B*](#). 3D Multicolor DNA FISH Tool to Study Nuclear Architecture in Human Primary Cells. *J Vis Exp.* 2020 25;(155). * [Corresponding author](#) **IF = 1.108**
5. Bianchi A, Mozzetta C, Pegoli G, Lucini F, Valsoni S, Rosti V, Petrini C, Cortesi A, Gregoret F, Antonelli L, Oliva G, De Bardi M, Rizzi R, [Bodega B](#), Pasini D, Ferrari F, Bearzi C, Lanzuolo C. Dysfunctional Polycomb Transcriptional Repression Contributes to Lamin A/C-dependent Muscular Dystrophy. *J Clin Invest.* 2020 May 1;130(5):2408-2421.
IF = 12.282, Cit 1
6. Cortesi A, Pesant M, Sinha S, Marasca M, Sala E, Gregoret F, Antonelli L, Oliva G, Chierighin C, Soldà G, [Bodega B*](#). 4q-D4Z4 chromatin architecture regulates the transcription of muscle atrophic genes in Facioscapulohumeral muscular dystrophy. *Gen Res.* 2019 Jun;29(6):883-895
* [Corresponding author](#) **IF = 9.944, Cit 5**
7. Mazzola M, Deforian G, Pezzotta A, Ferrari L, Fazio G, Bresciani E, Saitta C, Ferrari L, Fumagalli M, Parma M, Marasca F, [Bodega B](#), Riva P, Cotelli F, Biondi A, Marozzi A, Cazzaniga G, Pistocchi A. NIPBL: a new player in myeloid cell differentiation. *Haematol.* 2019 Jul;104(7):1332-1341
IF = 7.570, Cit 3

8. Marasca F, [Bodega B*](#), Orlando V. How Polycomb-mediated cell memory deals with a changing environment *BioEssays*, 2018 Apr;40(4):e1700137 * [Co-last and Co-corresponding author](#)
IF = 4.396, Cit 7

9. Noguchi S, Arakawa T, Fukuda S, Furuno M, Hasegawa A, Hori F, Ishikawa-Kato S, Kaida K, Kaiho A, Kanamori-Katayama M, Kawashima T, Kojima M, Kubosaki A, Manabe RI, Murata M, Nagao-Sato S, Nakazato K, Ninomiya N, Nishiyori-Sueki H, Noma S, Saijyo E, Saka A, Sakai M, Simon C, Suzuki N, Tagami M, Watanabe S, Yoshida S, Arner P, Axton RA, Babina M, Baillie JK, Barnett TC, Beckhouse AG, Blumenthal A, [Bodega B](#), et al., [Fantom_5 Consortium] FANTOM5 CAGE Profiles of Human and Mouse Samples. *Sci Data*. 2017 Aug 29;4:170112 **IF = 5.311, Cit 30**

10. [Bodega B*](#), Marasca F, Ranzani V, Cherubini A, Della Valle F, Neguembor MV, Wassef M, Zippo A, Lanzuolo C, Pagani M, Orlando V. A cytosolic Ezh1 isoform modulates a PRC2-Ezh1 epigenetic adaptive response in postmitotic cells *Nat Struct Mol Biol*. 2017 May;24(5):444-452
* [Co-Corresponding author](#) **IF = 13.333, Cit 17**
 - **Commented as news and views:** Nat Struct Mol Biol (2017) 24(5) 435-437. Brand M., Dilworth J., Splicing of Ezh1 gets muscle out of stressful situations
 - **Research highlight:** Nat Rev Mol Cell Biol (2017) 18(5):276-277. Zlotorynski E. Cytosolic Ezh1 muscles PRC2 out of the nucleus

11. Cortesi A, [Bodega B*](#). Chromosome Conformation Capture in Primary Human Cells. *Methods Mol Biol*. 2016;1480:213-21. * [Corresponding author](#)

