



AL MAGNIFICO RETTORE
DELL'UNIVERSITA' DEGLI STUDI DI MILANO

COD. ID: 6747

La sottoscritta chiede di essere ammessa a partecipare alla selezione pubblica, per titoli ed esami, per il conferimento di un assegno di ricerca presso il Dipartimento di Medicina Veterinaria e Scienze Animali

Responsabile scientifico: Alessandro Bagnato

FRANCESCA BERNINI
CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI

Cognome	Bernini
Nome	Francesca

OCCUPAZIONE ATTUALE

Incarico	Struttura
Dottoranda - <u>termine</u> 30 settembre 2024	Dipartimento di Medicina Veterinaria e Scienze Animali dell'Università degli Studi di Milano

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Titolo	Corso di studi	Università	anno conseguimento titolo
Laurea Magistrale o equivalente	LM-86 Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali	Università degli Studi di Milano	2021
Specializzazione			
Dottorato Di Ricerca	R35 - Dottorato in Scienze Veterinarie e dell'Allevamento.	Università degli Studi di Milano	Il Dottorato termina il 30 settembre 2024. La discussione della tesi di Dottorato è prevista per i primi mesi del 2025
Master			
Diploma Di Specializzazione Medica			
Diploma Di Specializzazione Europea			
Altro	Linux Containers 2024	Centre for Genomic Regulation, Barcellona	2024



UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

		Spain 19-21 febbraio 2024	
	Linux Terminal for Beginners	Centre for Genomic Regulation, Barcellona Spain 22 febbraio 2024	2024
	Python for beginners	Centre for Genomic Regulation, Barcellona Spain 28/29 febbraio, 1 e 8 marzo 2024	2024
	Introduction to Nexflow	Centre for Genomic Regulation, Barcellona Spain 11 e 12 marzo 2024	2024
	Statistical methods applied to epidemiology and animal sciences	Università degli Studi di Milano 4-5 Dicembre 2023; 12-14 Dicembre 2023; 19-20 Dicembre 2023	2023
	Digital imaging and image integrity in scientific publication	Università degli Studi di Milano 20-22 e 27-28 marzo 2023	2023
	Research Integrity - Natural and physical sciences	Epigeum - Oxford University Press -29 gennaio 2023	2023
	Non-invasive biomarkers for the future research designs	Università degli Studi di Milano dal 11 al 13 luglio 2022	2022
	Analisi statistica avanzata per le scienze zootecniche	Associazione per le Scienze in Produzione Animale Perugia - 20-24 giugno 2022	2022
	Introduzione al regolamento generale sulla protezione dei dati	Università degli Studi di Milano - 15 Gennaio 2022	2022
	Biostatistics for molecular and cellular biology	Università degli Studi di Milano 10-31 gennaio 2022	2022
	Statistical methods applied to epidemiology and animal sciences from theory to practice	Università degli Studi di Milano 3 e 10 dicembre 2021;	2021
	Genome Editing of Stem Cells for advance disease Modelling and Treatment	Università degli Studi di Milano 15 e 16 novembre 2021;	2021
	Covid-19 e lavoro: cosa conoscere	AIFOS - Università degli Studi di Milano 10 novembre 2021	2021
	Genomics for ecological and evolutionary studies: from DNA	Università degli Studi di Milano dal 2 al 5 novembre 2021	2021



	sequencing to data analysis		
	Formazione generale dei lavoratori	AIFOS - Università degli Studi di Milano, 11 gennaio 2017	2017

ISCRIZIONE AD ORDINI PROFESSIONALI

Data iscrizione	Ordine	Città
NA		

LINGUE STRANIERE CONOSCIUTE

lingue	livello di conoscenza
Inglese	C1 Lettura; C1 Scrittura; C1 Parlato
Spagnolo	A2 Lettura; A2 Scrittura; A2 Parlato

