



AL MAGNIFICO RETTORE
DELL'UNIVERSITA' DEGLI STUDI DI MILANO

COD. ID: 5389

Il sottoscritto chiede di essere ammesso a partecipare alla selezione pubblica, per titoli ed esami, per il conferimento di un assegno di ricerca presso il Dipartimento di Scienze della Salute

Responsabile scientifico: Prof.ssa Cristina Gervasini

Elisabetta Di Fede

CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI

Cognome	Di Fede
Nome	Elisabetta

OCCUPAZIONE ATTUALE

Incarico	Struttura
Studente di Dottorato	Dipartimento di Scienze della Salute

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Titolo	Corso di studi	Università	anno conseguimento titolo
Laurea Magistrale	Biotechnologie mediche e Medicina molecolare	Università degli Studi di Milano	2016
Studente di Dottorato Di Ricerca con Borsa ministeriale	Medicina Traslazionale	Università degli Studi di Milano	In corso (previsto 2022)
Master	Biologia e Biotechnologie della Riproduzione	Università degli Studi di Milano-Bicocca	2017
Altro	Abilitazione alla professione di Biologo sez. A	Università degli Studi di Milano	2017

LINGUE STRANIERE CONOSCIUTE

lingue	livello di conoscenza
Inglese	C1



PREMI, RICONOSCIMENTI E BORSE DI STUDIO

anno	Descrizione premio
2018	Borsa di studio bandita dalla "Swiss Academy of Medical Science" per Radiz Rare Disease Summer School
2018	Borsa di studio per giovani promettenti "Digirare_Digital Health for Rare Disease" indetta dall'Università degli Studi di Milano
2019	Borsa ministeriale di Dottorato di ricerca in Medicina Traslazionale

ATTIVITÀ DI FORMAZIONE O DI RICERCA

descrizione dell'attività

Ottobre 2019 - Oggi: Dottorato in Medicina Traslazionale

Genetica Medica, DiSS - Dipartimento di Scienze della Salute, Università degli Studi di Milano

Supervisore: Prof.ssa Cristina Gervasini Attività: Modulazione in colture cellulari linfoblastoidi delle alterazioni epigenetiche nella sindrome di Rubinstein-Taybi e valutazione degli effetti di possibili trattamenti su proliferazione e morte cellulare; validazione e caratterizzazione di varianti e nuovi geni candidati nelle Cromatinopatie tramite analisi genetiche basate su sequenziamento di nuova generazione (NGS); induzione/resistenza alla senescenza nella sindrome di Rubinstein-Taybi come modello per malattie neurodegenerative.

Da ottobre 2021 a settembre 2022: collaborazione con IEO (Istituto Europeo di Oncologia, Dipartimento di Oncologia Sperimentale) presso il gruppo del Prof. Diego Pasini, in cui l'attività svolta è stata la caratterizzazione funzionale di un nuovo gene candidato nella sindrome di Rett tramite tecniche di biologia molecolare e approcci di editing genomico.

Febbraio 2018 - Luglio 2019: Borsa di studio giovani promettenti

Genetica Medica, DiSS - Dipartimento di Scienze della Salute, Università degli Studi di Milano

Supervisore: Dott.ssa Cristina Gervasini Attività: Studio dei meccanismi molecolari nella sindrome di Rubinstein-Taybi tramite analisi di sequenziamento di nuova generazione (NGS) e dei profili di acetilazione in linee cellulari.

Ottobre 2017: Tirocinio del Master

Centro Studi e Trattamento per l'infertilità, Ospedale Niguarda Ca' Granda

Supervisore: Dott. Maurizio Bini Attività: Procedure di PMA di I e II livello e Sistema di Gestione della Qualità

Novembre 2015 - Ottobre 2016: Tirocinio di tesi magistrale

Genetica Medica, DiSS - Dipartimento di Scienze della Salute, Università degli Studi di Milano

Supervisore: Dott.ssa Cristina Gervasini Attività: Analisi molecolare di pazienti con genodermatosi ultrarare

Maggio 2014 - Settembre 2014: Tirocinio di tesi triennale

Biologia Applicata, DiSS - Dipartimento di Scienze della Salute, Università degli Studi di Milano

Supervisore: Dott.ssa Valentina Massa Attività: Analisi dell'espressione di miRNA in diversi stadi embrionali dello sviluppo murino



