

UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Procedura di selezione per la chiamata a professore di I fascia da ricoprire ai sensi dell'art. 18, comma 1, della Legge n. 240/2010 per il settore concorsuale 07/E1 - Chimica Agraria, Genetica Agraria e Pedologia, (settore scientifico-disciplinare AGR/07 - Genetica Agraria) presso il Dipartimento di SCIENZE AGRARIE E AMBIENTALI - PRODUZIONE, TERRITORIO, AGROENERGIA, Codice concorso 4660

[LAURA ROSSINI] CURRICULUM VITAE

(N.B. IL CURRICULUM NON DEVE ECCEDERE LE 30 PAGINE E DEVE CONTENERE TUTTI GLI ELEMENTI UTILI ALLA VALUTAZIONE DEI TITOLI SOTTOPOSTI AL GIUDIZIO DELLA COMMISSIONE)

INFORMAZIONI PERSONALI (NON INSERIRE INDIRIZZO PRIVATO E TELEFONO FISSO O CELLULARE)

COGNOME	ROSSINI
NOME	LAURA
DATA DI NASCITA	22/08/1968

TITOLI

TITOLO DI STUDIO

(indicare la Laurea conseguita inserendo titolo, Ateneo, data di conseguimento, ecc.)

Laurea in Scienze Biologiche
Università degli Studi di Milano
Data di conseguimento: 24/02/1992
Votazione: 110/110 e Lode

TITOLO DI DOTTORE DI RICERCA O EQUIVALENTI, OVVERO, PER I SETTORI INTERESSATI, DEL DIPLOMA DI SPECIALIZZAZIONE MEDICA O EQUIVALENTE, CONSEGUITO IN ITALIA O ALL'ESTERO

(inserire titolo, ente, data di conseguimento, ecc.)

Dottorato di Ricerca in Scienze Genetiche (8° Ciclo)
Università degli Studi di Milano
Data di conseguimento: 11/11/1996

ALTRI TITOLI CONSEGUITI

(inserire titolo, ente, data di conseguimento, ecc.)

ASN 2018 Abilitazione Scientifica Nazionale I Fascia, Settore concorsuale 07/E1, settore scientifico-disciplinare AGR/07 Genetica Agraria
Validità dal 10/05/2019 al 10/05/2025.

ASN 2014 Abilitazione Scientifica Nazionale II Fascia, Settore concorsuale 07/E1, settore scientifico-disciplinare AGR/07 Genetica Agraria
Validità dal 27/11/2014 al 27/11/2020.

Esame di stato Superamento dell'esame di stato per l'Abilitazione alla Professione di Biologo, Università degli Studi di Milano
Data di conseguimento: Novembre 1993.

PERCORSO PROFESSIONALE

Posizione attuale Da Ott 2017	Professore Associato in genetica agraria, AGR/07 Dipartimento di Scienze Agrarie e Ambientali Università degli Studi di Milano
Mar 2000 - Set 2017	Ricercatore universitario/professore aggregato in genetica agraria, AGR/07 Dipartimento di Scienze Agrarie e Ambientali Università degli Studi di Milano
Nov 2008 - Set 2018	Coordinamento delle attività di ricerca di genomica vegetale del Parco Tecnologico Padano (PTP, Lodi) nell'ambito di convenzioni di ricerca fra Università degli Studi di Milano e PTP.
Post-doc Lug 1996 - Mar 2000	Department of Plant Sciences, University of Oxford (UK) Progetto: <i>Analisi genetica e molecolare del differenziamento fotosintetico in specie monocotiledoni.</i> Laboratorio della Prof.ssa Jane Langdale. Per questo progetto le sono stati attribuiti: Contratto come <i>research assistant</i> presso University of Oxford (UK) (Lug 1996 - Set 1997) Borsa di studio post-dottorato long-term della European Molecular Biology Organization (EMBO) (Ott 1997 - Giu 1999) Borsa di studio dell'Accademia Nazionale dei Lincei, fondazione "Valeria Vincenzo Landi" per il perfezionamento in genetica agraria presso laboratori stranieri (Giu 1999 - Mar 2000)
Mar 1996 - Giu 1996	Dipartimento di Genetica e Biologia dei Microrganismi Università degli Studi di Milano. Progetto: <i>Analisi genetica e molecolare della resistenza erbicidi in mais.</i> Laboratorio della Prof.ssa Mirella Sari Gorla.
Dottorato Nov 1992 - Ott 1995	Dipartimento di Genetica e di Biologia dei Microrganismi Università degli Studi di Milano VIII ciclo del Dottorato di Ricerca in Scienze Genetiche (borsa ministeriale) Progetto: <i>Base genetica dell'evoluzione delle resistenze a erbicidi nelle piante</i> Docente-guida Prof.ssa Mirella Sari Gorla
Mar 1995 - Set 1995	Zeneca - Sezione di Plant Biotechnology Stazione di ricerca di Jealott's Hill, Bracknell (UK) Attività di ricerca in collaborazione con Dott. Ian Jepson nell'ambito del progetto di dottorato.
Tirocinio Mar - Ott 1992	Dipartimento di Genetica e di Biologia dei Microrganismi Università degli Studi di Milano Tirocinante per il superamento dell'esame di stato per l'Abilitazione alla Professione di Biologo, laboratorio della Prof.ssa Mirella Sari Gorla
Internato di tesi Feb 1990 - Feb 1992	Dipartimento di Genetica e di Biologia dei Microrganismi Università degli Studi di Milan Tesi sperimentale dal titolo: <i>Controllo genetico e basi biochimiche della tolleranza a erbicidi in mais</i> Relatore Prof.ssa Mirella Sari Gorla.

ATTIVITÀ DIDATTICA

Laura Rossini ha un'esperienza consolidata nell'insegnamento della genetica, maturata fin dal dottorato di ricerca con la conduzione di esercitazioni e tutorials nell'ambito di insegnamenti di genetica e la supervisione operativa di numerosi laureandi, sia in Italia che in UK. A partire dalla sua entrata in servizio presso l'Università degli Studi di Milano come ricercatore nel 2000, ha svolto una continuativa e intensa attività didattica come docente responsabile di diversi insegnamenti di genetica, miglioramento e biotecnologie vegetali per corsi di laurea triennali e magistrali, master e dottorato di ricerca. Ha supervisionato numerosi dottorandi e laureandi in veste di relatore e correlatore.

INSEGNAMENTI E MODULI

(inserire anno accademico, corso laurea, numero di ore frontali, eventuale CFU)

Di seguito sono riportate le discipline tenute come titolare nell'ambito di corsi istituzionali dell'Università degli Studi di Milano

Disciplina (CFU, ore)	Corso di Laurea	A.A.
Genetica agraria e miglioramento (6 CFU, 48 ore)	CdL triennale Protezione delle piante (G14)	2001-2002 2002-2003 2003-2004 2004-2005 2005-2006 2006-2007 2007-2008 2008-2009
Biologia generale e Genetica - Mod II: Genetica (5 CFU, mutuato sul precedente)	CdL triennale Produzione vegetale (G13)	2001-2002 2002-2003 2003-2004 2004-2005 2005-2006 2006-2007 2007-2008 2008-2009
Genetica Agraria (4 CFU, mutuato sui precedenti due corsi)	CdL triennale Scienza della Produzione e Trasformazione del Latte	2001-2002 2002-2003 2003-2004
Coltivazioni erbacee - MOD 2: miglioramento genetico applicato alle coltivazioni erbacee (1 CFU, 8 ore)	CdL triennale Produzione Vegetale (G13)	2005-2006 2006-2007 2007-2008 2008-2009 2009-2010
Genetica e miglioramento genetico - MOD 1: genetica agraria (5 CFU, 48 ore)	CdL triennale Produzione e protezione delle piante e dei sistemi del verde (G27)	2009-2010 2010-2011 2011-2012 2012-2013 2013-2014 2014-2015
Genetica Vegetale Agraria (8 CFU, 64-68 ore)	CdL triennale Produzione e protezione delle piante e dei sistemi del verde (G27)	2015-2016 2016-2017 2017-2018 2018-2019 2019-2020 2020-2021
Sviluppo della Pianta e Biotecnologie (6 CFU, 56 ore)	CdL Magistrale in Biotecnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (LM-7)	2013-2014 2014-2015 2015-2016 2016-2017
Development of crop ideotypes (6 CFU, 48 ore)	CdL Magistrali in Scienze della Produzione e Protezione delle Piante (LM-69) e Plant Science (LM-6)	2018-2019 2019-2020 2020-2021
Exploitation of woody crops (3 ore)	Dottorato di Ricerca in Agricoltura Ambiente e Bioenergia	2018-2019
Plant molecular biology (2.5 CFU, 20 ore)	CdL Magistrali in Scienze della Produzione e Protezione delle Piante (LM-69) e Plant Science (LM-6)	2020-2021

AA 2001-02, 2002-03

Docente del corso teorico-pratico *Produzione e controllo di novità vegetali - Mod. II Metodi di produzione degli OGM* (38 ore)

Master di I Livello in Esperto nel Monitoraggio e Valutazione di Geni e Transgeni in Matrici Ambientali e Alimentari, Università degli Studi di Milano

ATTIVITÀ DI DIDATTICA INTEGRATIVA E DI SERVIZIO AGLI STUDENTI**ATTIVITÀ DI RELATORE DI ELABORATI DI LAUREA, DI TESI DI LAUREA MAGISTRALE, DI TESI DI DOTTORATO E DI TESI DI SPECIALIZZAZIONE***(inserire anno accademico, ateneo, corso laurea, ecc.)***SUPERVISIONE DI LAUREANDI COME RELATORE DI TESI DI LAUREA - Università degli Studi di Milano**

Nome studente	Corso di Laurea	A.A.	Titolo tesi
Daniele Vandoni	Biotechnologie Agrarie e Vegetali (quinquennale)	2001-2002	Strategie integrate per l'isolamento e la caratterizzazione di geni in orzo
Ilaria Decimo	Biotechnologie Agrarie e Vegetali (quinquennale)	2001-2002	Isolamento e analisi dell'espressione di Barley rough sheath2 (Brs2), un gene di orzo appartenente alla classe dei fattori trascrizionali MYB
Francesca Barale	Biotechnologie Agrarie e Vegetali (quinquennale)	2002-2003	Approcci genetico-molecolari applicati allo studio dei processi di ramificazione in orzo (<i>H. vulgare</i>)
Paolo Riccardi	Biotechnologie Agrarie (triennale)	2003-2004	Valutazione del pattern di espressione genica fra piante di frumento wild-type e geneticamente modificate tramite l'uso della tecnologia dei chip a DNA
Roberta D'Ippolito	Biotechnologie Agrarie e Vegetali (triennale)	2004-2005	Tecniche per la sintesi di una "Bacterial Artificial Chromosome library" ad alto peso molecolare (HMW) di frumento duro (<i>Triticum durum</i>)
Paolo Riccardi	Biotechnologie Vegetali, Alimentari e Agroambientali (magistrale)	2004-2005	Caratterizzazione molecolare di BGRF (Barley Growth Regulating Factor) e BBR (Barley B Recombinant) due putativi regolatori del gene Homeobox di orzo Bkn3
Stefano Occhi	Produzione Vegetale (triennale)	2006-2007	Caratterizzazione di piante di riso sovraespressanti BAPL, un regolatore del gene homeobox Bkn3 di orzo
Marco Baino	Biotechnologie Vegetali, Alimentari e Agroambientali (magistrale)	2006-2007	Utilizzo di marcatori molecolari per la selezione di genotipi di riso (<i>Oryza sativa</i> L.) resistenti al brusone (agente causale <i>Pyricularia grisea</i> (Cooke) Sacc.)
Emma Miatton	Biotechnologie Vegetali, Alimentari e Agroambientali (magistrale)	2006-2007	Identificazione e validazione di geni candidati per il controllo dello sviluppo della spiga in orzo
Gabriele Verderio	Biotechnologie Vegetali, Alimentari e Agroambientali (magistrale)	2009-2010	Mappatura ad alta risoluzione di uniclme4, un mutante coinvolto nell'accestimento in orzo (<i>Hordeum vulgare</i>)
Elena Mazzoleni	Produzione vegetale (triennale)	2012-2013	Riproduzione e descrizione di una collezione di mutanti morfologici di orzo (<i>Hordeum vulgare</i>)
Gianluca Bretani	Biotechnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (magistrale)	2013-2014	Enzymatic hydrolysis of lignocellulosic biomass for the production of second generation bioethanol: a genome-wide association mapping study in European winter barley
Marta Binaghi	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2013-2014	Caratterizzazione di uniclme4, un mutante dell'accestimento in orzo (<i>Hordeum vulgare</i> L.)
Elia Cammarata	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2013-2014	Analisi genetica del carattere ornamentale "fiore doppio" in una progenie segregante di pesco (<i>Prunus persica</i> L. Batsch)
Cecilia Bertone	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2014-2015	Analisi fenotipica di una popolazione di validazione di riso per l'adattamento alla coltivazione aerobica
Silvia Ribolzi	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2014-2015	Validazioni di marcatori molecolari associati alla data di maturazione del frutto in <i>Prunus persica</i> (L.) Batsch.
Beatrice Rivolta	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2014-2015	Mappatura genetica e identificazione di un gene candidato per un locus dominante responsabile della petaloidia in pesco (<i>Prunus persica</i> (L.) Batsch)
Irene Maria Fontana	Scienze e tecnologie agrarie (triennale)	2014-2015	Caratterizzazione molecolare di due mutanti dell'architettura della pianta e dell'infiorescenza in orzo (<i>Hordeum vulgare</i> L.)
Martina Balboni	Biotechnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (magistrale)	2014-2015	Analisi genomiche e di espressione di geni candidati per il trasporto degli zuccheri e la composizione della parete cellulare in sorgo (<i>Sorghum bicolor</i>)
Stefano Manduzio	Biotechnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (magistrale)	2015-2016	Characterization of two cell wall proteins isolated from the resurrection plant <i>C. plantagineum</i>
Marta Binaghi	Biotechnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (magistrale)	2015-2016	Functional analysis of two cell wall related genes potentially involved in <i>A. thaliana</i> sepal morphogenesis
Valeria Girlando	Agrotecnologie per l'ambiente e il territorio (triennale)	2015-2016	Valutazione della diversità genetica per caratteri agronomici in una collezione di varietà di orzo (<i>Hordeum vulgare</i>)