PREMI, RICONOSCIMENTI E BORSE DI STUDIO

anno	Descrizione premio
NA	

ATTIVITÀ DI FORMAZIONE O DI RICERCA

<p>Descrizione dell'attività:</p> <p>1° ottobre 2021 - presente Dottorato di ricerca in Scienze Veterinarie e dell'Allevamento, Università degli Studi di Milano presso il Dipartimento di Medicina veterinaria e Scienze Animali (DIVAS).</p> <p>Durante il mio dottorato di ricerca, ho acquisito una vasta esperienza nell'analisi di dati genotipici da SNP chip ad alta densità e di sequenziamento, in particolare nel campo della genomica animale. Il mio lavoro ha riguardato l'analisi di grandi dataset con specifico riferimento a SNP data e Whole Genome Sequences (WGS) data, con lo sviluppo e l'applicazione di pipeline bioinformatiche avanzate per individuare variazioni genetiche e le loro possibili implicazioni per la selezione degli animali e la conservazione genetica delle popolazioni.</p> <p>4 gennaio 2024 - 24 giugno 2024 - attività di ricerca presso Centre for Genomic Regulation (CRG) di Barcellona, Spagna</p> <p>Una parte significativa della mia ricerca durante lo svolgimento del dottorato è stata svolta presso il Centre for Genomic Regulation (CRG) di Barcellona, Spagna dove ho trascorso sei mesi come visiting scientist. Durante questo periodo, ho analizzato le sequenze WGS di 225 bovini avendo come obiettivo lo studio della variabilità genomica tra popolazioni autoctone e cosmopolite. Per sviluppare la ricerca ho sviluppato e utilizzato pipeline per il loro allineamento alla sequenza di riferimento della specie bovina e ho poi utilizzato public domain software dedicato alla identificazione ed analisi delle varianti genomiche in relazione alla sequenza di riferimento. Per le analisi sono stati utilizzati i software disponibili in public domain e il linguaggio nextflow recentemente sviluppato dal Centro de Regulació Genomica di Barcellona,</p>
--



Spagna. Le analisi sono state sviluppate su workstation linux, cosa che mi ha anche permesso di conoscere la gestione delle macchine linux e del linguaggio base (bash) del sistema operativo. Obiettivo principale di questo studio, parte del mio programma di Dottorato, era centrato in particolare sulle razze bovine autoctone Valdostana Pezzata Rossa (ARP) e Valdostana Pezzata Nera-Castana (ABCH). Il mio lavoro si è concentrato sull'identificazione e la caratterizzazione delle variazioni strutturali genomiche specifiche di queste razze, confrontandole con bovini cosmopoliti come Holstein, Bruna e Simmenthal.

12 luglio 2021 - 30 settembre 2021 Contratto di lavoro autonomo per attività di supporto alla ricerca nell'ambito del progetto "Sviluppo di uno strumento genomico per la riproduzione nei bovini da latte e per il controllo della consanguineità - GENORIP. Dipartimento di Medicina Veterinaria dell'Università degli Studi di Milano (DIMEVET).

Durante il periodo di ricerca del contratto mi sono occupata del campionamento di materiale biologico da bovini adulti (tessuto - padiglione auricolare), dell'estrazione del DNA presso il laboratorio di genetica molecolare e della gestione dei dati di genotipizzazione ottenuti con chip SNP. Inoltre, ho effettuato analisi preliminari su dati aziendali di produzione relativi a caratteri sanitari e di efficienza funzionale degli animali.

Ottobre 2018 - Presente

Durante il mio periodo di studio e di lavoro di ricerca come laureanda, collaboratrice di ricerca e dottoranda presso i laboratori di genetica animale mi sono occupata di analisi di associazione (GWAS) per caratteri fenotipici produttivi e legati a patologie a controllo complesso, analisi della variabilità genetica delle razze autoctone e cosmopolite e di analisi di sequenze dell'intero genoma bovino.

Ho acquisito una solida capacità di utilizzo dei software per analisi di dati genotipici quali plink, Golden Helix SVS, vcftools, samtools, bedtools, Genome Browsers, Admixture, R studio, e di generare ed utilizzare pipeline bioinformatiche scritte in diversi linguaggi di programmazione (nextflow, bash e python) per gestire e analizzare i dati di WGS. Ho anche acquisito esperienza nella gestione delle workstation con sistema operativo Linux.

Ho inoltre accumulato buona esperienza nell'utilizzo di banche dati contenenti sequenze dell'intero genoma sia su sistemi di archiviazione dedicati che di dominio pubblico (es ENSEMBL, NCBI). Infine ho acquisito capacità specifiche per interrogare i principali database genomici disponibili online (es. ENSEMBL / NCBI per l'identificazione di QTL, geni annotati e conseguenze funzionali delle mutazioni).

