



# UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

## IL DIRETTORE DEL DIPARTIMENTO

- Visto l'art. 7 comma 6 del Decreto Legislativo 30 marzo 2001 n. 165 e successive modifiche e integrazioni;
- Visto il Regolamento per l'affidamento a terzi estranei all'Università di incarichi di carattere intellettuale emanato con Decreto Rettorale Reg. 0267760 del 23/04/2010;
- Visto il Progetto **RL\_DG-AGR23GMINO\_02** n. di creazione: **U-Gov 44834 - CUP: E87F23000000009**;
- Visto l'avviso di conferimento rivolto al personale interno pubblicato sul sito Web d'Ateneo prot. **0025256/23 del 27/06/2023** che è andato deserto;
- Visto l'avviso di procedura comparativa ID **DIVAS 23 - Rep. 13523/2023 del 31/08/2023** per l'affidamento di un incarico di collaborazione di lavoro autonomo, della durata di n. **3 mesi** e per un compenso di **€ 5.000,00**, per attività di **supporto alla ricerca**
- Considerato che l'importo lordo pari a **€ 5.000,00** risulta congruo per l'attività in esso dedotta;
- Verificata la disponibilità dei fondi posto a carico del progetto **RL\_DG-AGR23GMINO\_02 - n. di creazione: U-Gov 44834 - CUP: E87F23000000009**;
- Vista la determina di nomina della Commissione del **21/09/2023 prot. n. 0036593/23 del 06/10/2023**;
- Visto il verbale di selezione per *titoli* del **12/10/2023** da cui risultano attribuiti ai candidati i seguenti punteggi:

COGNOME E NOME	PUNTI
<b>LAZZARI BARBARA</b>	<b>90</b>

## DETERMINA

L'approvazione degli atti della procedura comparativa ID **DIVAS 23 - Rep. 13523/2023 del 31/08/2023**.

L'autorizzazione alla stipula di un contratto **occasionale**, alla **Dott.ssa Barbara Lazzari**, per attività di **supporto alla ricerca** finalizzata al raggiungimento dei seguenti **obiettivi**:  
Gestione dati di sequenze di Next Generation Sequencing, analisi bioinformatica al fine di identificare marker di sottotipo genetico e di resistenza alla varroa da dati di "whole genome sequence" di campioni di Apis mellifera



## UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Svolgendo la seguente **attività**:

L'incarico prevede il supporto al Responsabile Scientifico nell'analisi bioinformatica del genoma completo di 225 api sequenziate tramite metodica di Next Generation Sequencing. Analisi della variabilità genetica rispetto alla sequenza di riferimento e della variabilità tra sottotipi e tra linee genetiche in selezione. Analisi bioinformatica di associazione genetica per identificare dei geni di interesse per la resistenza alla varroa. Detection di Single Nucleotide Polimorphism per discriminare parentele e razze e resistenza alla varroa

Tale attività sarà da svolgersi nell'ambito del Progetto **“BEENOMIX 3.0: Resistenza genetica alla Varroa in apicoltura”**

L'importo del contratto sarà di **€ 5.000,00** al lordo di ritenute fiscali, previdenziali ed assistenziali a carico del Collaboratore e avrà la durata di n. **3 mesi** a favore del Dipartimento di Medicina Veterinaria e Scienze Animali.

Il corretto svolgimento dell'incarico sarà verificato dalla **Prof.ssa Giulietta Minozzi**;

Il costo di **€ 5.000,00** graverà sul progetto denominato **RL\_DG-AGR23GMINO\_02 - n. di creazione: U-Gov 44834 - CUP: E87F23000000009** -del Dipartimento di Medicina Veterinaria e Scienze Animali;

Lodi, 25/10/2023

**IL DIRETTORE DEL DIPARTIMENTO**  
**Prof. Mauro Di Giancamillo**