Nome studente	Corso di Laurea	A.A.	Titolo tesi
Marcella Bovio	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2016-2017	Analisi fenotipica di 240 accessioni di riso (<i>Oryza sativa</i>) in due regimi idrici
Eleonora Virginia Schiavo	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2016-2017	Caratterizzazione della variabilità fenotipica di una popolazione MAGIC di orzo (<i>Hordeum vulgare</i>)
Cecilia Bertone	SCIENZE DELLA PRODUZIONE E PROTEZIONE DELLE PIANTE (magistrale)	2016-2017	FUNCTIONAL CHARACTERIZATION OF G1L1 AND G1L2: TWO MEMBERS OF A LOG FAMILY INVOLVED IN INFLORESCENCE PATTERNING IN RICE (<i>ORYZA SATIVA</i>)
Letizia Cornaro	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2016-2017	Identificazione di geni della famiglia SWEET espressi nella cariosside di frumento duro
Alessandro Gerli	SCIENZE DELLA PRODUZIONE E PROTEZIONE DELLE PIANTE (magistrale)	2016-2017	ANALISI DELLA VARIABILITA' GENETICA PER CARATTERI DEL CULMO IN ORZO (<i>HORDEUM VULGARE L.</i>): MAPPATURA DI ASSOCIAZIONE IN UNA COLLEZIONE DI GERMOPLASMA EUROPEO
Silvia Ribolzi	SCIENZE DELLA PRODUZIONE E PROTEZIONE DELLE PIANTE (magistrale)	2016-2017	COSTITUZIONE DI LINEE DI INTROGRESSIONE DA UN INCROCIO FRA <i>SOLANUM MELONGENA</i> E <i>SOLANUM INDICUM</i> E IDENTIFICAZIONE DI REGIONI GENOMICHE IMPLICATE NELL'ALTEZZA DELLA PIANTA E NEL COLORE DEL SOTTOCALICE
Simone Santinoli	Biotechnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (magistrale)	2016-2017	Analisi di espressione genica in risposta a deficit idrico in sorgo (<i>Sorghum bicolor</i>)
Sofia Annovazzi	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2016-2017	Sviluppo di un protocollo di fenotipizzazione digitale e analisi della variabilità genetica per caratteri del culmo in una collezione Europea di orzo (<i>Hordeum vulgare L.</i>)
Alessandro Vajani	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2017-2018	Analisi fenotipica di caratteri morfologici del culmo in una collezione di germoplasma europeo di orzo (<i>Hordeum vulgare L.</i>)
Irene Maria Fontana	Biotechnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (magistrale)	2017-2018	Analysis of the jasmonate pathway in barley (<i>Hordeum vulgare L.</i>) wild-type and unculme4 mutant plants
Annamaria Lodigiani	Biotechnologia (triennale)	2017-2018	ANALISI DELLA VARIABILITA' GENETICA PER CARATTERI MORFOLOGICI DEL CULMO IN UNA COLLEZIONE DI GERMOPLASMA DI ORZO MEDIANTE METODI DI IMAGE ANALYSIS
Lorena Carmagnola	Biotechnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (magistrale)	2017-2018	SVILUPPO DI MARCATORI MOLECOLARI PER L'INTROGRESSIONE DI GENI PI DI RESISTENZA AL BRUSONE DEL RISO MEDIANTE SELEZIONE ASSISTITA
Nicolas Pileggi	Biotechnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (magistrale)	2017-2018	Validation of a Molecular Marker co-segregating with the Stony-Hard flesh trait in peach [<i>Prunus persica (L. Batsch)</i>]
Nunzio Cicero	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2017-2018	Fenotipizzazione con image analysis e stima dell'ereditabilità di tratti morfologici del culmo in una collezione di germoplasma europeo di orzo (<i>Hordeum vulgare L.</i>)
Lorenzo Meola	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2017-2018	Valutazione dell'efficacia dei trattamenti anticrittogamici sul grano tenero per la difesa da malattie fungine
Stefano Tedeschi	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2017-2018	Comparazione di nuove cultivar di frumento tenero per un'informata scelta varietale
Luca Pettinari	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2018-2019	Analisi fenotipica di caratteri morfologici in una collezione di germoplasma di orzo (<i>Hordeum vulgare L.</i>)
Letizia Cornaro	Biotechnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (magistrale)	2018-2019	Development of molecular tools to describe in vivo auxin distribution in distantly related plants
Francesco Sorrentino	Biotechnologie vegetali, alimentari e agro-ambientali (magistrale)	2018-2019	Identificazione e caratterizzazione di linee ricombinanti ad un QTL di resistenza al sale in orzo (<i>Hordeum vulgare</i>)
Michele Pezzoni	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2018-2019	VALUTAZIONE AGRONOMICA DI IBRIDI SPERIMENTALI DI MAIS (<i>Zea mays L.</i>)
Laura Turchi	Plant Science (doppio titolo UNIMI - Grenoble, magistrale)	2019-2020	Impact of low light intensity on growth and biomass partitioning in a chickpea (<i>Cicer arietinum L.</i>) Recombinant Inbred Line population
Alessandro Vajani	SCIENZE DELLA PRODUZIONE E PROTEZIONE DELLE PIANTE (magistrale)	2019-2020	Screening for shoot architecture mutants in two barley (<i>Hordeum vulgare L.</i>) TILLING populations
Saul Pagnoni	Produzione e Protezione delle Piante e dei Sistemi del Verde (triennale)	2019-2020	STATO DELL'ARTE E PROSPETTIVE DI MIGLIORAMENTO PER CARATTERI DELL'APPARATO RADICALE DI MAIS (<i>Zea mays L.</i>)
Angela Canfarelli	Scienze e tecnologie agrarie (triennale)	2019-2020	Analisi genetica di un mutante breviaristatum di orzo (<i>Hordeum vulgare L.</i>)

SUPERVISIONE DI DOTTORANDI COME RELATORE DI TESI DI DOTTORATO - Università degli Studi di Milano

Nome dottorando	Ruolo di supervisione	Ciclo	Titolo tesi	Status
Francesca Barale*	Tutor	XIX	Costruzione di una mappa funzionale in pesco (<i>Prunus persica</i>)	Difesa Gennaio 2008
Serena Curiale*	Tutor	XXII	Functional characterization of factors regulating the barley homeobox gene <i>Bkn3</i>	Difesa Gennaio 2010
Agostino Fricano*	Tutor	XXIV	Constructing a panel of introgression lines of <i>T. urartu</i> ID388 in <i>T. monococcum</i> L118 as tool to identify QTLs for micronutrient content	Difesa Gennaio 2012
Elisa Biazzini*	Tutor	XXIV	Molecular and functional characterization of genes involved in saponin biosynthesis in <i>Medicago</i> spp.	Difesa Gennaio 2012
Nader El Badry*	Tutor	XXV	Association genetics approaches for the identification of genes associated to barley agronomic traits in a Mediterranean environment	Difesa Gennaio 2013
Ahmed Hussien*	Tutor	XXVI	Forward and reverse genetic approaches for characterization of tillering genes in cereals	Difesa Gennaio 2014
Gabriele Verderio*	Tutor	XXVII	Genetic dissection of developmental traits in barley (<i>Hordeum vulgare</i>)	Difesa Gennaio 2015
Gianluca Bretani♦	Tutor	XXXI	Characterization and dissection of natural genetic diversity for culm traits in Barley (<i>Hordeum vulgare</i>)	Difesa Febbraio 2019
Abhisek Biswas♦	Tutor	XXXIII		In corso
Roberta Rossi♦	Tutor	XXXV		In corso

*Dottorato in Biologia Vegetale e Produttività della Pianta Coltivata

♦Dottorato in Agricoltura, Ambiente e Bioenergia

ATTIVITÀ DI TUTORATO DEGLI STUDENTI DI CORSI DI LAUREA E DI LAUREA MAGISTRALE E DI TUTORATO DI DOTTORANDI DI RICERCA

(inserire anno accademico, corso laurea, ecc.)

Tutorato per i seguenti corsi di laurea - AA 2019-2020, 2020-2021:
- Corso di laurea triennale in PRODUZIONE E PROTEZIONE DELLE PIANTE E DEI SISTEMI DEL VERDE
- Corso di laurea magistrale in SCIENZE DELLA PRODUZIONE E PROTEZIONE DELLE PIANTE

SUPERVISIONE DI LAUREANDI COME CORRELATORE DI TESI DI LAUREA - Università degli Studi di Milano

Nome studente	Corso di Laurea	A.A.	Titolo tesi
Marcello Valdameri	Biotechnologie per l'Industria e per l'Ambiente (magistrale)	2009-2010	Mappatura di QTL per data di maturazione e pezzatura del frutto di pesco [<i>Prunus persica</i> (L.) Batsch]
Elena Audia	Biotechnologie del farmaco (magistrale)	2011-2012	Selezione della linea di <i>Nicotiana benthamiana</i> omozigote e monoinsersionale esprime la proteina ricombinante umana NGF

SUPERVISIONE DI DOTTORANDI COME CO-TUTOR DI TESI DI DOTTORATO - Università degli Studi di Milano

Nome dottorando	Ruolo di supervisione	Ciclo	Titolo tesi	Status
Michela Osnato*	Co-tutor	XIX	Caratterizzazione molecolare di putativi fattori regolatori di <i>Bkn3</i> , un gene omeobox di orzo coinvolto nell'attività meristemica	Difesa Aprile 2007
Igor Pacheco Cruz*	Co-tutor	XXIII	Brown rot resistance in peach: a genomics approach	Difesa Dicembre 2010
Cassia Da Silva*	Co-tutor	XXIV	Fruit weight in peach: assessing the genetic potential through phenotypic and genomic tools	Difesa Luglio 2012
Angelo Ciacciulli♦	Co-tutor	XXX	Genomics of peach fruit resistance to brown rot	Difesa gennaio 2018

*Dottorato in Biologia Vegetale e Produttività della Pianta Coltivata

♦Dottorato in Agricoltura, Ambiente e Bioenergia

SEMINARI

(inserire titolo del seminario, luogo, data, ecc.)

Genetics of barley shoot architecture - seminario su invito online, Max Planck Institute for Plant Breeding Research (MIPZ), Köln (Germania), 12/05/2021

Genetics of barley shoot architecture - seminario su invito online, Viikki Plant Science Centre (ViPS), University of Helsinki (Finlandia), 14/04/2021

Design of ideotypes: architecture, development and phenology, seminario su invito nell'ambito del corso BREEDING SMALL GRAIN CEREAL CROPS IN A CLIMATE CHANGE SCENARIO, presso International Centre for Advanced Mediterranean Agronomic Studies (CIHEAM), Mediterranean Agronomic Institute of Zaragoza (IAMZ) (Spagna), 19-23/02/2018

Genomic approaches for genetic dissection and improvement of fruit quality traits in peach, seminario su invito per il Winter Evolutionary Biology/Genetics Colloquium, Institut für Biochemie und Biologie, Universität Potsdam (Germania), 21/11/2016

Genomic approaches for genetic dissection and improvement of fruit quality traits in peach, Dottorato in Agricoltura, Ambiente e Bioenergia, Università degli Studi di Milano, 08/04/2016

Genomic approaches for dissection and improvement of fruit quality traits in peach - seminario su invito nel contesto di una visita su invito presso Department of Genetics and Biochemistry, Clemson University (USA), 20/11/2015

Genetics of tillering - seminario su invito presso Bayer Crop Science, Ghent (Belgio), 08/09/2014

Forward and reverse genetic approaches for characterization of tillering genes in cereals - seminario su invito, CRA, Fiorenzuola d'Arda (PC), 17/12/2012

Manipulation of Plant architecture: from domestication to modern breeding. Scuola di dottorato CIB Risorse genetiche e fisiologia per una produzione sostenibile in agricoltura, Lodi, 27/06/2008

Approcci di genomica comparativa per l'identificazione di geni candidati per il controllo dello sviluppo in orzo. Istituto Sperimentale per la Cerealicoltura, Fiorenzuola d'Arda (PC), 25/05/2005

Genomica, sintenia e genomica funzionale nei cereali. III Corso Estivo di Approfondimento sulla genetica Vegetale, Pacognano (NA), 22/06/2004

Il gene G2 di mais definisce una nuova famiglia di regolatori trascrizionali nelle piante superiori. Seminario su invito, Dipartimento di genetica e Biologia Molecolare, Università la Sapienza, Roma, 29/01/1999

Ruolo di Golden 2 nel differenziamento cellulare e fotosintetico della foglia di Z. mays - seminario su invito, Dipartimento di Genetica e Biologia dei Microrganismi, Università di Milano, 20/10/1997

Genetic basis of the evolution of herbicide tolerance in plants - seminario su invito, INRA, Versailles (Francia), 26/04/1996

Molecular analysis and mapping of two genes encoding maize glutathione S-transferases - seminario su invito, Dipartimento di Fisiologia Vegetale, Free University of Berlin (Germania), 21/11/1994

ULTERIORI ATTIVITA' DI DIDATTICA INTEGRATIVA

Esercitazioni
1993 -1995

Esercitazioni per il corso di Genetica, CdL in Scienze Naturali
Università degli Studi di Milano

AA 2000-01	Esercitazioni per il corso di Genetica, CdL quinquennale in Biotecnologie Università degli Studi di Milano
Lezioni 1997	Lezioni individuali (tutorials) in Genetica e Biologia Molecolare studenti laureandi in Scienze Biologiche University of Oxford (UK)
20 Set 2002	Titolo: Produzione di piante transgeniche nell'ambito del Corso FSE di Formazione per Insegnanti di Scuola Media Superiore Biotecnologie applicate al settore agro-alimentare, Lodi.