Come sopra riportato ho seguito formazione di perfezionamento specifica postlaurea offerta dai numerosi corsi dell'Università degli Studi di Milano (UNIMI), del Centre for Genomic Regulation (CRG), Barcellona Spagna e dell'Associazione per le Scienze in Produzione Animale (ASP):

- Corso organizzato dal CRG "Linux Containers 2024"; 19/21 febbraio 2024 - Corso di perfezionamento post-laurea per ricercatori
- Corso organizzato dal CRG "Linux Terminal for Beginners"; 22 febbraio 2024- Corso di perfezionamento post-laurea per ricercatori
- Corso organizzato dal CRG "Python for beginners"; 28/29 febbraio e 1/8 marzo 2024 - Corso di perfezionamento post-laurea per ricercatori
- Corso organizzato dal CRG "Introduction to Nextflow"; 11-12 marzo 2024 - Corso di perfezionamento post-laurea per ricercatori
- Corso organizzato da UNIMI "Statistical methods applied to epidemiology and animal sciences"; dicembre 2023 - Corso di perfezionamento post-laurea per dottorandi
- Corso organizzato da UNIMI "Digital imaging and image integrity in scientific publication"; marzo 2023 - Corso di perfezionamento post-laurea per dottorandi
- Corso organizzato da ASPA: "Analisi statistica avanzata per le scienze zootecniche" 20-24 giugno 2022 - per dottorandi, Post-doc e ricercatori.
- Corso organizzato da UNIMI "Biostatistics for molecular and cellular biology"; January 2022 - Corso di perfezionamento post-laurea per dottorandi
- Corso organizzato da UNIMI "Non-invasive biomarkers for the future research designs"; luglio 2022 - Corso di perfezionamento post-laurea per dottorandi
- Corso organizzato da UNIMI "Genomics for ecological and evolutionary studies: from DNA



sequencing to data analysis”; novembre 2021 - Corso di perfezionamento post-laurea per dottorandi

- Corso organizzato da UNIMI “Statistical methods applied to epidemiology and animal sciences from theory to practice”; dicembre 2021 - Corso di perfezionamento post-laurea per dottorandi
- Corso organizzato da UNIMI “Genome Editing of Stem Cells for advance disease Modelling and Treatment”; novembre 2021 - Corso di perfezionamento post-laurea per dottorandi.

L’attività di ricerca ha anche riguardato lavoro di laboratorio di genetica molecolare con l’utilizzo delle pratiche base di laboratorio, specifiche per l’estrazione degli acidi nucleici, e la verifica della loro qualità con strumento TECAN.

ATTIVITÀ PROGETTUALE

Anno	Progetto
2023-2024	BREEF - Linea 2 - Ruolo nel progetto: collaborazione alla scrittura del progetto, utilizzo di strumenti e software specifici per raccolta di dati longitudinali; analisi biostatistiche dei dati zootecnici da robot di mungitura e da sensori ambientali; campionamento.
2023-2024	GENOVAL - Prin 2022 - Ruolo nel progetto: collaborazione alla scrittura del progetto; utilizzo di strumenti e software specifici per analisi bioinformatiche di dati di Whole Genome Sequences; allineamento di sequenze e quality control dei dati genomici; analisi delle varianti strutturali individuate nel genoma; comunicazione e disseminazione dei risultati attraverso convegni scientifici (EAAP 2024). Atti di convegno relativi all’attività di ricerca: N. 7, N. 8, N. 9
2021-2023	DUAL BREEDING Fase 2 - PSRN 2014-2020 - Ruolo nel progetto: utilizzo di strumenti e software specifici per analisi bioinformatiche di dati genomici, analisi della variabilità genetica su dati di genotipizzazione per la stima della consanguineità genomica e delle ROH, analisi di associazione GWAS per caratteri produttivi, comunicazione e disseminazione dei risultati attraverso convegni scientifici. Pubblicazioni relative all’attività di ricerca nella sezione Articoli su riviste: N.1, N. 5. Atti di convegno relativi all’attività di ricerca: N. 10, N. 11, N. 13
2019-2022	GENORIP - PSR Regione Lombardia - Ruolo nel progetto: campionamento animali, utilizzo di strumenti e software specifici per analisi biostatistiche di dati zootecnici da robot di mungitura e bioinformatiche di dati genomici, analisi della variabilità genetica su dati di genotipizzazione per la stima della consanguineità genomica e delle ROH, analisi di associazione genotipo-fenotipo (GWAS) per caratteri legati a patologie, variazioni strutturali del genoma (CNV), comunicazione e disseminazione dei risultati attraverso convegni scientifici, tecnico divulgativi e pubblicazioni di settore. Pubblicazioni relative all’attività di ricerca nella sezione Articoli su riviste: N. 2, N. 3, N. 4. Atti di convegno relativi all’attività di ricerca: N.12, N. 14, N. 15
2021	TUBAVI - PSRN 2014-2020 - Ruolo nel progetto: utilizzo di strumenti e software specifici per analisi bioinformatiche di dati genomici, analisi della variabilità genetica su dati di genotipizzazione per la stima della consanguineità genomica e delle ROH. Pubblicazioni relative all’attività di ricerca nella sezione Articoli su riviste: N. 6