ATTIVITÀ PROGETTUALE

Anno	Progetto
2022	Titolo Progetto: “Insights into the role of Lithium in the Cornelia de Lange syndrome” P.I.: Prof. Cristina Gervasini Fondi: Piano di sostegno alla ricerca UNIMI Linea 2 (1 anno, 7.777 €) Ruolo: Membro del team Attività: Studio degli effetti del litio in linee cellulari derivate dai pazienti affetti dalla sindrome di Cornelia de Lange
2021	Titolo Progetto: “INSIdE (p300 INhibition for Shielding the Inner sEnescence spear) MATTER (Mini-brAins establishment and Treatment for sEnescence and neurodegeneration)” P.I.: Prof. Cristina Gervasini e Valentina Massa Fondi: Finanziamento Aldo Ravelli (5 anni, 428.000 €) Ruolo: Membro del team Attività: Caratterizzazione di organoidi cerebrali da utilizzare come modello per la senescenza
2020	Titolo Progetto: “INSIdE: p300 INhibition for Shielding the Inner sEnescence spear” P.I.: Prof. Cristina Gervasini e Valentina Massa Fondi: Finanziamento Aldo Ravelli (1 anno, 51.000 €) Ruolo: Membro del team Attività: Validazione molecolare e cellulare del ruolo fondamentale di p300 nella senescenza cellulare
2020	Titolo Progetto: “Murine cellular models to explore the role of SLC35F1 in the Rett syndrome landscape (MUSE)” P.I.: Prof. Aglaia Vignoli Fondi: Piano di sostegno alla ricerca UNIMI Linea 2 (1 anno, 10.000 €) Ruolo: Membro del team Attività: Caratterizzazione e validazione molecolare del gene <i>SLC35F1</i> e dell'effetto della sua variante in modelli cellulari umani e murini
2019	Titolo Progetto: “Filling the gap in the clinical and molecular Rett syndrome landscape” P.I.: Prof. Aglaia Vignoli Fondi: Piano di sostegno alla ricerca UNIMI Linea 2 (1 anno, 20.000 €) Ruolo: Membro del team Attività: Identificazione e validazione di varianti patogenetiche tramite Whole Exome Sequencing (WES) in una coorte di pazienti Rett-like
2018	Titolo Progetto: “Reverting chromatin alterations in Rubinstein-Taybi syndrome” P.I.: Prof. Cristina Gervasini Fondi: Piano di sostegno alla ricerca UNIMI Linea 2 (1 anno, 10.000 €) Ruolo: Membro del team Attività: Studio degli effetti di trattamenti epigenetici (inibitori di deacetilasi istoniche) in linee cellulari derivate dai pazienti affetti dalla sindrome di Rubinstein-Taybi

CONGRESSI, CONVEGNI E SEMINARI

Data	Titolo	Sede
11-14/06/2022	European Human Genetics Hybrid Conference ESHG	Vienna, AT
17-19/11/2021	XXIV Congresso Nazionale virtuale SIGU	Virtuale



17/09/2021	MyDev 2021	Virtuale
28-31/08/2021	European Human Genetics Virtual Conference ESHG	Virtuale
20/11/2020	MyDev 2020	Virtuale
11-13/11/2020	XXIII Congresso Nazionale virtuale SIGU	Virtuale
22-23/10/2020	L'NGS nella diagnostica. Dall'esoma al genoma. Le tecnologie OMICS	Virtuale
25/06/2020 - 02/07/2020	60th Annual Meeting of the Society for Birth Defects Research and Prevention	Virtuale
16/05/2019	MyDev 2019	Università degli Studi di Milano, Milano
03/04/2019	Next Generation Sequencing. Dal laboratorio alla pratica clinica: un percorso ad ostacoli?	Novotel Ca' Granda, Milano
20/02/2019	Workshop di microscopia correlativa 3D	Università degli Studi di Milano, Milano
11-13/07/2018	6th Rare Diseases Summer School	Kartause Ittingen, Warth, CH
07/05/2018	MyDev 2018	Università degli Studi di Milano, Milano
27-28/04/2016	Advanced Cellular Assay Technologies Imaging and Label-Free	PerkinElmer Customer Knowledge Center, Milano
16/05/2014	Cognitive and Restorative Neuroscience at DiSS	Dipartimento di Scienze della Salute, Università degli Studi di Milano, Milano