ULTERIORI ATTIVITA' NELL'AMBITO DI DOTTORATI DI RICERCA

Dottorato in Biologia Vegetale e Produttività della Pianta Coltivata, Università degli Studi di Milano

- Dal 2003, Membro collegio docenti
- Membro della commissione per l'ammissione alla Scuola di dottorato in Scienze molecolari e biotecnologie agrarie, alimentari ed ambientali, XVII ciclo.

Dottorato in Agricoltura, Ambiente e Bioenergia, Università degli Studi di Milano

- Dal 2013, Membro del collegio docenti
- Dal 2015, Membro della giunta del dottorato
- Membro della commissione per l'ammissione al Dottorato in Agricoltura, Ambiente e Bioenergia, XXX ciclo
- Ospite di numerosi seminari
- Ospite dei seguenti Visiting Professors
 - Prof. José F. Gutierrez-Marcos, University of Warwick, UK, docente del corso "Novel strategies to accelerate crop improvement". January 28 - February 13, 2020
 - Dr. Davide Bulgarelli, University of Dundee, UK, docente della Summer School "Insights on the plant biosystem: enemies, friends or just biomes", June 14-25, 2021

Membro della commissione di valutazione finale dei seguenti dottorati:

- Università degli Studi della Tuscia - Dottorato di Ricerca in Ortoflorofruitticoltura (Luglio 2015)
- Università degli Studi di Milano - Dottorato in Biologia Vegetale e Produttività della Pianta Coltivata (Dicembre 2015)
- Università degli Studi di Sassari - Scuola di dottorato di ricerca in Scienze e Biotecnologie dei sistemi agrari e forestali e delle produzioni alimentari - Indirizzo in Produttività delle piante coltivate (Febbraio 2016)
- Membro della commissione finale di Dottorato, Università di Potsdam, Germania (Novembre 2016)

ATTIVITA' DI INTERNAZIONALIZZAZIONE DELLA DIDATTICA

Laura Rossini è stata promotrice insieme al Prof. Bassi dell'entrata di UNIMI nel progetto di mobilità internazionale **Erasmus Mundus BRAVE**, un consorzio EU-India sul tema "Plant Virology in the new era Breeding for resistance" che coinvolge la mobilità e la formazione di studenti e giovani ricercatori a vari livelli di formazione provenienti da Università Indiane presso laboratori Europei. Laura Rossini ha supervisionato l'attività di ricerca di Avinalappa Hotti, un visiting PhD student Indiano, per un periodo di 15 mesi.

Laura Rossini è stata inoltre responsabile per UNIMI di un accordo bilaterale **Erasmus Lifelong Learning Programme con Sabanci University, Turchia (AA 2009-2010)**.

ATTIVITÀ DI RICERCA SCIENTIFICA

INDICATORI BIBLIOMETRICI

ORCID ID: <https://orcid.org/0000-0001-6509-9177>

Scopus Author ID: 7006215658,

h index 27, n. totale citazioni 2488 (10 LUGLIO 2021)

Web of Science ResearcherID: J-7873-2012,

h index 27, n. totale citazioni 2330 (10 LUGLIO 2021)

<https://publons.com/researcher/1310491/laura-rossini/>

ResearchGate

h index 29, n. totale citazioni 3099 (10 LUGLIO 2021)

<https://www.researchgate.net/profile/Laura-Rossini>

PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE (ELENCO COMPLETO)

L'Impact Factor (IF) è riferito all'anno di pubblicazione; per le pubblicazioni dell'anno 2021 l'IF è riferito all'anno 2020 (Clarivate - Journal Citation Reports database).

Il numero di citazioni è stato rilevato il 10/07/2021.

Pubblicazioni "presentate".

ARTICOLI SU RIVISTE INTERNAZIONALI CON IF COME PRIMO, ULTIMO O CORRESPONDING AUTHOR*

1. Cirilli M*, Rossini L* (2021) Many candidates for a single chair: a critical review of the genetic determinant of flat fruit shape trait in peach (*Prunus persica* L. Batsch). *Tree Genetics & Genomes* 17: 34 <https://doi.org/10.1007/s11295-021-01515-w>
Citazioni WOS: 0, Citazioni Scopus: 0
Impact Factor: 2.297
Codice WOS: 000663499500001, Codice SCOPUS: 85108236694
2. Mohammadi Aghdam S, Abdollahi Mandoulakani B, Rossini L*, Janiak A, Shaaf S (2021) Identification of novel plant architecture mutants in barley. *Cereal Research Communications* <https://doi.org/10.1007/s42976-021-00178-6> Published online ahead of print May 27, 2021
Citazioni WOS: 0, Citazioni Scopus: 0
Impact Factor: 0.850
Codice WOS: 000655549200001, Codice SCOPUS: 85106728705
3. Cirilli M, Gattolin S, Chiozzotto R, Baccichet I, Pascal T, Quilot-Turion B, Rossini L*, Bassi D* (2021) The Di2/pet variant in *PETALOSA* gene underlies a major heat requirement-related QTL for blooming date in peach (*P. persica* L. Batsch). *Plant and Cell Physiology* 62:356-365 <https://doi.org/10.1093/pcp/pcaa166>
Citazioni WOS: 0, Citazioni Scopus: 0
Impact Factor: 4.927
Codice WOS: 000653014800015, Codice SCOPUS: 85106539400
4. Cirilli M, Micali S, Aranzana MJ, Arus P, Babini A, Barreneche T, Bink MCAM, Cantin CM, Ciacciulli A, Cos-Terrer J, Drogoudi P, Eduardo I, Foschi S, Giovannini D, Guerra W, Liverani A, Pacheco I, Pascal T, Quilot-Turion B, Verde I, Rossini L*, Bassi D* (2020) The multi-site PeachRefPop collection: a true cultural heritage and international scientific tool for fruit trees. *Plant Physiology* 184:632-646 <https://doi.org/10.1104/pp.19.01412>
Citazioni WOS: 1, Citazioni Scopus: 0
Impact Factor: 8.340
Codice WOS: 000585831600019, Codice SCOPUS: 85092680888
5. Gattolin S*, Cirilli M, Chessa S, Stella A, Bassi D, Rossini L* (2020) Mutations in orthologous *PETALOSA* TOE-type genes cause dominant double-flower phenotype in phylogenetically distant eudicots. *Journal of Experimental Botany* 71:2585-2595 <https://doi.org/10.1093/jxb/eraa032>
Citazioni WOS: 6, Citazioni Scopus: 5
Impact Factor: 6.992
Codice WOS: 000546003200013, Codice SCOPUS: 85092680888

6. Shaaf S, Bretani G, Biswas A, Fontana IM, Rossini L* (2019) Genetics of barley tiller and leaf development. **Journal of Integrative Plant Biology** 61:226-256 <https://doi.org/10.1111/jipb.12757>
Citazioni WOS: 8, Citazioni Scopus: 8
Impact Factor: 4.885
Codice WOS: 000461912400003, Codice SCOPUS: 85061919673
7. Ciacciulli A, Cirilli M, Chiozzotto R, Attanasio G, Da Silva Linge C, Pacheco I, Rossini L*, Bassi D* (2018) Linkage and association mapping for the slow softening (SWS) trait in peach (*P. persica* L. Batsch) fruit. **Tree Genetics and Genomes** 14 (6):93 <https://doi.org/10.1007/s11295-018-1305-6>
Citazioni WOS: 4, Citazioni Scopus: 5
Impact Factor: 1.862
Codice WOS: 000451730200002, Codice SCOPUS: 85057840662
8. Gattolin S, Cirilli M, Pacheco I, Ciacciulli A, da Silva Linge C, Mauroux JB, Lambert P, Cammarata E, Bassi D, Pascal T, Rossini L.* (2018) Deletion of the miR172 target site in a TOE-type gene is a strong candidate variant for dominant double-flower trait in Rosaceae. **The Plant Journal** 96(2): 358-371. <https://doi.org/10.1111/tpj.14036>
Citazioni WOS: 13, Citazioni Scopus: 11
Impact Factor: 5.726
Codice WOS: 000446672300011, Codice SCOPUS: 85053464592
9. Biscarini F, Nazzicari N, Bink M, Arús P, Aranzana MJ, Verde I, Micali S, Pascal T, Quilot-Turion B, Lambert P, da Silva Linge C, Pacheco I, Bassi D, Stella A, Rossini L* (2017) Genome-enabled predictions for fruit weight and quality from repeated records in European peach progenies. **BMC Genomics** 18(1):432. doi: 10.1186/s12864-017-3781-8. PMID:28583089
Citazioni WOS: 17, Citazioni Scopus: 16
Impact Factor: 3.730
Codice WOS: 000404080200001, Codice SCOPUS: 85020220682
10. Maschietto V, Colombi C, Pirona R, Pea G, Strozzi F, Marocco A, Rossini L*, Lanubile A* (2017) QTL mapping and candidate genes for resistance to Fusarium ear rot and fumonisin contamination in maize. **BMC Plant Biology**. 2017 Jan 21;17(1):20 DOI: 10.1186/s12870-017-0970-1
Citazioni WOS: 47, Citazioni Scopus: 49
Impact Factor: 3.930
Codice WOS:000393340000001, Codice SCOPUS: 85009971802
11. Digel B, Tavakol E, Verderio G, Tondelli A, Xu X, Cattivelli L, Rossini L*, von Korff M* (2016) Photoperiod-H1 (Ppd-H1) Controls Leaf Size. **Plant Physiology** 172(1):405-15 DOI: 10.1104/pp.16.00977
Citazioni WOS: 37, Citazioni Scopus: 38
Impact Factor: 6.456
Codice WOS:000388451900030, Codice SCOPUS: 84984919498
12. Tavakol E, Elbadry N, Tondelli A, Cattivelli L, Rossini L* (2016) Genetic dissection of heading date and yield under Mediterranean dry climate in barley (*Hordeum vulgare* L.). **Euphytica** 212(2): 343-53 DOI: 10.1007/s10681-016-1785-0
Citazioni WOS: 7, Citazioni Scopus: 8
Impact Factor: 1.626
Codice WOS: 000388170500015, Codice SCOPUS: 84990998512
13. Tavakol E, Okagaki R, Verderio G, Shariati V, Hussien A, Bilgic H, Scanlon MJ, Todt NR, Close TJ, Druka A, Waugh R, Steuernagel B, Ariyadasa R, Himmelbach A, Stein N, Muehlbauer GJ*, Rossini L* (2015) The barley *Uculme4* gene encodes a BLADE-ON-PETIOLE-like protein that controls tillering and leaf patterning. **Plant Physiology** 168: 164-174 DOI: 10.1104/pp.114.252882
Citazioni WOS: 50, Citazioni Scopus: 50
Impact Factor: 6.280
Codice WOS: 000356967800014, Codice SCOPUS: 84929472043
14. Da Silva Linge C, Bassi D, Bianco L, Pacheco I, Pirona R, Rossini L (2015) Genetic dissection of fruit weight and size in an F2 peach (*Prunus persica* (L.) Batsch) progeny. **Molecular Breeding** 35:71 DOI 10.1007/s11032-015-0271-z
Citazioni WOS: 19, Citazioni Scopus: 29