CONGRESSI, CONVEGNI E SEMINARI

Data	Titolo	Sede
------	--------	------



1-5/06/24	74th Annual Meeting of EAAP - "Whole Genome Sequencing of Aosta cattle to assess breed genomic diversity" PRESENTAZIONE POSTER	Firenze
26-27/06/24	Convegno AISSA #UNDER40 - "Heterozygosity rich regions in autochthonous and cosmopolitan cattle breeds" PRESENTAZIONE POSTER	Firenze
16/17-05-2024	16-17 maggio 2024 - PRBB "Computational Genomics Symposium" PARTECIPAZIONE AL SIMPOSIO	Barcellona (Spagna)
14-05-2024	VAS PhD students' seminars - OMICS SCIENCES and REPRODUCTION APPLIED TO LIVESTOCK - "Genomics of Efficiency, Resilience and Biodiversity in Holstein and local cattle breeds" PRESENTAZIONE ORALE	Lodi
15-02-2024	CBHG Data Club Seminar - CRG, "Dissecting the genetic diversity of Aosta cattle" PRESENTAZIONE ORALE	Barcellona (Spagna)
27-09-2023	27-29 Settembre - VAS Days - "A Genome Wide Association Study in the Aosta cattle population" PRESENTAZIONE ORALE	Lodi
13-16/06/23	25th congresso ASPA - "A Genome Wide Association Study in the Aosta Cattle population" PRESENTAZIONE ORALE	Monopoli
5-06-2023	VAS PhD students' seminars - GENETICS AND OMICS SCIENCES APPLIED TO LIVESTOCK - "Analysis of Runs of Heterozygosity in the Aosta cattle" PRESENTAZIONE ORALE	Lodi
22-11-2022	VAS PhD students' seminars - GENETICS AND OMICS SCIENCES APPLIED TO LIVESTOCK - "Genetic diversity of the autochthonous Aosta cattle females' population" PRESENTAZIONE ORALE	Lodi
27-09-2022	26-28 Settembre - VAS Days - "Selection for mastitis resistance: a possible new approach" PRESENTAZIONE ORALE	Lodi
5-9/09/22	73rd Annual Meeting of EAAP - "A study of monogenic traits in the alpine autochthonous Aosta Breeds." PRESENTAZIONE POSTER	Porto (Portogallo)

PUBBLICAZIONI

N	Articoli su riviste
1	F. Bernini, E. Mancin, C. Sartori, R. Mantovani, M. Vevey, V. Blanchet, A. Bagnato, M. G. Strillacci (in revisione). Genome Wide Association Studies for milk production traits in two autochthonous Aosta cattle breeds. <i>Animal</i> .
2	Delledonne A., Punturiero C., Ferrari C., Bernini F., Milanesi R., Bagnato A., and Strillacci M. G. (2024). Copy number variant scan in more than four thousand Holstein cows bred in Lombardy, Italy. <i>Plos one</i> , 19(5).
3	Punturiero C., Milanesi R., Bernini F., Delledonne A., Bagnato A., and Strillacci M. G. (2023). Genomic approach to manage genetic variability in dairy farms. <i>Italian Journal of Animal Science</i> , 22(1), 769-783.
4	Strillacci M. G., Punturiero C., Milanesi R., Bernini F., Mason T., and Bagnato A. (2023). Antibiotic treatments and somatic cell count as phenotype to map QTL for mastitis susceptibility in Holstein cattle breed. <i>Italian Journal of Animal Science</i> , 22(1), 190-199.
5	Bernini F., Punturiero C., Vevey M., Blanchet V., Milanesi R., Delledonne A., Bagnato A., and Strillacci M. G. (2023). Assessing major genes allele frequencies and the genetic diversity of the native Aosta cattle female population. <i>Italian Journal of Animal Science</i> , 22(1), 1008-1022.
6	Bernini F., Bagnato A., Marelli S. P., Zaniboni L., Cerolini S., and Strillacci M. G. (2021). Genetic diversity and identification of homozygosity-rich genomic regions in seven Italian heritage Turkey (<i>Meleagris gallopavo</i>) breeds. <i>Genes</i> , 12(9), 1342.