12. Hurst LD, Ghanbarian AT, Forrest AR, Kawaji H, Rehli M, Baillie K, de Hoon M, Haberle V, Lassmann T, Kulakovskiy IV, Lizio M, Itoh M, Andersson R, Mungall CJ, Meehan TF, Schmeier S, Bertin N, Jørgensen M, Dimont E, Arner E, Schmidl C, Schaefer U, Medvedeva YA, Plessy C, Vitezic M, Severin J, Semple CA, Ishizu Y, Young RS, Francescato M, Alam I, Albanese D, Altschuler GM, Arakawa T, Archer JAC, Arner P, Babina M, Baker S, Balwierz PJ, Beckhouse AG, Pradhan-Bhatt S, Blake JA, Blumenthal A, [Bodega B](#), et al., The Constrained Maximal Expression Level Owing to Haploidy Shapes Gene Content on the Mammalian X Chromosome. *PLoS Biol*. 2015 Dec 18;13(12):e1002315 **IF = 8.668, Cit 13**

13. Carbajo D, Magi S, Itoh M, Kawaji H, Lassmann T, Arner E, Forrest AR, Carninci P, Hayashizaki Y, DaubCO, Rehli M, Baillie J, de Hoon MJ, Haberle V, Lassmann T, Kulakovskiy IV, Lizio M, Itoh M, Andersson R, Mungall CJ, Meehan TF, Schmeier S, Bertin N, Jørgensen M, Dimont E, Arner E, Schmidl C, Schaefer U, Medvedeva YA, Plessy C, Vitezic M, Severin J, Semple CA, Ishizu Y, Francescato M, Alam I, Albanese D, Altschuler GM, Archer JA, Arner P, Babina M, Baker S, Balwierz PJ, Beckhouse AG, Pradhan-Bhatt S, Blake JA, Blumenthal A, [Bodega B](#), et al., Application of Gene Expression Trajectories Initiated from ErbB Receptor Activation Highlights the Dynamics of Divergent Promoter Usage. *PLoS One*. 2015 Dec 14;10(12):e0144176. **IF = 3.057**

14. Cesarini E, Mozzetta C, Marullo F, Gregoret F, Gargiulo A, Columbaro M, Cortesi A, Antonelli L, Di Pelino S, Squarzone S, Palacios D, Zippo A, [Bodega B](#), Oliva G, Lanzuolo C. Lamin A/C sustains PcG protein architecture, maintaining transcriptional repression at target genes. *J Cell Biol*. 2015 Nov 9;211(3):533-51 **IF = 8.717, Cit 53**

15. Zanonato F, Forcato M, Battilana G, Azzolin L, Quaranta E, [Bodega B](#), Rosato A, Bicciato S, Cordenonsi M, Piccolo S. Genome-wide association between YAP/TAZ/TEAD and AP-1 at enhancers drives oncogenic growth. *Nat Cell Biol*. 2015 Sep;17(9):1218-27 **IF = 18.699, Cit 346**