Impact Factor: 2.108

Codice WOS: 000349765300015, Codice SCOPUS: 84922439391

15. Capra E, Colombi C, De Poli P, Nocito FF, Cocucci M, Vecchietti A, Marocco A, Stile MR, Rossini L (2015) Protein profiling and tps23 induction in different maize lines in response to methyl jasmonate treatment and *Diabrotica virgifera virgifera* infestation. **Journal of Plant Physiology** 175: 68-77 doi:10.1016/j.jplph.2014.10.018
Citazioni WOS: 5, Citazioni Scopus: 5
Impact Factor: 2.971
Codice WOS: 000352150100009, Codice SCOPUS: 84949135843
16. Vendramin E, Pea G, Dondini L, Pacheco I, Dettori MT, Gazza L, Scalabrin S, Strozzi F, Tartarini S, Bassi D, Verde I*, Rossini L* (2014) A Unique Mutation in a MYB Gene Cosegregates with the Nectarine Phenotype in Peach. **PLoS One** 3;9(3):e90574. doi: 10.1371/journal.pone.0090574
Citazioni WOS: 51, Citazioni Scopus: 60, **RECOMMENDED BY FACULTY OF 1000**
Impact Factor: 3.234
Codice WOS: 000332468900118, Codice SCOPUS: 84896928165
17. Hussien A, Tavakol E, Horner DS, Muñoz-Amatriaín M, Muehlbauer GJ, Rossini L (2014) Genetics of tillering in rice and barley. **Plant Genome**, vol 7, n 1 doi: 10.3835/plantgenome2013.10.0032
Citazioni WOS: 41, Citazioni Scopus: 46
Impact Factor: 3.933
Codice WOS: 000338833800006, Codice SCOPUS: 84897440870
18. Pirona R, Eduardo I, Pacheco I, Da Silva Linge C, Miculan M, Verde I, Tartarini S, Dondini L, Pea G, Bassi D, Rossini L* (2013) Fine mapping and identification of a candidate gene for a major locus controlling maturity date in peach. **BMC Plant Biology** 13:166. DOI: 10.1186/1471-2229-13-166
Citazioni WOS: 65, Citazioni Scopus: 71
Impact Factor: 3.942
Codice WOS: 000326220600001, Codice SCOPUS: 84886875234
19. Eduardo I, Chietera G, Pirona R, Pacheco Cruz IA, Troglio M, Banchi E, Bassi D, Rossini L*, Vecchietti A, Pozzi C (2013) Genetic dissection of aroma volatile compounds from the essential oil of peach fruit: QTL analysis and identification of candidate genes using dense SNP maps. **Tree Genetics and Genomes**, 9: 189-204 DOI: 10.1007/s11295-012-0546-z
Citazioni WOS: 68, Citazioni Scopus: 70 **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**
Impact Factor: 2.435
Codice WOS: 000313816600016, Codice SCOPUS: 84872664055
20. Eduardo I, Pacheco I, Chietera G, Bassi D, Pozzi C, Vecchietti A, Rossini L* (2011) QTL analysis of fruit quality traits in two peach intraspecific populations and importance of maturity date pleiotropic effect. **Tree Genetics and Genomes**, 7: 323-335. doi: 10.1007/s11295-010-0334-6
Citazioni WOS: 93, Citazioni Scopus: 101 **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**
Impact Factor: 2.335
Codice WOS: 000288656800009, Codice SCOPUS: 79952990829
21. Osnato M, Stile MR, Wang Y, Meynard D, Curiale S, Guiderdoni E, Liu Y, Horner DS, Ouwerkerk PBF, Pozzi C, Müller KJ, Salamini F, Rossini L* (2010) Cross-Talk between the KNOX and Ethylene Pathway Is Mediated by Intron-Binding Transcription Factors in Barley. **Plant Physiology** 154: 1616-1632. doi: 10.1104/pp.110.161984
Citazioni WOS: 37, Citazioni Scopus: 42, **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**
Impact Factor: 6.451
Codice WOS: 000284834000004 Codice SCOPUS: 78649770926
22. Rossini L, Vecchietti A, Nicoloso L, Stein N, Franzago S, Salamini F, Pozzi C (2006) Candidate genes for barley mutants involved in plant architecture: an in silico approach. **Theoretical and Applied Genetics** 112: 1073-1085. doi: 10.1007/s00122-006-0209-2
Citazioni WOS: 32, Citazioni Scopus: 30, **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**
Impact Factor: 2.715
Codice WOS: 000236486600008, Codice SCOPUS: 33645384688

23. Rossini L, Cribb L, Martin DJ, Langdale JA (2001) The maize Golden2 gene defines a novel class of transcriptional regulators in plants. **Plant Cell** 13: 1231-1244. DOI: 10.1105/tpc.13.5.1231
Citazioni WOS: 101, Citazioni Scopus: 104
Impact Factor: 11.081
Codice WOS: 000169030000020, Codice SCOPUS: 0035020232
24. Rossini L, Frova C, Pè ME, Mizzi L, Sari Gorla M (1998) Alachlor regulation of maize glutathione S-transferase genes. **Pesticide Biochemistry and Physiology**, 60: 205-211. DOI: 10.1006/pest.1998.2338
Citazioni WOS: 9, Citazioni Scopus: 8
Impact Factor: 0.777
Codice WOS: 000075429900007, Codice SCOPUS: 0032147151
25. Rossini L, Jepson I, Greenland AJ, Sari Gorla M (1996) Characterization of glutathione S-transferase isoforms in three maize inbred lines exhibiting differential sensitivity to alachlor. **Plant Physiology** 112: 1595-1600. ISSN: 00320889
Citazioni WOS: 28, Citazioni Scopus: 26
Impact Factor: 5.634
Codice WOS: A1996VY30400023, Codice SCOPUS: 0030452612
26. Rossini L, Pè ME, Frova C, Hein K, Sari Gorla M (1995) Molecular analysis and mapping of two genes encoding maize glutathione-S-transferases (GST I and GST II). **Molecular and General Genetics** 248: 535-539. DOI: 10.1007/bf02423448
Citazioni WOS: 10, Citazioni Scopus: 9
Impact Factor: 2.727
Codice WOS: A1995RZ16000004, Codice SCOPUS: 0028789074
27. Sari Gorla M, Pè ME, Rossini L (1994) Detection of QTLs controlling pollen germination and growth in maize. **Heredity** 72: 332-335. DOI: 10.1038/hdy.1994.49
Citazioni WOS: 14, Citazioni Scopus: 12
Impact Factor: 1.986
Codice WOS: A1994NF70800002, Codice SCOPUS: 0028150507

ARTICOLI SU RIVISTE INTERNAZIONALI CON IF COME COAUTORE

28. Khahani B, Tavakol E, Shariati V, Rossini L (2021) Meta-QTL and ortho-MQTL analyses identified genomic regions controlling rice yield, yield-related traits and root architecture under water deficit conditions. **Scientific reports**, 11(1), 1-18. DOI: 10.1038/S41598-021-86259-2
Citazioni WOS: 0, Citazioni Scopus: 0
Impact Factor: 4.379
Codice WOS: 000635702100025, Codice SCOPUS: 85103369708
29. Bretani G, Rossini L, Ferrandi C, Russell J, Waugh R, Kilian B, Bagnaresi P, Cattivelli L, Fricano A (2020) Segmental duplications are hot spots of copy number variants affecting barley gene content. **The Plant Journal** 103 (3), 1073-1088 <https://doi.org/10.1111/tpj.14784>
Citazioni WOS: 1, Citazioni Scopus: 1
Impact Factor: 6.417
Codice WOS: 000533146300001, Codice SCOPUS: 85084992429
30. Hennet L, Berger A, Trabanco N, Ricciuti E, Dufayard JF, Bocs S, Bastianelli D, Bonnal L, Roques S, Rossini L, Luquet D (2020) Transcriptional Regulation of Sorghum Stem Composition: Key Players Identified Through Co-expression Gene Network and Comparative Genomics Analyses. **Frontiers in Plant Science** 11: 224 DOI: 10.3389/FPLS.2020.00224
Citazioni WOS: 1, Citazioni Scopus: 1
Impact Factor: 5.753
Codice WOS: 000524767300001, Codice SCOPUS: 85082690276
31. Pont C, Leroy T, Seidel M, Tondelli A, Duchemin W, Armisen D, Lang D, Bustos-Korts D, Goué N, Balfourier F, Molnár-Láng M, Lage J, Kilian B, Özkan H, Waite D, Dyer S, Letellier T, Alaux M, Wheat and Barley Legacy for Breeding Improvement (WHEALBI) consortium, Russell J, Keller B, van Eeuwijk F, Spannagl M, Mayer KFX, Waugh R, Stein N, Cattivelli L, Haberer G, Charmet G & Salse J (2019) Tracing the

ancestry of modern bread wheats. *Nature Genetics* 51:905-911 <https://doi.org/pros.lib.unimi.it/10.1038/s41588-019-0393-z>

Citazioni WOS: 55, Citazioni Scopus: 55

Impact Factor: 27.605

Codice WOS: 000466842000018, Codice SCOPUS: 85065201230

32. Bustos-Korts D, Dawson IK, Russell J, Tondelli A, Guerra D, Ferrandi C, Strozzi F, Nicolazzi EL, Molnar-Lang M, Ozkan H, Megyeri M, Miko P, Çakır E, Yakışır E, Trabanco N, Delbono S, Kyriakidis S, Booth A, Cammarano D, Mascher M, Werner P, Cattivelli L, Rossini L, Stein N, Kilian B, Waugh R, van Eeuwijk FA (2019) Exome sequences and multi-environment field trials elucidate the genetic basis of adaptation in barley. *The Plant Journal* 99:1172-1191 <https://doi.org/10.1111/tbj.14414>

Citazioni WOS: 12, Citazioni Scopus: 12

Impact Factor: 6.141

Codice WOS: 000485980600011, Codice SCOPUS: 85068166568

33. da Silva Linge C, Antanaviciute L, Abdelghafar A, Arus P, Bassi D, Rossini L, et al. (2018) High-density multi-population consensus genetic linkage map for peach. *PLoS ONE* 13(11):e0207724. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0207724>

Citazioni WOS: 9, Citazioni Scopus: 11

Impact Factor: 2.776

Codice WOS: 000451054800079, Codice SCOPUS: 85056984963

34. Cirilli M, Giovannini D, Ciacciulli A, Chiozzotto R, Gattolin S, Rossini L, Liverani A, Bassi D (2018) Integrative genomics approaches validate PpYUC11-like as candidate gene for the stony hard trait in peach (*P. persica* L. Batsch). *BMC plant biology*. 2018 Dec;18(1):88. DOI: 10.1186/S12870-018-1293-6

Citazioni WOS: 8, Citazioni Scopus: 8

Impact Factor: 3.670

Codice WOS: 000433146200001, Codice SCOPUS: 85047091702

35. Laurens F, Aranzana MJ, Arus P, Bassi D, Bink M, Bonany J, Caprera A, Corelli-Grappadelli L, Costes E, Durel CE, Mauroux JB, Muranty H, Nazzicari N, Pascal T, Patocchi A, Peil AL, Quilot-Turion B, Rossini L, Stella A, Troggio M, Velasco R, Van De Weg E (2018) An integrated approach for increasing breeding efficiency in apple and peach in Europe. *Horticulture Research* 5:11 DOI 10.1038/s41438-018-0016-3

Citazioni WOS: 32, Citazioni Scopus: 36

Impact Factor: 3.640

Codice WOS: 000427835600003, Codice SCOPUS: 85043261783

36. Cirilli M, Flati T, Gioiosa S, Tagliaferri I, Ciacciulli A, Gao Z, Gattolin S, Geuna F, Maggi F, Bottoni P, Rossini L, Bassi D, Castrignanò T, Chillemi G (2017) PeachVar-DB: a curated collection of genetic variations for the interactive analysis of peach genome data. *Plant and Cell Physiology* 59(1): e2 DOI: 10.1093/pcp/pcx183

Citazioni WOS: 7, Citazioni Scopus: 5

Impact Factor: 4.059

Codice WOS: 000423660600002, Codice SCOPUS: 85051314223

37. Confalonieri R, Paleari L, Foi M, Movedi E, Vesely FM, Thielke W, ... & Rossini L (2017). PocketPlant3D: Analysing canopy structure using a smartphone. *Biosystems Engineering*, 164:1-12. DOI: 10.1016/J.BIOSYSTEMSENG.2017.09.014

Citazioni WOS: 9, Citazioni Scopus: 8

Impact Factor: 2.132

Codice WOS: 000418967600001, Codice SCOPUS: 85032855617

38. Cirilli M, Rossini L, Geuna F, Palmisano F, Minafra A, Castrignanò T, Gattolin S, Ciacciulli A, Babini AR, Liverani A, Bassi D. Genetic dissection of Sharka disease tolerance in peach (*P. persica* L. Batsch). *BMC Plant Biology* 2017 Nov 3;17(1):192. doi: 10.1186/s12870-017-1117-0.