PUBBLICAZIONI

Articoli su riviste
Castiglioni S, Di Fede E , Bernardelli C, Lettieri A, Parodi C, Grazioli P, Colombo EA, Ancona S, Milani D, Ottaviano E, Borghi E, Massa V, Ghelma F, Vignoli A, Lesma E, Gervasini C, "KMT2A: umbrella gene for multiple diseases", <i>Genes (Basel)</i> , 2022 Mar 15. doi: 10.3390/genes13030514. Impact Factor: 4,141
Saettini F, Fazio G, Bonati M T, Moratto D, Massa V, Di Fede E , Castiglioni S, Marchetti D, Chiarini M, Sottini A, Iascone M, Cazzaniga G, Imberti L, Biondi A, Gervasini C, Badolato R, "Identical <i>EP300</i> variant leading to Rubinstein-Taybi syndrome with different clinical and immunologic phenotype", <i>Am J Med Genet A</i> , 2021 Nov 23. 10.1002/ajmg.a.62719. Impact Factor: 2,802
Ottaviano E, Parodi C, Borghi E, Massa V, Gervasini C, Centanni S, Zuccotti G, Lollipop Study Group , Bianchi S, "Saliva detection of SARS-Cov-2 for mitigating company outbreaks: a surveillance experience, Milan, Italy, March 2021", <i>Epidemiol Infect</i> , 2021 Jul 30. doi: 10.1017/S0950268821001473. Impact Factor: 4,434
Parodi C, Di Fede E , Peron A, Viganò I, Grazioli P, Castiglioni S, Finnell R H, Gervasini C, Vignoli A, Massa V, "Chromatin imbalance as the vertex between fetal valproate syndrome and chromatinopathies", <i>Front Cell Dev Biol</i> , 2021 Apr 20. doi: 10.3389/fcell.2021.654467. Impact Factor: 6,684
Di Fede E , Peron A, Colombo E A, Gervasini C, Vignoli A, " <i>SLC35F1</i> as a candidate gene for neurodevelopmental disorders resembling Rett syndrome", <i>Am J Med Genet A</i> , 2021 Apr 5. doi: 10.1002/ajmg.a.62203. Impact Factor: 2,802
Di Fede E , Ottaviano E, Grazioli P, Ceccarani C, Galeone A, Parodi C, Colombo E A, Bassanini G, Fazio G, Severgnini M, Milani D, Verduci E, Vaccari T, Massa V, Borghi E, Gervasini C, "Insights into the role of the microbiota and of short chain fatty acids in Rubinstein-Taybi syndrome", <i>Int J Mol Sci</i> , 2021 Mar