16. Yoshihara M, Ohmiya H, Hara S, Kawasaki S, Hayashizaki Y, Forrest AR, Kawaji H, Rehli M, Baillie J, de Hoon MJ, Haberle V, Lassmann T, Kulakovskiy IV, Lizio M, Itoh M, Andersson R, Mungall CJ, Meehan TF, Schmeier S, Bertin N, Jørgensen M, Dimont E, Arner E, Schmidl C, Schaefer U, Medvedeva YA, Plessy C, Vitezic M, Severin J, Semple CA, Ishizu Y, Francescato M, Alam I, Albanese D, Altschuler GM, Archer JA, Arner P, Babina M, Baker S, Balwierz PJ, Beckhouse AG, Pradhan-Bhatt S, Blake JA, Blumenthal A, [Bodega B](#), et al., Discovery of molecular markers to discriminate corneal endothelial cells in the human body. *PLoS One*. 2015 Mar 25;10(3):e0117581
IF = 3.057, Cit 13
17. Arner E., Daub C., Vitting-Seerup K., Andersson R., Lilje B., Drablos F., Lennartsson A., Ronnerblad M., Hrydziusko O., Vitezic M., Freeman T., Alhendi A., Arner P., Axton R., Baillie K., Beckhouse A., [Bodega B](#), et al., [Fantom_5 Consortium] Enhancers lead waves of coordinated transcription in transitioning mammalian cells. *Science*. 2015 Feb 27;347(6225):1010-4
IF = 34.661, Cit 242
18. Ranzani V., Rossetti G., Panzeri I., Arrigoni A., Bonnal R., Curti S., Gruarin P., Provati E., Sugliano E., Marconi M., De Francesco R., Geginat J., [Bodega B](#), Abrignani S., Pagani M. lincRNAs landscape in human lymphocytes highlights regulation of T cell differentiation by linc-MAF-4. *Nat Immunol*. 2015 Mar;16(3):318-325
IF = 19.381, Cit 142
19. Liang C; FANTOM Consortium, et al, Alam I, Albanese D, Altschuler G, Andersson R, Arakawa T, Archer J, Arner E, Arner P, Babina M, Baillie K, Bajic V, Baker S, Balic A, Balwierz P, Beckhouse A, Bertin N, Blake JA, Blumenthal A, [Bodega B](#), et al., The statistical geometry of transcriptome divergence in cell-type evolution and cancer. *Nat Commun*. 2015 Jan 14;6:6066
IF = 11.329, Cit 22
20. [Bodega B*](#), Orlando V. Repetitive Elements dynamics in cell identity programming, maintenance and disease. *Curr Opin Cell Biol*. 2014 Dec;31:67-73 *Co-Corresponding author **IF = 8.467, Cit 21**
21. Hasegawa Y, Tang D, Takahashi N, Hayashizaki Y, Forrest AR, Kawaji H, Rehli M, Baillie J, de Hoon MJ, Haberle V, Lassmann T, Kulakovskiy IV, Lizio M, Itoh M, Andersson R, Mungall CJ, Meehan TF, Schmeier S, Bertin N, Jørgensen M, Dimont E, Arner E, Schmidl C, Schaefer U, Medvedeva YA, Plessy C, Vitezic M, Severin J, Semple CA, Ishizu Y, Young RS, Francescato M, Alam I, Albanese D, Altschuler GM, Arakawa T, Archer JA, Arner P, Babina M, Baker S, Balwierz PJ, Beckhouse AG, Pradhan-Bhatt S, Blake JA, Blumenthal A, [Bodega B](#), et al., CCL2 enhances pluripotency of human induced pluripotent stem cells by activating hypoxia related genes. *Sci Rep*. 2014 Jun 24;4:5228.
IF = 5.578, Cit 12
22. Morikawa H, Ohkura N, Vandenbon A, Itoh M, Nagao-Sato S, Kawaji H, Lassmann T, Carninci P, Hayashizaki Y, Forrest AR, Standley DM, Date H, Sakaguchi S, Kawaji H, Rehli M, Baillie JK, de Hoon MJ, Haberle V, Lassmann T, Kulakovskiy IV, Lizio M, Itoh M, Andersson R, Mungall CJ, Meehan TF, Schmeier S, Bertin N, Jørgensen M, Dimont E, Arner E, Schmidl C, Schaefer U, Medvedeva YA, Plessy C, Vitezic M, Severin J, Semple CA, Ishizu Y, Francescato M, Alam I, Albanese D, Altschuler GM, Archer JA, Arner P, Babina M, Baker S, Balwierz PJ, Beckhouse AG, Pradhan-Bhatt S, Blake JA, Blumenthal A, [Bodega B](#), et al., Differential roles of epigenetic changes and Foxp3 expression in regulatory T cell-specific transcriptional regulation. *Proc Natl Acad Sci U S A*. 2014 Apr 8;111(14):5289-94
IF = 9.674, Cit 70
23. Arner E, Forrest AR, Ehrlund A, Mejhert N, Itoh M, Kawaji H, Lassmann T, Laurencikienė J, Rydén M, Arner P, Rehli M, Baillie J, de Hoon MJ, Haberle V, Kulakovskiy IV, Lizio M, Itoh M, Andersson R, Mungall CJ, Meehan TF, Schmeier S, Bertin N, Jørgensen M, Dimont E, Arner E, Schmidl C, Schaefer U, Medvedeva YA, Plessy C, Vitezic M, Severin J, Semple CA, Ishizu Y, Francescato M, Alam I, Albanese D, Altschuler GM, Archer JA, Arner P, Babina M, Baker S, Balwierz PJ, Beckhouse AG, Pradhan-Bhatt S, Blake JA, Blumenthal A, [Bodega B](#), et al., Ceruloplasmin is