Citazioni WOS: 8, Citazioni Scopus: 9

Impact Factor: 3.930

Codice WOS: 000414531400001, Codice SCOPUS: 85032729286

39. Hernández Mora JR, Micheletti D, Bink M, Van de Weg E, Cantín C, Nazzicari N, Caprera A, Dettori MT, Micali S, Banchi E, Campoy JA, Dirlwanger E, Lambert P, Pascal T, Troggio M, Bassi D, Rossini L, Verde

I, Quilot-Turion B, Laurens F, Arús P, Aranzana MJ (2017) Integrated QTL detection for key breeding traits in multiple peach progenies. **BMC Genomics** 18(1):404. doi: 10.1186/s12864-017-3783-6.
Citazioni WOS: 39, Citazioni Scopus: 40
Impact Factor: 3.730
Codice WOS: 000404079900001, Codice SCOPUS: 85020183673

40. Verde I, Jenkins J, Dondini L, Micali S, Pagliarani G, Vendramin E, Paris R, Aramini V, Gazza L, Rossini L, Bassi D, Troglio M, Shengqiang S, Grimwood J, Tartarini S, Dettori MT, Schmutz J (2017) The Peach v2. 0 release: high-resolution linkage mapping and deep resequencing improve chromosome-scale assembly and contiguity. **BMC Genomics** 2017 Mar 11;18(1):225 DOI: 10.1186/s12864-017-3606-9
Citazioni WOS: 131, Citazioni Scopus: 143
Impact Factor: 3.730
Codice WOS:000396757800001, Codice SCOPUS: 85014960672
41. Lambert P, Campoy JA, Pacheco I, Maurox JB, Linge CD, Micheletti D, Bassi D, Rossini L, Dirlwanger E, Pascal T, Troglio M (2016) Identifying SNP markers tightly associated with six major genes in peach [*Prunus persica* (L.) Batsch] using a high-density SNP array with an objective of marker-assisted selection (MAS). **Tree Genetics & Genomes** 2016 Dec 1;12(6):121 DOI: 10.1007/s11295-016-1080-1
Citazioni WOS: 16, Citazioni Scopus:18
Impact Factor: 1.624
Codice WOS:000397238800021, Codice SCOPUS: 84996868137
42. Poursarebani N, Seidensticker T, Koppolu R, Trautewig C, Gawroński P, Bini F, Govind G, Rutten T, Sakuma S, Tagiri A, Wolde GM, Youssef HM, Battal A, Ciannamea S, Fusca T, Youssef HM, Nussbaumer T, Pozzi C, Börner A, Lundqvist U, Komatsuda T, Salvi S, Tuberosa R, Uauy C, Sreenivasulu N, Rossini L, Schnurbusch T (2015). The Genetic Basis of Composite Spike Form in Barley and "Miracle-Wheat". **Genetics** 201(1):155-65 DOI: 10.1534/genetics.115.176628
Citazioni WOS: 56, Citazioni Scopus: 56
Impact Factor: 4.644
Codice WOS: 000361206400013, Codice SCOPUS: 84941206756
43. Micheletti D, Dettori MT, Micali S, Aramini V, Pacheco I, Da Silva Linge C, Foschi S, Banchi E, Barreneche T, Quilot-Turion B, Lambert P, Pascal T, Iglesias I, Carbó J, Wang LR, Ma RJ, Li XW, Gao ZS, Nazzicari N, Troglio M, Bassi D, Rossini L, Verde I, Laurens F, Arús P, Aranzana MJ (2015) Whole-Genome Analysis of Diversity and SNP-Major Gene Association in Peach Germplasm. **PLoS One** Sep 9;10(9):e0136803. doi: 10.1371/journal.pone.0136803.
Citazioni WOS: 52, Citazioni Scopus: 57
Impact Factor: 3.057
Codice WOS: 000360932800049, Codice SCOPUS: 84944753710
44. Kuijt SJ, Greco R, Agalou A, Shao J, 't Hoen CC, Overnäs E, Osnato M, Curiale S, Meynard D, van Gulik R, de Faria Maraschin S, Atallah M, de Kam RJ, Lamers GE, Guiderdoni E, Rossini L, Meijer AH, Ouwerkerk PB (2014) Interaction between the GRF and KNOX families of transcription factors. **Plant Physiology** 164(4):1952-66 DOI:10.1104/pp.113.222836
Citazioni WOS: 73, Citazioni Scopus: 81 **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**
Impact Factor: 6.841
Codice WOS: 000334342800034, Codice SCOPUS: 84898760007
45. Pacheco I, Bassi D, Eduardo I, Ciacciulli A, Pirona R, Rossini L, Vecchietti A (2014) QTL mapping for brown rot (*Monilinia fructigena*) resistance in an intra-specific peach (*Prunus persica* L. Batsch) F1 progeny. **Tree Genetics and Genomes**, 10:1223-1242 DOI 10.1007/s11295-014-0756-7
Citazioni WOS: 31, Citazioni Scopus: 33
Impact Factor: 2.451
Codice WOS: 000342229000011, Codice SCOPUS: 84927710237
46. Tavakol E, Sardaro ML, Shariati J V, Rossini L, Porceddu E (2014) Isolation, promoter analysis and expression profile of Dreb2 in response to drought stress in wheat ancestors. **Gene** 2014 Oct 1; 549(1):24-32. doi: 10.1016/j.gene.2014.07.020.
Citazioni WOS: 21, Citazioni Scopus: 21
Impact Factor: 2.138
Codice WOS: 000341471700003, Codice SCOPUS: 84905747305

47. Fricano A, Brandolini A, Rossini L, Sourdille P, Wunder J, Effgen S, Hidalgo A, Erba D, Piffanelli P, Salamini F (2014) Crossability of *Triticum urartu* and *Triticum monococcum* wheats, homoeologous recombination and description of a panel of interspecific introgression lines. *G3 (Bethesda)*. Aug 21;4(10):1931-41 doi:10.1534/g3.114.013623
Citazioni WOS: 10, Citazioni Scopus: 13
Impact Factor: 3.198
Codice WOS: 000343928700013, Codice SCOPUS: 84908394269
48. Pirona R, Vecchietti A, Lazzari B, Caprera A, Malinverni R, Consolandi C, Severgnini M, De Bellis G, Chietera G, Rossini L, Pozzi C (2013a) Expression profiling of genes involved in the formation of aroma in two peach genotypes. *Plant Biology*, 15: 443-51 DOI: 10.1111/j.1438-8677.2012.00666.x
Citazioni WOS: 10, Citazioni Scopus: 8
Impact Factor: 2.405
Codice WOS: 000317602900004, Codice SCOPUS: 84876071678
49. International Peach Genome Initiative, Verde I, Abbott AG, Scalabrin S, Jung S, Shu S, Marroni F, Zhebentyayeva T, Dettori MT, Grimwood J, Cattonaro F, Zuccolo A, Rossini L, Jenkins J, Vendramin E, Meisel L,A, Decroocq V, Sosinski B, Prochnik S, Mitros T, Policriti A, Cipriani G, Dondini L, Ficklin S, Goodstein DM, Xuan P, Del Fabbro C, Aramini V, Copetti D, Gonzalez S, Horner DS, Falchi R, Lucas S, Mica E, Maldonado J, Lazzari B, Bielenberg D, Pirona R, Miculan M, Barakat A, Testolin R, Stella A, Tartarini S, Tonutti P, Arús P, Orellana A, Wells C, Main D, Vizzotto G, Silva H, Salamini F, Schmutz J, Morgante M, Rokhsar DS (2013) The high-quality draft genome of peach (*Prunus persica*) identifies unique patterns of genetic diversity, domestication and genome evolution. *Nature Genetics*, 45: 487-94 doi:10.1038/ng.2586
Citazioni WOS: 629, Citazioni Scopus: 673 **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**
Impact Factor: 29.648
Codice WOS: 000318158200009, Codice SCOPUS: 84878553926
50. Feuillet C, Stein N, Rossini L, Praud S, Mayer K, Schulman A, Eversole K, Appels R (2012) Integrating cereal genomics to support innovation in the Triticeae. *Functional & Integrative Genomics*, 12:573-583, DOI 10.1007/s10142-012-0300-5
Citazioni WOS: 33, Citazioni Scopus: 37
Impact Factor: 3.292
Codice WOS: 000311781700001, Codice SCOPUS: 84877057588
51. Illa E, Eduardo I, Audergon JM, Barale F, Dirlewanger E, Li X, Moing A, Lambert P, Le Dantec L, Gao Z, Poëssel JL, Pozzi C, Rossini L, Vecchietti A, Arús P, Howad W. (2011) Saturating the *Prunus* (stone fruits) genome with candidate genes for fruit quality. *Molecular Breeding* 28: 667-682. doi: 10.1007/s11032-010-9518-x
Citazioni WOS: 50, Citazioni Scopus: 49 **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**
Impact Factor: 2.852
Codice WOS: 000297173800022, Codice SCOPUS: 81255142662
52. Eduardo I, Chietera G, Bassi D, Rossini L, Vecchietti A. (2010) Identification of key odor volatile compounds in the essential oil of nine peach accessions. *J Sci Food Agric* 90: 1146-1154. doi: 10.1002/jsfa.3932
Citazioni WOS: 63, Citazioni Scopus: 64
Impact Factor: 1.360
Codice WOS: 000277339400007, Codice SCOPUS: 77951072180
53. Fricano A, Rizza F, Faccioli P, Pagani D, Pavan P, Stella A, Rossini L, Piffanelli P, Cattivelli L. (2009) Genetic Variants of *HvCbf14* are Statistically Associated with Frost Tolerance in a European Germplasm Collection of *Hordeum vulgare*. *Theoretical and Applied Genetics* 119: 1335-48. doi: 10.1007/s00122-009-1138-7
Citazioni WOS: 41, Citazioni Scopus: 41, **VALUTAZIONE VQR = 1 (eccellente)**
Impact Factor: 3.363
Codice WOS: 000271029300017 Codice SCOPUS: 73449146698
54. Roig C, Pozzi C, Santi L, Müller J, Wang Y, Stile M R, Rossini L, Stanca M, Salamini F (2004) Genetics of barley Hooded suppression. *Genetics* 167: 439-448. DOI: 10.1534/genetics.167.1.439

Citazioni WOS: 18, Citazioni Scopus: 19
Impact Factor: 4.138
Codice WOS: 000221851100036, Codice SCOPUS: 2942558830

55. Pozzi C, Rossini L, Agosti F (2001) Patterns and symmetries in leaf development. *Seminars in Cell and Developmental Biology* 12: 363-372. DOI: 10.1006/scdb.2001.0265
Citazioni WOS: 12, Citazioni Scopus: 12
Impact Factor: 5.537
Codice WOS: 000171115800005, Codice SCOPUS: 0039741733
56. Hall L, Rossini L, Cribb L, Langdale J (1998) GOLDEN2, a novel transcriptional regulator of cellular differentiation in the maize leaf. *Plant Cell*, 10: 925-936. DOI: 10.1105/tpc.10.6.925
Citazioni WOS: 100, Citazioni Scopus: 101
Impact Factor: 11.757
Codice WOS: 000074567500006, Codice SCOPUS: 0032100902
57. Sari Gorla M, Ferrario S, Rossini L, Frova C, Villa M (1993) Developmental expression of glutathione-S-transferase in maize and its possible connection with herbicide tolerance. *Euphytica* 67: 221-230. DOI: 10.1007/BF00040624
Impact Factor: 0.705
Citazioni WOS: 34, Citazioni Scopus: 41
Codice WOS: A1993LU01800007, Codice SCOPUS: 0001597572

PUBBLICAZIONI SU RIVISTE INTERNAZIONALI SENZA IF

58. Caruso M, Las Casas G, Scaglione D, Gattolin S, Rossini L, Distefano G, Cattonaro F, Catara A, Licciardello G, Morgante M, Licciardello C (2019) Detection of natural and induced mutations from next generation sequencing data in sweet orange bud sports. *Acta Horticulturae* 1230:117-122
DOI: 10.17660/ActaHortic.2019.1230.15
Citazioni Scopus: 1
Codice SCOPUS: 85061145458
59. Aranzana MJ, Hernández Mora JR, Micheletti D, Micali S, Nazzicari N, Pacheco I, Foschi S, Barreneche T, Quilot-Turion B, Wang L, Ma R, Li X, Iglesias I, Carbó J, Troglio M, Banchi E, Aramini V, Dettori MT, Caprera A, da Silva Linge C, Pascal T, Lambert P, Gao Z, Verde I, Bassi D, Rossini L, Laurens F, and Arús P, (2017). Exploring and exploiting phenotypic and genetic diversity in peach: identification of major genes and QTLs by GWAS. *Acta Horticulturae* 1172, 419-424 DOI: 10.17660/ActaHortic.2017.1172.79
ISSN: 05677572
Citazioni Scopus: 1
Codice SCOPUS: 85031714763
60. Hernández Mora JR, Micheletti D, Bink MCAM, Van de Weg WE, Bassi D, Nazzicari N, Caprera A, Dettori MT, Micali S, Dirlwanger E, Lambert P, Pascal T, Banchi E, Troglio M, Rossini L, Verde I, Quilot-Turion B, Laurens F, Arús P, and Aranzana MJ (2017). Discovering peach QTLs with multiple progeny analysis. *Acta Horticulturae* 1172, 405-410 DOI: 10.17660/ActaHortic.2017.1172.77
ISSN: 05677572
Citazioni Scopus: 4
Codice SCOPUS: 85031723363
61. Nazzicari N, Caprera A, Rossini L, Tartarini S, Dondini L, Patocchi A, Bianco L, Laurens F and Stella A (2017). FruitBreedomics phenotypes and genotypes database and tools. *Acta Horticulturae* 1172, 429-434 DOI: 10.17660/ActaHortic.2017.1172.81
ISSN: 05677572
Citazioni Scopus: 2
Codice SCOPUS: 85031731352
62. da Silva Linge C, Chietera G, Pacheco Cruz I, Biffani S, Rossini L, Bassi D (2015) Genetic variability and population structure of peach accessions from MAS.PES germplasm bank. *Acta Horticulturae* 1084: 233-239 DOI: 10.17660/ActaHortic.2015.1084.33
ISSN: 05677572