31;22(7):3621. doi: 10.3390/ijms22073621. Impact Factor: 6,208
Grazioli P, Parodi C, Mariani M, Bottai D, Di Fede E , Zuleta A, Avagliano L, Cereda A, Tenconi R, Wierzb J, Adami R, Iacone M, Ajmone P, Vaccari T, Gervasini C, Selicorni A, Massa V, "Lithium as a possible therapeutic strategy for Cornelia de Lange syndrome", <i>Cell Death Discov</i> , 2021 Feb. doi: 10.1038/s41420-021-00414-2. Impact Factor: 4,53
Borghi E, Massa V, Carmagnola D, Dellavia C, Parodi C, Ottaviano E, Sangiorgio A, Lucia Barcellini L, Gambacorta G, Forlanini F, UNIMI SAL Study group , Zuccotti G V, "Saliva sampling for chasing SARS-CoV-2: A Game-changing strategy", <i>Pharmacol Res</i> , 2020 Dec, [Online ahead of print]. doi: 10.1016/j.phrs.2020.105380 Impact Factor: 7,658
Di Fede E , Massa V, Augello B, Squeo G, Scarano E, Perri A M, Fischetto R, Causio F A, Zampino G, Piccione M, Curridori E, Mazza T, Castellana S, Larizza L, Ghelma F, Colombo E A, Gandini M C, Castori M, Merla G, Milani D, Gervasini C, "Expanding the phenotype associated to KMT2A: overlapping clinical signs between Wiedemann-Steiner and Rubinstein-Taybi syndrome", <i>Eur J Hum Genet</i> , 2020 Jul. doi: 10.1038/s41431-020-0679-8. Impact Factor: 5,351
Rovina D, Castiglioni E, Niro F, Farini A, Belicchi M, Di Fede E , Gervasini C, Paganini S, Di Segni M, Torrente Y, Santoro R, Pompilio G, Gowran A, "Generation of the Becker muscular dystrophy patient derived induced pluripotent stem cell line carrying the DMD splicing mutation c.1705-8T>C", <i>Stem Cell Res</i> , 2020 May, 45:101819. doi: 10.1016/j.scr.2020.101819. Impact Factor: 1,587
Squeo GM, Augello B, Massa V, Milani D, Colombo EA, Mazza T, Castellana S, Piccione M, Maitz S, Petracca A, Prontera P, Accadia M, Della Monica M, Di Giacomo MC, Melis D, Selicorni A, Giglio S, Fischetto R, Di Fede E , Malerba N, Russo M, Castori M, Gervasini C, Merla G, "Customised next-generation sequencing multigene panel to screen a large cohort of individuals with chromatin-related disorder", <i>J Med Genet</i> , 2020 Mar 13. doi: 10.1136/jmedgenet-2019-106724. Impact Factor: 5,954
Avagliano L, Parenti I, Grazioli P, Di Fede E , Parodi C, Mariani M, Kaiser F J, Selicorni A, Gervasini C, Massa V, "Chromatinopathies: a focus on Cornelia de Lange Syndrome", <i>Clin Genet</i> , 2020 Jan; 97(1):3-11. doi: 10.1111/cge.13674. Impact Factor: 4,296
Negri G, Magini P, Milani D, Crippa M, Biamino E, Piccione M, Sotgiu S, Perria C, Vitiello G, Frontali M, Boni A, Di Fede E , Gandini M C, Colombo E A, Bamshad M J, Nickerson D A, Smith J D, Loddo I, Finelli P, Seri M, Pippucci T, Larizza L, Gervasini C, "Exploring by whole exome sequencing patients with initial diagnosis of Rubinstein-Taybi syndrome: the interconnections of epigenetic machinery disorders", <i>Hum Genet</i> , 2019 Mar; 138(3):257-269. doi: 10.1007/s00439-019-01985-y. Impact Factor: 5,881
Colombo E A, Elcioglu N H, Graziano C, Farinelli P, Di Fede E , Neri I, Facchini E, Greco M, Gervasini C, Larizza L, "Clinical and molecular characterization of three unrelated Poikiloderma with Neutropenia patients: insights into mutation effect by transcript analysis and disease evolution of reported patients with the same pathogenic variants", <i>J Clin Immunol</i> , 2018 May 16, 38(4):494-502. doi: 10.1007/s10875-018-0508-9. Impact Factor: 8,542

Atti di convegni - Abstracts
Di Fede E , Peron A, Colombo E A, Tamburri S, Pasini D, Vignoli A, Gervasini C "Expanding Rett syndrome landscape: identification of candidate genes from a WES study", XXV Congresso Nazionale SIGU, Trieste, IT, 7th-9th September 2022
Di Fede E , Peron A, Colombo E A, Tamburri S, Pasini D, Gervasini C, Vignoli A, "Expanding Rett syndrome landscape: identification of candidate genes from a WES study", ESHG, European congress, Wien, AT, 11th-14th June 2022
Parodi C, Grazioli P, Totaro S, Lettier A, Di Fede E , Conti L, Vaccari T, Gervasini C, Massa V, "Modelling Cornelia de Lange syndrome using lithium as a positive modulator of defective WNT pathway", VII Congresso Dipartimentale DiSS, Milan, IT, 26th November 2021
Di Fede E , Ancona S, Colombo E A, Parodi C, Grazioli P, Castiglioni S, Priori A, Lesma E, Gervasini C, Massa V, Lettieri A, "Studying the role of p300 in cellular senescence protection", VII Congresso Dipartimentale DiSS, Milan, IT, 26th November 2021