a novel adipokine which is overexpressed in adipose tissue of obese subjects and in obesity-associated cancer cells. *PLoS One*. 2014 Mar 27;9(3):e80274. **IF = 3.234, Cit 20**

24. Forrest A, Kawaji H, Rehli M, Baillie J, de Hoon M, Haberle V, Lassmann T, Kulakovskiy I, Lizio M, Itoh M, Andersson A, Mungall C, Meehan T, Freeman T, Schmeier S, Bertin N, Jørgensen M, Dimont E, Arner E, Schaefer U, Medvedeva Y, Taylor M, Francescato F, Vitezic M, Severin J, Semple C, Ishizu Y, Kaiho A, Saka A, Hasegawa H, Knox A, Mackay-Sim A, Edge A, Bonetti A, Diehl A, Favorov A, Meynert A, Saxena A, Joshi A, Califano A, Lennartsson A, Gibson A, Kwon A, Schwegmann A, Beckhouse A, Mathelier A, Blumenthal A, Sajantila A, Pain A, Kasianov A, Kubosaki A, Deplancke B, [Bodega B](#), et al., [Fantom_5 Consortium] A promoter level mammalian expression atlas. *Nature*. 2014 Mar 27;507(7493):462-70 **IF = 41.456, Cit 856**
25. Andersson R, Gebhard C, Miguel-Escalada I, Hoof I, Bornholdt J, Boyd M, Chen Y, Zhao X, Schmidl C, Suzuki T, Ntini E, Arner E, Valen E, Li K, Schwarzfischer L, Glatz D, Raithel J, Lilje B, Rapin N, Bagger FO, Jørgensen M, Andersen PR, Bertin N, Rackham O, Burroughs AM, Baillie JK, Ishizu Y, Shimizu Y, Furuhashi E, Maeda S, Negishi Y, Mungall CJ, Meehan TF, Lassmann T, Itoh M, Kawaji H, Kondo N, Kawai J, Lennartsson A, Daub CO, Heutink P, Hume DA, Jensen TH, Suzuki H, Hayashizaki Y, Müller F; FANTOM Consortium, Forrest AR, Carninci P, Rehli M, Sandelin A, Kawaji H, Baillie JK, de Hoon MJ, Haberle V, Lassmann T, Kulakovskiy IV, Lizio M, Itoh M, Andersson R, Mungall CJ, Meehan TF, Schmeier S, Bertin N, Jørgensen M, Dimont E, Arner E, Schmid C, Schaefer U, Medvedeva YA, Plessy C, Vitezic M, Severin J, Semple CA, Ishizu Y, Young RS, Francescato M, Alam I, Albanese D, Altschuler GM, Arakawa T, Archer JA, Arner P, Babina M, Rennie S, Balwierz PJ, Beckhouse AG, Pradhan-Bhatt S, Blake JA, Blumenthal A, [Bodega B](#), et al., [Fantom_5 Consortium] An atlas of active enhancers across human cell type and tissues. *Nature*. 2014 Mar 27;507(7493):455-461 **IF = 41.456, Cit 1017**
26. Giussani M, Cardone MF, [Bodega B](#), Ginelli E, Meneveri R. Evolutionary history of linked D4Z4 and Beta satellite clusters at the FSHD locus (4q35). *Genomics*. 2012 Nov;100(5):289-96 **IF = 3.010, Cit 3**
27. Cabianca DS, Casa V, [Bodega B](#), Xynos A, Ginelli E, Tanaka Y, Gabellini D. A long ncRNA links copy number variation to a polycomb/trithorax epigenetic switch in FSHD muscular dystrophy. *Cell*. 2012 May 11;149(4):819-31. **IF = 31.957, Cit 232**
28. Stojic L*, Jasencakova Z*, Prezioso C*, Stutzer A, [Bodega B](#), Pasini D, Klingberg R, Mozzetta C, Margueron R, Puri PL, Schwarzer D, Helin K, Fischle W, Orlando V. Chromatin regulated interchange between PRC2-Ezh2 and PRC2-Ezh1 complexes controls Myogenin activation in skeletal muscle cells. *Epigenetics Chromatin*. 2011 Sep 5;4:16 **IF = 4.462, Cit 68**
29. Cheli S, François S, [Bodega B](#), Ferrari F, Tenedini E, Roncaglia E, Ferrari S, Ginelli E, Meneveri R. Expression Profiling of FSHD-1 and FSHD-2 Cells during Myogenic Differentiation Evidences Common and Distinctive Gene Dysregulation Patterns. *PLoS One*. 2011;6(6):e20966 **IF = 4.092, Cit 27**
30. [Bodega B*](#), Di Capua G, Grasser F, Cheli S, Brunelli S, Mora M, Meneveri R, Marozzi A, Muller S, Battaglioli E, Ginelli E. Remodelling of the chromatin structure of the facioscapulohumeral muscular dystrophy (FSHD) locus and upregulation of FSHD-related gene 1 (FRG1) expression during human myogenic differentiation. (2009) *BMC Biology* 7:41. * [Corresponding author](#) **IF = 5.636, Cit 64**
31. [Bodega B](#), Cardone MF, Muller S, Neusser M, Orzan F, Rossi E, Battaglioli E, Marozzi A, Riva P, Rocchi M, Meneveri R, Ginelli E. Evolutionary genomic remodelling of the human 4q subtelomere (4q35.2). *BMC Evol Biol*. 2007 Mar 14;7:39 **IF = 4.091, Cit 9**