Citazioni Scopus: 0
Codice SCOPUS: 84940373705

63. Scalabrin S, Policriti A, Nadalin F, Pinosio S, Cattonaro F, Vendramin E, Aramini V, Verde I, Bassi D, Pirona R, Rossini L, Cipriani G, Testolin R, Morgante M (2013) A catalog of molecular diversity of Prunus germplasm gathered from aligning NGS reads to the peach reference sequence: bioinformatic approaches and challenges. *Acta Horticulturae* 976: 169-176 10.17660/ActaHortic.2013.976.21
ISSN: 05677572
Citazioni Scopus: 3
Codice SCOPUS: 84879103675
64. Da Silva Linge C, Pacheco I, Fricano A, Chietera G, Rossini L, Bassi D. (2011) Assessing genetic diversity in peach by AFLP and SSR markers. *Minerva Biotecnologica*, VOL. 23 - SUPPL 1 to No. 2 - JUNE 2011
ISSN: 1827-160X
Citazioni Scopus: 1
Codice SCOPUS: 84893770409
65. Ciannamea S, Osnato M, Miatton E, Salamini F, Druka A, Meynard E, Guiderdoni E, Pozzi C, Rossini L (2010) Candidate gene and reverse genetics approaches for the analysis of development in barley. In Proceedings of the 10th International Barley Genetics Symposium, 5-10 April 2008, Alexandria, Egypt. Ceccarelli S and Grando S (eds). Pp 142-145.

ISBN 92-9127-246-9
66. Rossini L, Frova C, Pe ME, Sari-Gorla M (1995) Molecular analysis and mapping of *gst* genes. *Maize Genetics Cooperation Newsletter* 69: 101
Citazioni WOS: 0
Accession n CABI:19961606999
67. Gorla MS, Ferrario S, Rossini L, Frova C (1993) Genetic variability of maize GST and relation to herbicide tolerance. *Maize Genetics Cooperation Newsletter* 167: 79
Citazioni WOS: 0
Accession n CABI:19941606398

CAPITOLI DI LIBRI A DIFFUSIONE INTERNAZIONALE (*corresponding author)

68. Rossini L*, Muehlbauer GJ, Okagaki R, Salvi S, & von Korff M. (2018). Genetics of Whole Plant Morphology and Architecture. In *The Barley Genome* (pp. 209-231). Springer, Cham.
ISBN 978-3-319-92527-1 - ISBN 978-3-319-92528-8 (eBook) - <https://doi.org/10.1007/978-3-319-92528-8>
69. Tavakol E, Bretani G, Rossini L* (2017) Natural genetic diversity and crop improvement / - In: *More Food: Road to Survival* / [a cura di] Roberto Pilu, Giuseppe Gavazzi. - Prima edizione. - Sharjah, UAE : Bentham Science Publishers, 2017. pp. 185-215
ISBN 978-1-68108-468-8
70. Rossini L, Okagaki R, Druka A, Muehlbauer GJ (2014) Shoot and inflorescence architecture. In *Biotechnological Approaches to Barley Improvement*. *Biotechnology in Agriculture and Forestry* Volume 69. Stein N and Kumlehn J Eds. Pp 55-80 (14 October 2014) DOI 10.1007/978-3-662-44406-1_4
eBook ISBN: 978-3-662-44406-1, Hardcover ISBN: 978-3-662-44405-4
Citazioni WOS: 2 Citazioni Scopus: 2
Codice WOS:000357814600005 Codice SCOPUS: 85031396275
71. Pozzi C, Rossini L, Vecchiotti A, Salamini F (2004) Gene and genome changes during domestication of cereals. In PK Gupta e RK Varshney (eds) "Cereal genomics" Kluwer Academic Publishers, Dordrecht (NL) p. 165-198. DOI: 10.1007/1-4020-2359-6_7
ISBN: 978-140202358-3
Citazioni Scopus: 18
Codice SCOPUS: 84919868379

72. Pozzi C, Rossini L, Santi L, Stile MR, Nicoloso L, Barale F, Vandoni D, Decimo I, Roig C, Faccioli P, Terzi V, Wang Y, Salamini F (2003) Molecular genetics of barley development: from genetics to genomics. In: C Marè, P Faccioli, AM Stanca (eds) "From biodiversity to genomics: breeding strategies for small grain cereals in the third millennium - Proceedings of EUCARPIA 2002 Cereal section meeting", Experimental Institute for Cereal Research, Fiorenzuola d'Arda (PC), pp. 463-466.

73. Frova C, Sari Gorla M, Pè ME, Greenland AJ, Jepson I, Rossini L (1997) Role of the different GST isozymes of maize in herbicide tolerance: genetic and biochemical analysis. In: KK Hatzios (ed.) "Regulation of Enzymatic Systems Detoxifying Xenobiotics in Plants", Kluwer Academic Publishers, Dordrecht (NL) p. 171-181.

ISBN: 0-7923-4646-7

Citazioni WOS: 2

Codice WOS: 000072281500013

PUBBLICAZIONI A DIFFUSIONE NAZIONALE

74. Bassi D, Cirilli M, Cos Terrer J, Drogoudi P, Eduardo Muñoz I, Foschi S, Micali S, Rossini L, Verde I (2019) UNA RETE MEDITERRANEA PER CONSERVARE LA BIODIVERSITÀ. «RIVISTA DI FRUTTICOLTURA E DI ORTOFLORICOLTURA», 6, pp 32 - 36 [articolo] ISSN 0392-954X

75. Dondini L, Vendramin E, Pea G, Pacheco I, Dettori MT, Gazza L, Scalabrin S, Strozzi F, Tartarini S, Bassi D, Verde I, Rossini L (2014) *L'origine delle nettarine nella mutazione di un singolo gene MYB*, «RIVISTA DI FRUTTICOLTURA E DI ORTOFLORICOLTURA», 7-8, pp 48 - 51 [articolo] ISSN 0392-954X

76. Ederle D, Rossini L, Verde I (2013) Pesco: un genoma made in Italy. Intersezioni 4 Settembre 2013. ISSN 2280-689X

77. Bassi D, Dondini L, Foschi S, Rossini L, Tartarini S (2012) Il progetto "Maspe" per il miglioramento varietale di albicocco e pesco. In: RIVISTA DI FRUTTICOLTURA E DI ORTOFLORICOLTURA, n 7-8, pp 28-34 - ISSN 0392-954X

78. Lo Pinto M, Marocco A, Rossini L, Villa D, De Poli P, Cangelli P (2012) Il breeding nella prevenzione contro Fusarium. Interserzioni 14 Marzo 2012. ISSN 2280-689X

79. Eduardo I, Chietera G, Bassi D, Rossini L, Vecchiotti A. (2010) Identificazione di composti volatili nel frutto di alcune accessioni di pesco. In: RIVISTA DI FRUTTICOLTURA E DI ORTOFLORICOLTURA. 72:10(2010 Oct), pp. 46-54. ISSN 0392-954X

80. Rossini L, Pozzi C, Salamini F (2006) Varietà OGM e sostenibilità ambientale dell'agricoltura. Atti dei Convegni Lincei 229 - Biotecnologie e produzione vegetale. ISBN 88-218-0965-X. pp 61-70

81. Pozzi C, Rossini L (2000) Foglie e ali: così uguali, così diverse. Le Scienze (edizione italiana di Scientific American), 388: 96-103. Ripubblicato nel 2002 sui seguenti Quaderni de Le Scienze: L'evoluzione (n. 124) e Biologia dello sviluppo (n. 126). EDITORE LE SCIENZE, MILANO. DICEMBRE 2000. ISSN: 0036-8083.

ORGANIZZAZIONE, DIREZIONE E COORDINAMENTO DI CENTRI O GRUPPI DI RICERCA NAZIONALI E INTERNAZIONALI O PARTECIPAZIONE AGLI STESSI

SINOSSI DELL'ATTIVITA' DI RICERCA (fra parentesi quadre sono citate le pubblicazioni secondo la numerazione dell'elenco completo, comprese le pubblicazioni presentate)

Dopo aver conseguito il dottorato di ricerca in Scienze Genetiche presso l'Università degli Studi di Milano con una tesi sulla tolleranza a erbicidi in mais [24, 25, 26, 57, 66, 67, 73], Laura Rossini ha lavorato per quasi 4 anni come post-doc nel laboratorio della Prof.ssa Jane Langdale al Department of Plant Sciences dell'Università di Oxford (UK) sull'analisi genetica e molecolare del differenziamento fotosintetico in mais e riso, identificando per prima geni G2-like e ottenendo le prime evidenze funzionali del differente ruolo di questi fattori di trascrizione in piante C4 e C3 [23, 56].

Dal 2000 al 2017 Laura Rossini è stata RICERCATORE in Genetica Agraria presso l'Università degli Studi di Milano e dal 2008 al 2018 ha coordinato attività di ricerca nel campo della genomica vegetale al Parco Tecnologico Padano (PTP) di Lodi nel quadro di convenzioni di ricerca fra Università e PTP: in questo duplice ruolo per dieci anni ha coordinato un gruppo congiunto UNIMI-PTP comprendente ricercatori senior, tecnici, post-doc e dottorandi operativo presso la sede del PTP a Lodi. Dall'ottobre del 2017 riveste il ruolo di PROFESSORE ASSOCIATO in genetica agraria presso l'Università degli Studi di Milano. In questo ruolo coordina un gruppo di ricerca attualmente composto da 1 post-doc e 2 dottorandi. In questi anni le attività di ricerca si sono focalizzate sullo sviluppo della pianta attraverso l'analisi di una collezione di germoplasma di orzo comprendente migliaia di accessioni fra cui numerosi mutanti alterati negli organi fogliari, nell'architettura della pianta e dell'infiorescenza [06, 17, 54, 55, 68, 70] oltre a cultivar, landraces e linee selvatiche. L'acquisizione di nuovi strumenti genomici viene applicata per analisi di linkage e di genomica comparativa permettendo l'identificazione di geni candidati per numerosi mutanti [22, 65, 72] che conducono a importanti collaborazioni internazionali [42]. Nell'ambito del progetto UE TriticeaeGenome [50] con il suo gruppo ha raggiunto la clonazione posizionale e lo studio funzionale di un gene dell'accestimento in orzo, il primo membro della famiglia BLADE-ON-PETIOLE caratterizzato nelle monocotiledoni [13]. E' stata responsabile della caratterizzazione di fattori di trascrizione coinvolti nella regolazione di un gene KNOX di orzo, che ha permesso di stabilire un nuovo nesso fra il controllo dell'attività meristemica e il pathway dell'etilene [21] e interessanti analogie nei meccanismi di regolazione mediati dai fattori GRF in orzo e riso [44]. Interessi correlati riguardano i meccanismi di regolazione dell'espressione genica, il ruolo degli ormoni nel controllo dello sviluppo, l'evoluzione e l'analisi funzionale di famiglie di fattori trascrizionali, i processi di domesticazione e l'applicazione di strumenti di fenotipizzazione innovativi [06, 37, 47, 69, 71]. Allo studio dei mutanti morfologici, si sono affiancati approcci di genetica di associazione per la dissezione della variabilità genetica in collezioni di germoplasma, che ha riguardato sia la produzione e l'epoca di fioritura [12] sia l'adattamento a stress ambientali come il freddo [53] e il deficit idrico [46]. In questo ambito, particolare interesse riveste uno studio che ha dimostrato come lo sviluppo e le dimensioni delle foglie siano sotto il controllo di Ppd-H1, il gene maggiore della risposta fotoperiodica in orzo con un ruolo importante nel breeding [11]. Nell'ambito del progetto UE WHEALBI [31], Laura Rossini è stata responsabile dell'ottenimento di dati di risequenziamento dell'esoma di una collezione di oltre 400 accessioni coltivate e selvatiche come strumento per studiare l'architettura genetica di caratteri agronomici [32] e individuare copy number variants [29]. Questi dati sono stati ulteriormente oggetto di indagine nell'ambito del progetto BarPLUS, nel quale è stata leader del WP dedicato all'analisi della diversità allelica naturale e si è occupata dell'identificazione mediante approcci di genetica diretta e inversa di geni e alleli coinvolti nel controllo dell'accestimento e dell'angolo fogliare [2], come strumenti per migliorare la produzione di biomassa e granella. Progetti recenti di cui è responsabile scientifico riguardano: la dissezione genetica di caratteri morfologici del culmo ai fini dell'adattamento ai cambiamenti climatici (progetti Climbar e BARISTA); lo studio dei meccanismi ormonali che connettono lo sviluppo e la risposta a stress in orzo e riso (progetto bilaterale Italia-Iran Pietro della Valle, progetto SEED CLIMBER).