Di Fede E , Ottaviano E, Rinaldi B, Ceccarani C, Colombo E A, Milani D, Gervasini C, Borghi E, “Gut microbiota in chromatinopathies: the case of Sotos syndrome patients”, VII Congresso Dipartimentale DiSS, Milan, IT, 26th November 2021
Di Fede E , Parodi C, Lettieri A, Castiglioni S, Pozzi F, Colombo E A, Milani D, Massa V, Gervasini C, “Characterization of a novel HDAC2 pathogenetic variant: a missing piece of the chromatinopathies puzzle?”, VII Congresso Dipartimentale DiSS, Milan, IT, 26th November 2021
Di Fede E , Parodi C, Lettieri A, Castiglioni S, Pozzi F, Colombo E A, Milani D, Massa V, Gervasini C, “Characterization of a novel HDAC2 pathogenetic variant: a missing piece of the chromatinopathies puzzle?”, XXIV Congresso Nazionale SIGU virtual edition, IT, 17th-19th November 2021
Di Fede E , Ottaviano E, Grazioli G, Ceccarani C, Galeone A, Parodi C, Colombo E A, Bassanini G, Fazio G, Severgnini M, Milani D, Verduci E, Vaccari T, Massa V, Borghi E, Gervasini C, “Insights into the role of the microbiota and of short chain fatty acids in Rubinstein-Taybi syndrome”, III MyDev Meeting, Milan, IT, 20th November 2020
Di Fede E , Saettini F, Castiglioni S, Colombo E A, Marchetti D, Fazio G, Cazzaniga G, Bonati M T, Iascone M, Massa V, Gervasini C, “EP300 gene at the crossroads between Rubinstein-Taybi syndrome and immunological defects”, VI Congresso Dipartimentale DiSS, Milan, IT, 13th November 2020, selected for oral presentation
Di Fede E , Saettini F, Castiglioni S, Marchetti D, Fazio G, Cazzaniga G, Colombo E A, Massa V, Iascone M, Bonati M T, Gervasini C, “EP300 gene at the crossroads between Rubinstein-Taybi syndrome and immunological defects”, XXIII Congresso Nazionale SIGU virtual edition, IT, 11th-13th November 2020
Di Fede E , Parodi C, Grazioli P, Colombo E A, Massa V, Gervasini C, “In vitro model for acetylation imbalance modulation in Rubinstein Taybi syndrome”, XXII Congresso Nazionale SIGU, Rome, IT, 13th-16th November 2019
Di Fede E , Parodi C, Grazioli P, Colombo E A, Massa V, Gervasini C, “In vitro model for acetylation imbalance modulation in Rubinstein Taybi syndrome”, V Congresso Dipartimentale DiSS, Milan, IT, 8th November 2019, selected for oral presentation
Grazioli P, Parodi C, Bottai D, Di Fede E , Adami R, Taci E, Zulueta A, Vaccari T, Gervasini C, Massa V, “Cohesin complex and canonical WNT pathway: unravelling Cornelia de Lange Syndrome molecular basis”, V Congresso Dipartimentale DiSS, Milan, IT, 8th November 2019
Grazioli P, Parodi C, Bottai D, Di Fede E , Adami R, Zulueta A, Taci E, Gervasini C, Vaccari T, Massa V, “Activating WNT pathway in CdLS in vitro and in vivo models: possible future therapeutic strategies for Cornelia de Lange Syndrome”, XIX Congresso Nazionale AIBG, Milan, IT, 4th-5th October 2019
Parodi C, Grazioli P, Bottai D, Di Fede E , Adami R, Zulueta A, Gervasini C, Vaccari T, Massa V, “Cornelia de Lange Syndrome neurodevelopment: modulating defective Wnt pathway”, SDB, Society for Developmental Biology, Boston, Massachusetts, US, 26th-30th July 2019
Parodi C, Grazioli P, Bottai D, Di Fede E , Adami R, Zulueta A, Gervasini C, Vaccari T, Massa V, “Wnt pathway activation in CdLS models: paving the way for future therapeutic strategies”, Radiz Rare Disease Summer School, Kartause Ittingen, Warth, CH, 10th-12th July 2019
Squeo G M, Augello B, Colombo E A, Milani D, Castori M, Mazza T, Castellana S, Chromatinopathies Study Group, Di Fede E , Malerba N, Massa V, Gervasini C, Merla G, “NGS-panel for Chromatinopathies: implications in diagnosis and research”, ESHG, European congress, Gothenburg, SW, 15th-18th June 2019
Bassanini G, Di Fede E , Colombo E A, Ceccarani C, Ottaviano E, Massa V, Gervasini C, Borghi E, “Interplay between genetic disorders and gut microbial community: Rubinstein-Taybi syndrome as a model”, 29th ECCMID, Amsterdam, NL, 13th-16th April 2019
Di Fede E , Gandini M C, Augello B, Squeo G, Scarano E, Fischetto R, Zampino G, Piccione M, Merla G, Milani D, Massa V, Gervasini C, “KMT2A mutations in patients with Rubinstein-Taybi clinical diagnosis: a shared imbalance of open and closed chromatin in overlapping syndromes?”, IV Congresso Dipartimentale DiSS, Milan, IT, 9th November 2018, selected for oral presentation
Di Fede E , Mazzetti A, Conci A, Cardaropoli M, Parodi C, Grazioli P, Massa V, Gervasini C, “Epigenetic drugs to modulate acetylation defects in Rubinstein-Taybi cell lines”, IV Congresso Dipartimentale DiSS,