32. Rossi E, Picozzi P, [Bodega B](#), Lavazza C, Carlo-Stella C, Marozzi A, Ginelli E. Forced Expression of RDH10 Gene Retards Growth of HepG2 Cells. (2007) *Cancer Biol Ther*. 2007 Feb;6(2):238-44.
IF = 2.873
33. [Bodega B*](#), Cardone MF, Rocchi M, Meneveri R, Marozzi A, Ginelli E. The boundary of human rDNA is constituted by evolutionary conserved low copy sequences. *Genomics*. 2006 Nov;88(5):564-71 *[Corresponding author](#)
IF = 3.558, Cit 5
34. Di Pasquale E, Rossetti R, Marozzi A, [Bodega B](#), Borgato S, Cavallo L, Einaudi S, Radetti G, Russo G, Sacco M, Wasniewska M, Cole T, Beck-Peccoz P, Nelson LM, Persani L. Identification of new variants of human BMP15 gene in a large cohort of women with premature ovarian failure. *J Clin Endocrinol Metab*. 2006 May;91(5):1976-9.
IF = 5.799, Cit 145
35. [Bodega B](#), Bione S, Dalpra L, Toniolo D, Ornaghi F, Vegetti W, Ginelli E, Marozzi A. Influence of intermediate and uninterrupted FMR1 CGG expansions in premature ovarian failure manifestation. *Hum Reprod*. 2006 Apr;21(4):952-7.
IF = 3.769, Cit 136
36. [Bodega B](#), Porta C, Crosignani PG, Ginelli E, Marozzi A. Mutations in the coding region of FOXL2 gene are not a major cause of POF. *Mol Hum Reprod*. 2004 Aug;10(8):555-7 **IF = 3.347, Cit 32**

PUBBLICAZIONI Capitoli di Volumi:

1. [Bodega B](#), Pagani M. Epigenetica. "Genetica" (2018) EdiSES S.r.l., ISBN 978 88 7959 968 9

Data

14 luglio 2020

Luogo

Milano