Nell'ultimo decennio, ha applicato le proprie competenze di genetica, genomica e biologia molecolare all'indagine di caratteri legati alla maturazione e alla qualità del frutto in pesco. In questo ambito, ha coordinato la costruzione di mappe di linkage per diverse popolazioni segreganti mediante l'uso di marcatori molecolari e analisi QTL per caratteri agronomici e di qualità quali la data di maturazione, il peso del frutto e la resistenza a monilia, il contenuto di acidi e zuccheri, la tomentosità, e i composti volatili, contribuendo all'identificazione di geni candidati e marcatori per alcuni loci di particolare interesse [01, 14, 18, 19, 20, 33, 39, 41, 45, 51, 59, 60, 62, 64]. Tali strumenti trovano applicazione in programmi di breeding anche a livello internazionale (ad esempio il marcatore IndelG per il carattere pesca/nettarina [16] è utilizzato nel programma RosBreed <https://www.rosbreed.org/breeding/dna-tests/peach/fruit-type>). Nel contesto del progetto Drupomics e dell'International Peach Genome Initiative per il sequenziamento del genoma del pesco, ha coordinato l'annotazione manuale e l'analisi

filogenetica di geni coinvolti nel metabolismo di composti volatili [49] e contribuito all'ancoraggio della più recente sequenza di riferimento Peach v2.0 [40]. Nell'ambito del progetto EU FruitBreedomics è stata coinvolta nel risequenziamento di diverse accessioni per la scoperta di varianti genomiche [35, 36, 61, 63] che sono state utilizzate per la costruzione di un nuovo SNP chip in collaborazione con partner a livello nazionale e internazionale. A proposito delle indagini delle basi genetiche e molecolari dell'aroma, ha contribuito anche a studi comparativi fra diverse varietà attraverso analisi chimiche e trascrittomiche [48, 52]. Negli ultimi anni le analisi genetiche sul pesco si sono estese all'analisi di collezioni di germoplasma attraverso la mappatura di associazione [07, 34, 38, 43] e allo studio di approcci di genomic selection per il miglioramento di caratteri complessi nel pesco [09]. In questo contesto, Laura Rossini è stata fra i principali promotori della costituzione della PeachRefPop, una collezione di germoplasma di pesco che racchiude in circa 400 accessioni la diversità genetica delle più importanti collezioni Europee [04]: con un ambizioso disegno sperimentale (5 copie in diverse località in Italia, Spagna e Grecia), la PeachRefPop rappresenta una risorsa unica per la conservazione del germoplasma di pesco e studi di interazione genotipo x ambiente, ed è alla base del progetto internazionale PRIMA FREECLIMB attualmente in corso. Una nuova linea di ricerca ha permesso, a partire da analisi genetiche e genomiche in pesco, l'identificazione di geni coinvolti nel controllo dello sviluppo florale e nel numero dei petali, un carattere di elevato interesse ornamentale, in pesco, rosa, garofano e petunia [03, 05, 08].

Ulteriori progetti in cui è stata coinvolta comprendono: la costruzione di una mappa genetica per l'analisi QTL della risposta a Fusarium [10] e la caratterizzazione di un gene coinvolto nella risposta a Diabrotica in mais [15]; lo studio della diversità genetica [58] e dei profili di composti volatili in Citrus (progetto PON IT-Citrus). E' stata Principal Investigator del partenariato Italiano del progetto Biosorg (bando CERES Fondazioni Cariplo - Agropolis) in cui è stata responsabile della caratterizzazione di geni candidati per la qualità della biomassa per fini energetici, attraverso analisi di espressione in una collezione di germoplasma di sorgo [30].

In sintesi, l'attività scientifica di Laura Rossini ha riguardato l'analisi genetica di processi fondamentali della biologia delle piante, soprattutto in riferimento allo sviluppo della pianta e del frutto. Attraverso lo sviluppo e l'applicazione di moderni strumenti genomici e molecolari ha contribuito all'analisi e alla valorizzazione della diversità genetica per caratteri legati alla qualità, produttività e sostenibilità di cereali, piante da frutto e ornamentali, contribuendo rilevanti conoscenze e strumenti per il miglioramento genetico.

Nella posizione attuale, con l'obiettivo di ampliare le conoscenze e competenze del gruppo di ricerca e di mettersi in rete con iniziative a livello nazionale e internazionale, ha sviluppato un ampio network di collaborazioni come testimoniato dai progetti finanziati e dalle numerose pubblicazioni congiunte - di seguito sono elencate le più significative collaborazioni attualmente attive con riferimento alle pubblicazioni prodotte:

Dr. P. Arus, Dr. Maria José Aranzana, IRTA Barcelona (SP) - genetica e genomica del pesco [04, 09, 33, 35, 39, 43, 51, 59, 60]

Prof. D. Bassi, Università degli Studi di Milano - dissezione genetica di caratteri agronomici e di qualità del frutto in pesco [03-05, 07-09, 14, 16, 18-20, 33-36, 38-41, 43, 45, 52, 59, 60, 62, 63, 64]

Dr. L. Cattivelli, CREA Fiorenzuola d'Arda - approcci di genetica di associazione in orzo [11, 12, 29, 31, 32, 53]

Prof. D.S. Horner, Università degli Studi di Milano - analisi bioinformatiche e filogenetiche [17, 21, 49]

Dr. A. Janiak, University of Silesia, Katowice (PL) - identificazione e caratterizzazione e di mutanti in orzo [02]

Prof. G.J. Muehlbauer, University of Minnesota (USA) - caratterizzazione e clonazione di mutanti dell'accestimento in orzo [13, 17, 68, 70]

Dr. N. Stein, IPK Gatersleben (DE) - mappatura genetica e fisica di geni candidati in orzo [13, 22, 31, 32, 50]

Dr. A. Stella, PTP, Lodi, CNR, Milano - approcci statistici e bioinformatici per analisi genetiche e genomiche in specie vegetali [05, 09, 35, 49, 53, 61]

Dr. E. Tavakol, University of Shiraz (Iran) - analisi genomiche e bioinformatiche dei processi di sviluppo in orzo [11, 12, 13, 17, 28, 46, 69]

Prof. M. von Korff, Heinrich-Heine-University, Duesseldorf, (DE) - caratterizzazione di geni e pathway coinvolti nel controllo dello sviluppo in orzo [11, 68]

Prof. R. Waugh, James Hutton Institute, Dundee (UK) - caratterizzazione di geni coinvolti nel controllo dello sviluppo in orzo [13, 29, 31, 32]

PARTECIPAZIONE A PROGETTI DI RICERCA FINANZIATI

Laura Rossini è stata direttamente responsabile della gestione e del coordinamento di numerosi progetti e finanziamenti per attività di ricerca presso l'Università degli Studi di Milano; è stata inoltre coinvolta nel coordinamento di diversi progetti nazionali e internazionali nel quadro della collaborazione con il PTP⁽¹⁾. Di seguito sono riportati i progetti di ricerca finanziati con indicazione del ruolo ricoperto.

Ente finanziatore, bando	Titolo progetto [durata]	Ruolo
Università degli Studi di Milano	Bando SEED [4 maggio 2020 - durata 18 mesi]	Principal Investigator
Università degli Studi di Milano	Transition grant [2019]	Responsabile Scientifico
MIUR, Bando PRIMA	FREECLIMB - Fruit crops resilience to climate change in the Mediterranean Basin [2019-2022]	Leader del Task FREECLIMB data collection and management
MIUR, ERANET SusCrop	BARISTA - Advanced tools for breeding BARley for Intensive and SusTainable Agriculture under climate change scenarios [2019-2022]	Responsabile Scientifico
MIUR - Bando Pietro della Valle	Approcci integrati per la caratterizzazione funzionale di geni chiave nello sviluppo e nell'adattamento dei cereali [2018]	Responsabile Scientifico
MIUR, ERANET+ FACCE SURPLUS	BarPLUS: modifying canopy architecture and photosynthesis to maximize barley biomass and yield for different end-uses [2016-2019] https://barplus.wordpress.com/	Responsabile scientifico UO DiSAA, leader del WP - Natural allelic diversity and allele mining
Fondazione Cariplo, Bando CERES	BIOSORG - Diversifying and optimizing biomass sorghum value chains for Mediterranean and Semi-arid environments: an integrative approach merging biological sciences, biomaterial development and socio-economic assessment Project ID #: FC 2013-1890 [2014-2017]	Principal Investigator del partenariato Italiano
Progetto sviluppo DiSAA (linea B)	Approcci genetici, genomici e biochimici per la dissezione di parametri di qualità del frutto in pesco [2014-2015]	Responsabile Scientifico
MIPAAF, bando ERANET+ FACCE JPI	An integrated approach to evaluate and utilise genetic diversity for breeding climate-resilient barley - CLIMBAR [2014-2017] https://www.faccejpi.com/FACCE-Joint-activities/ERA-NET-Plus-on-Climate-Smart-Agriculture/ClimBar	Responsabile Scientifico UO UNIMI
Commissione Europea 7° Programma Quadro	WHEALBI, Wheat and barley Legacy for Breeding Improvement, collaborative project GA n. 613556 [2014-2018] www.whealbi.eu	Referente Scientifico per PTP* Leader del Task di risequenziamento dell'esoma di una ampia collezione di accessioni di orzo
Commissione Europea, 7° Programma Quadro	FruitBreedomics, large-scale integrating project GA n. 265582 [2010-2015] www.fruitbreedomics.com	Referente Scientifico per PTP*
MIUR, Bando PON	IT-Citrus genomics [2010-2013]	Referente Scientifico per PTP*
Commissione Europea, 7° Programma Quadro	TriticaceaeGenome, large collaborative project GA n. 212019 [2008-2012] www.triticaceagenome.eu	Responsabile Scientifico UO UNIMI e leader WP - Gene isolation and new allele discovery
Parco Tecnologico Padano ⁽¹⁾	Coordinamento scientifico delle attività di ricerca e studio di soluzioni per problemi di genomica vegetale [2008-2011, 2011-2014, 2016-2019]	Responsabile Scientifico
MIPAAF	DRUPOMICS [2009-2011]	Partecipante
UNIMI, PUR 2008	Identificazione di mutazioni in geni candidati per lo sviluppo dell'infiorescenza in orzo (<i>Hordeum vulgare</i>) mediante TILLING	Responsabile Scientifico UO UNIMI
UNIMI, FIRST 2007	Mappatura ad alta risoluzione di unicum4, un locus coinvolto nell'accettamento in orzo (<i>H. vulgare</i>)	Responsabile Scientifico
MIUR, bando PRIN 2005	Approcci di genomica comparativa per l'identificazione di geni candidati per il controllo dello sviluppo in orzo (<i>Hordeum vulgare</i>) [2006-2008]	Responsabile Scientifico UR UNIMI-DiProVe (2005078514_002)
MIUR, DECRETO 10/05/2000 - Impiego del Fondo speciale per lo sviluppo della ricerca di interesse strategico (art. 51, comma 9, legge 27/12/1997, n. 449)	Indicatori di qualità e miglioramento del processo produttivo di drupacee e melo mediante metodologie genomiche innovative [2002-2005]	Partecipante UR UNIMI-DiProVe (Resp. F. Salamini)
MIUR, bando FIRB 2001	Sistemi di diagnostica molecolare per l'identificazione e l'analisi di determinanti genetici di rilevanza per l'agroindustria, la zootecnica e l'ambiente [2002-2005]	Partecipante UR UNIMI-DiProVe (RBNE01SFX_007, Resp. D. Bassi)
MIUR, bando PRIN 2002	Approcci di genomica funzionale allo studio della biogenesi degli aromi in pesco (<i>Prunus persica</i>) [2002-2005]	Partecipante UR UNIMI-DiProVe (2002072248_003, Resp. D. Bassi)

MIUR, bando FIRB 2001	Costruzione di mappe funzionali densamente saturate in mais e orzo - FUNCTIONMAP [2002-2005]	Partecipante UR UNIMI-DiProVe (RBAU01MHMR_002, Resp. F. Salamini)
MIUR, bando PRIN 2001	Valutazione del grado di cosegregazione fra fattori trascrizionali e mutanti dello sviluppo di orzo [2001-2004]	Partecipante UR UNIMI-DiProVe (2001077931_001, Resp. F. Salamini)
MIUR, CofinLab	Centro di Eccellenza Centro Interdisciplinare Studi Bio-molecolari e Applicazioni Industriali (CISI) [2001-2004]	Partecipante (Anno 2000 - prot. CE00151344)
MIUR, bando PRIN 1998	Mutanti dello sviluppo nelle piante coltivate come mezzo per clonare geni vegetali di rilevante interesse biotecnologico [1998-2001]	Partecipante UR UNIMI-DiProVe (9807150638_003, Resp. F. Salamini)

* Nel quadro della convenzione di ricerca PTP - Università di Milano⁽¹⁾

PARTECIPAZIONE A NETWORK INTERNAZIONALI

- BarleyGenomeNet, <http://pgrc.ipk-gatersleben.de/barleynet/>
- European Triticeae Genomics Iniziative, <http://pgrc.ipk-gatersleben.de/etgi/>
- COST action Tritigen FA0604
- Segreteria European Rosaceae Genomics Initiative
- International Peach Genome Initiative

RESPONSABILITÀ DI ASSEGGNI DI RICERCA PRESSO UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Nome assegnista	Tipo	Durata	Titolo progetto
Salar Shaaf	A	24 mesi	"Genomics-based statistical genetics approaches for genetic dissection and prediction of ideotype traits in crops"
Salar Shaaf	B	36 mesi	"Approcci integrati per l'analisi genetico-molecolare di caratteri morfologici in orzo"
Noemi Trabanco	B	12 mesi	"ClimBar - An integrated approach to evaluate and utilise genetic diversity for breeding climate-resilient barley"
Vittoria Brambilla	B	23 mesi	"An integrated approach to evaluate and utilise genetic diversity for breeding climate-resilient barley - CLIMBAR"
Elahe Tavakol	A	48 mesi	"Interazioni fra plasticità di sviluppo e adattamento a stress abiotici nei cereali"
Elahe Tavakol	B	18 mesi + 21 mesi (rinnovo)	"TriticeaeGenome - Genomics for Triticeae improvement. Sottotitolo: mappatura ad alta risoluzione e clonazione per posizione di unicum4, un gene coinvolto nell'accettamento in orzo"

ATTIVITÀ QUALI LA DIREZIONE O LA PARTECIPAZIONE A COMITATI EDITORIALI DI RIVISTE SCIENTIFICHE (per ciascuna voce inserire anno, ruolo, rivista scientifica, ecc.)