Milan, IT, 9th November 2018
Gervasini C, Massa V, Di Fede E , Augello B, Squeo G, Scarano E, Fischetto R, Zampino G, Piccione M, Gandini M C, Castori M, Larizza L, Milani D, Merla G, “KMT2A mutations in patients with Rubinstein-Taybi clinical diagnosis: a shared imbalance of open and closed chromatin in overlapping syndromes?”, XXI Congresso Nazionale SIGU, Catania, IT, 25th-27th October 2018
Di Fede E , Grazioli P, Gandini M C, Colombo E A, Mazzetti A, Cardaropoli M, Conci A, Parodi C, Merla G, Augello B, Milani D, Massa V, Gervasini C, “Novel diagnostic and therapeutic approaches to Rubinstein-Taybi syndrome”, Radiz Rare Disease Summer School, Kartause Ittingen, Warth, CH, 11th-13th July 2018, <i>selected for oral presentation</i>
Augello B, Gervasini C, Massa V, Squeo G M, Colombo E A, Milani D, Gandini C, Castori M, Di Fede E , Adipietro I, Malerba N, Merla G, “NGS panel for chromatinopathies, implications for diagnosis and research”, ESHG, European congress, Milan, IT, 16th-19th June 2018
Gervasini C, Negri G, Magini P, Milani D, Gandini C, Di Fede E , Crippa M., Biamino E, Ferrero G B, Piccione M, Sotgiu S, Perrià C, Vitiello G, Frontali M, Boni A, Cavaliere M L, Pisanti M A, Giordano L, Colombo E A, Bamshad M J, Nickerson D A, Smith J D, Loddo I, Finelli P, Larizza L, Pippucci T, “Exploring by whole exome sequencing patients with initial diagnosis of Rubinstein-Taybi syndrome: the interconnections of epigenetic machinery disorders”, ESHG, European congress, Milan, IT, 16th-19th June 2018
Robusto M, Massa V, Chierighin C, Di Fede E , Colpaietro P, Asselta R, Duga S, Soldà G, “MiR-96-3p, the neglected miRNA sister of the deafness-associated miR-96-5p, in mouse development”, XX Congresso Nazionale SIGU, Napoli, IT, 15th-18th November 2017
Colombo E A, Di Fede E , Fontana L, Cubells L, Elcioglu N, Farinelli P, Graziano C, Romeo S, Gervasini C, Larizza L, “Nuovi pazienti affetti da sindrome di Rothmund-Thomson e Poichiloderma con Neutropenia: caratterizzazione molecolare e analisi dei trascritti per l’approfondimento dell’effetto patogenetico delle alterazioni identificate”, XIX Congresso Nazionale SIGU, Torino, IT, 23rd-26th November 2016
Colombo E A, Di Fede E , Fontana L, Cubells L, Elcioglu N, Farinelli P, Graziano C, Romeo S, Gervasini C, Larizza L, Cerri A, “Caratterizzazione molecolare di pazienti affetti da sindrome di Rothmund-Thomson e Poichiloderma con Neutropenia”, Il Congresso DISS, Milano, IT, 11th November 2016
Robusto M, Massa V, Chierighin C, Di Fede E , Asselta R, Duga S, Soldà G, “Non-identical twins: miR-96-5p and miR-96-3p expression during mouse development”, ESHG, European congress, Glasgow, UK, 6th-9th June 2015
Massa V, Robusto M, Chierighin C, Di Fede E , Soldà G, “Non-identical twins: miR-96-5p and miR-96-3p expression during mouse development”, XVI Congresso Nazionale AIBG, Napoli, IT, 26th-27th September 2014

Le dichiarazioni rese nel presente curriculum sono da ritenersi rilasciate ai sensi degli artt. 46 e 47 del DPR n. 445/2000.

Il presente curriculum, non contiene dati sensibili e dati giudiziari di cui all’art. 4, comma 1, lettere d) ed e) del D.Lgs. 30.6.2003 n. 196.

RICORDIAMO che i curricula **SARANNO RESI PUBBLICI** sul sito di Ateneo e pertanto si prega di non inserire dati sensibili e personali. Il presente modello è già precostruito per soddisfare la necessità di pubblicazione senza dati sensibili.

Si prega pertanto di **NON FIRMARE** il presente modello.

Luogo e data: Milano, 28/07/2022