ASSOCIATE EDITOR DELLE SEGUENTI RIVISTE INTERNAZIONALI:

Frontiers in Plant Science, Plant Evolution and Development - dal 24/01/2019
<https://loop.frontiersin.org/people/526529/overview>

The Plant Genome, Wiley - dal 01/01/2021
<https://access.onlinelibrary.wiley.com/journal/19403372/editorial-board/editorial-board>

TITOLARITÀ DI BREVETTI

(per ciascun brevetto, inserire autori, titolo, tipologia, numero brevetto, ecc.)

DOMANDA DI BREVETTO DEPOSITATA		
BREVETTO PER INVENZIONE	Numero di deposito	Data di deposito
	102017000065504	13 giugno 2017

PREMI E RICONOSCIMENTI NAZIONALI E INTERNAZIONALI PER ATTIVITÀ DI RICERCA

(inserire premio, data, ente organizzatore, ecc.)

Session chair LXII SIGA Annual Congress "Plant development and crop productivity for sustainable agriculture", Verona 25-28/09/2018

Session chair at International Barley Mutant Workshop, Dundee (UK) 25-27/06/2018, <https://ics.hutton.ac.uk/ibmw2018/>

Comitato Scientifico e session chair, Breeding cereals for sustainable agriculture EUCARPIA cereal section / IWIW2 meetings, Clermont Ferrand (Francia) 19-22/03/2018

Invited visiting scholar presso University of Clemson (USA), 14-21/11/2015

Membro del board del convegno 9th Plant Genomics European Meeting (Plant GEM), Istanbul (Turchia) 4-8 Maggio 2011

Socio Società Italiana di Genetica Agraria (http://geneticagraria.it/soci.asp?a_pag=2)

Borsa di studio post-dottorato long-term (biennale) della European Molecular Biology Organization (EMBO), 1997-1999

Borsa di studio biennale dell'Accademia Nazionale dei Lincei, fondazione "Valeria Vincenzo Landi" per il perfezionamento in genetica agraria presso laboratori stranieri, 1999-2000

Borsa di studio per l'estero CNR (attribuita nel 1999 ma non fruita)

Membro della Genetical Society (UK): 1997-2000

PARTECIPAZIONE IN QUALITÀ DI RELATORE A CONGRESSI E CONVEGNI DI INTERESSE INTERNAZIONALE

(inserire titolo congresso/convegno, data, ecc.)

Design and realization of the multi-site PeachRefPop collection: an international research and breeding tool for fruit trees, invited speaker at «ISHS Peach webinar - Current trends and challenges on peach fruit production», 1-4/06/2021

Mining the WHEALBI germplasm collection for variation in barley biomass-related genes and traits, BarPLUS workshop - Plant architecture traits and efficient energy assimilation for improved biomass and grain production in cereals, Katowice (Poland) 10-11/07/2019

Hunting genes for barley shoot architecture through mutant and germplasm collections, invited speaker at international Barley Mutant Workshop, Dundee, UK, 25-27/06/2018, <https://ics.hutton.ac.uk/ibmw2018/>

The major photoperiod response gene Ppd-H1 affects leaf size and phyllochron in barley. Comunicazione orale su invito, Plant and Animal Genome conference XXIII, San Diego (USA) 10-14/01/2015 <https://pag.confex.com/pag/xxiii/webprogram/Paper15407.html>

Genetics of tillering mutants. Comunicazione orale, 1st International Workshop on Barley Mutant Research, IPK Gatersleben (DE), 27-28/06/2014 <http://meetings.ipk-gatersleben.de/bmws2014/program.php>

Candidate gene and functional genomics approaches for the molecular dissection of barley development. Workshop COST action FA0604 Tritigen, 1-3/10/2007, Puerto de la Cruz, Tenerife (Spain)

Golden 2: a novel transcriptional regulator of photosynthetic cell differentiation in the maize leaf. Promega Young Geneticists Competition. John Innes Centre, Norwich (UK), 17/09/1997

Bundle Sheath Defective 1, a transcription factor essential for C4 photosynthetic development. 39th Annual Maize Genetics Conference, Clearwater Beach, Florida (USA), 16/03/1997

ATTIVITÀ DI VALUTAZIONE NELL'AMBITO DI PROCEDURE DI SELEZIONE COMPETITIVE NAZIONALI E INTERNAZIONALI

VALUTAZIONE DI PROGETTI PER BANDI COMPETITIVI

Valutatrice per il bando BARD - The US-Israel Agricultural Research & Development Fund, 2014

COMMISSARIO IN CONCORSI

Valutatrice delle candidature per una posizione di senior lecturer in bioinformatica presso il Department of Biology, Lund University (Svezia). Maggio 2019.

Membro della commissione di concorso per la selezione dei candidati al bando di 2 assegni di tipo A, Università degli Studi di Milano, DiSAA, 2020.

ATTIVITÀ DI REFEREE PER RIVISTE ISI

Plant Biotechnology Journal, The Plant Journal, Theoretical And Applied Genetics, BMC Plant Biology, Plant Physiology, BMC Genetics, Frontiers in Plant Science, Frontiers of Agricultural Science and Engineering, Functional & Integrative Genomics, PLOS Genetics, Planta, Tree Genetics & Genomes, Annals of Botany, Archives of Agronomy and Soil Science, Biology, Developmental Cell, Journal of Plant Growth Regulation, New Phytologist, Physiologia Plantarum, Plant Molecular Biology, Plos One, Scientific Reports, Molecular Breeding, Archives of Agronomy and Soil Science
<https://publons.com/researcher/1310491/laura-rossini/peer-review/>

ATTIVITÀ GESTIONALI, ORGANIZZATIVE E DI SERVIZIO

INCARICHI DI GESTIONE E AD IMPEGNI ASSUNTI IN ORGANI COLLEGIALI E COMMISSIONI, PRESSO RILEVANTI ENTI PUBBLICI E PRIVATI E ORGANIZZAZIONI SCIENTIFICHE E CULTURALI, OVVERO PRESSO L'ATENEO O ALTRI ATENEI

(*inserire incarico/impegno, ente, data, ecc.*)

Laura Rossini ha dimostrato un costante impegno in attività gestionali, organizzative e di servizio, a livello istituzionale, nonché in termini di supporto e organizzazione di eventi scientifici e culturali, in termini di attività legate alla divulgazione delle scienze verso il pubblico e le scuole.

1994-1995 Rappresentante dei dottorandi presso il Consiglio del Dipartimento di Genetica e Biologia dei Microrganismi, Università di Milano,

1998-2000 Membro del Comitato del Contract Research Staff (post-doc), Department of Plant Sciences, Università di Oxford (UK),

1998-2000 Membro del Comitato di Sicurezza, Department of Plant Sciences, University of Oxford (UK),

2000-2005 Responsabile del laboratorio radioisotopi della Sezione di Coltivazioni Arboree del DiProVe,

2000 - oggi Membro di diverse commissioni per la selezione di assegnisti di ricerca

2002 Curatrice del CD-ROM contenente il materiale didattico del corso FSE di Formazione per Insegnanti di Scuola Media Superiore Biotecnologie applicate al settore agro-alimentare, Lodi,

2011 Membro della commissione per l'ammissione alla Scuola di dottorato in Scienze molecolari e biotecnologie agrarie, alimentari ed ambientali, XVII ciclo.

2012-2017	Membro della Giunta del DiSAA
2014	Membro della commissione per l'ammissione al Dottorato in Agricoltura, Ambiente e Bioenergia, XXX ciclo
2015	Membro della commissione giudicatrice per il conseguimento del Dottorato in Ortoflorofruitticoltura, Università degli Studi della Tuscia.
2015	Membro della commissione di selezione di studenti tutor per il progetto Erasmus Mundus BRAVE (bando per una collaborazione all'attività di tutorato didattico-integrativo per gli studenti della laurea magistrale in Scienze della Produzione e Protezione delle Piante)
2015-oggi	Membro della giunta del Dottorato in Agricoltura Ambiente Bioenergia
2017-2020	Membro della commissione paritetica dei corsi di laurea del DiSAA
2017-oggi	Membro della commissione di autovalutazione del DiSAA
2020-oggi	Coordinatrice della commissione Ricerca DiSAA

ATTIVITA' DI DIVULGAZIONE E COMUNICAZIONE SCIENTIFICA AL PUBBLICO

2015, Progetto MIPAAF Un EXPO per tutti (Dipartimento Scienze Agrarie e Ambientali, Università degli Studi di Milano, Maggio - Ottobre 2015) - Responsabile del laboratorio Cereali & Co.
24 Mag 2014, Fascination of Plants Day, laboratori per bambini e famiglie sui cereali e i pigmenti vegetali, Orto Botanico di Cascina Rosa, Università degli Studi di Milano
http://reteortibotanicilombardia.it/2014/03/16/fascination-of-plants-day/
2013, Attività di comunicazione scientifica presso la Scuola Primaria Scarpa, Milano
18 Mag 2013, Fascination of Plants Day, Attività di divulgazione al pubblico sui cereali, Facoltà di Agraria, Milano
28 Set 2012, Presentazione all'evento "Parole di donne - Dialoghi con donne di scienza" nell'ambito della Notte dei Ricercatori, Lodi
5 Mag 2005, Intervento su invito al dibattito da titolo: Natura o tecnica? I confini dello sviluppo. L'officina dei saperi, un'iniziativa organizzata da Pier Lombardo Culture presso il Teatro Franco Parenti (Milano).
3 Mag 2005, Titolo: Che cos'è la genetica? Relazione su invito nell'ambito di L'officina dei saperi, un'iniziativa organizzata da Pier Lombardo Culture presso il Teatro Franco Parenti (Milano).
15 Mag 2003, Titolo: Esperienze di una genetista in erba. Sala Maddalena, Monza (MI) Intervento su invito per Scienza Under 18, iniziativa volta alla diffusione della cultura scientifica fra gli adolescenti, promossa in collaborazione da una rete di scuole di Monza e dal Museo di Scienza e Tecnologia di Milano, con il patrocinio del Centro Scolastico Regionale della Lombardia e del Ministero della Pubblica Istruzione.

PERIODI DI CONGEDO

- Maternità obbligatoria

19/07/2005 - 18/12/2005 5 mesi, rettorale USM prot. 0041007 del 07/09/2005
20/04/2009 - 20/09/2009 5 mesi, rettorale USM prot. 0019164 del 05/06/2009

- Congedi ai sensi dell'art. 32 del Decreto Legislativo 26.3.2001 n.151- testo unico delle disposizioni legislative in materia di tutela e sostegno della maternità e della paternità:

19/06/2006 - 30/06/2006 12 giorni, Decreto n. 7299 del 07/06/2006
12/09/2006 - 22/09/2006 11 giorni, Decreto n. 7729 del 08/09/2006
21/09/2009 - 21/10/2009 1 mese, Decreto n. 11562 del 10/09/2009
26/07/2010 - 06/08/2010 12 giorni, Decreto n. 12677 del 27/07/2010
25/07/2011 - 05/08/2011 12 giorni, Decreto n. 13594 del 25/7/2011
20/08/2012 - 31/08/2012 12 giorni, Decreto n. 14439 del 31/07/2012
20/08/2013 - 30/08/2013 11 giorni, Decreto n. 15315 del 12/08/2013
28/07/2014 - 08/08/2014 12 giorni, Decreto n. 16594 del 04/08/2014
27/07/2015 - 07/08/2015 12 giorni, Decreto n. 17429 del 15/07/2015
25/07/2016 - 05/08/2016 12 giorni, Decreto n. 2489/2016 del 10/08/2016

Data

11/07/2021

Luogo

Milano