N	Atti di convegni
7	F. Bernini, M. Vevey, V. Blanchet, A. Bagnato, M. G. Strillacci, - "Whole Genome Sequencing of Aosta cattle to assess breed genomic diversity" - 74th Annual Meeting of EAAP, Firenze, September 1st to 5th, 2024. Abstract n. 2215840
8	E. Mancin, C. Sartori, A. Bagnato, M. G. Strillacci, F. Bernini, G. Schiavo, S. Bovo, L. Fontanesi, R. Mantovani, - "Exploring genomic selection opportunities in Italian local cattle breed" - 74th Annual Meeting of EAAP, Firenze, September 1st to 5th, 2024. Abstract n. 2215015
9	F. Bernini, C. Ferrari, A. Delledonne, C. Punturiero, R. Milanese, M. Vevey, V. Blanchet, A. Bagnato, M.G. Strillacci, "Heterozygosity rich regions in autochthonous and cosmopolitan cattle breeds" - V Convegno AISSA #UNDER40, Firenze, June 26th 27th 2024. S3 - P06
10	Francesca Bernini, Chiara Punturiero, Alessandro Bagnato, Raffaella Milanese, Mario Vevey, Veruska Blanchet, Maria Giuseppina Strillacci, - "A Genome Wide Association Study in the Aosta Cattle population" 25th ASPA CONGRESS 2023, 13th - 16th June 2023, Monopoli, Torre Cintola. Abstract n.413
11	F. Bernini, C. Punturiero, R. Milanese, M. Vevey, V. Blanchet, A. Bagnato and M.G. Strillacci, "A study of monogenic traits in the alpine autochthonous Aosta Breeds." - 73rd Annual Meeting of EAAP, Porto, September 5th to 9th, 2022. Abstract n. 39977
12	Punturiero C., Bernini F., Milanese R., Bagnato A., Strillacci M.G., "GENORIP project: a genomic approach to manage genomic variability in cattle dairy farms." - 73rd Annual Meeting of EAAP, Porto, September 5th to 9th, 2022. Abstract n. 39976
13	Strillacci M.G., Bernini F., Punturiero C., Milanese R., Vevey M., Blanchet V., Bagnato A., "Genome-wide CNV discovery in the autochthonous Aosta Breeds" - 73rd Annual Meeting of EAAP, Porto, September 5th to 9th, 2022. Theatre presentation
14	Maria Giuseppina Strillacci, Cristina Tognoli, Chiara Punturiero, Simone Mazzola, Francesca Bernini, Marica Tonial, Raffaella Milanese, Stefano Paolo Marelli, Alessandro Bagnato, - "A genomic approach for herd management - the GENORIP project." 24th ASPA Congress, Padova, September 2021. Abstract n. 346

N	Pubblicazioni in fase di revisione
15	Maria G. Strillacci, Vincenzo Ferrulli, Francesca Bernini, Davide Pravettoni, Alessandro Bagnato, Ilaria Martucci, Antonio Boccardo (in revisione). Genomic analysis of bovine respiratory disease resistance in pre-weaned dairy calves. Plos One.

Attività didattiche e di tutorato di studenti
<ul style="list-style-type: none">• Cultore della Materia in "MIGLIORAMENTO GENETICO AVANZATO" del corso di laurea in Scienze e tecnologie delle produzioni animali. Docente di riferimento: Prof. Alessandro Bagnato.• Cultore della Materia in "GENOMICA SELEZIONE E VALUTAZIONE MORFO-FUNZIONALE" del corso di laurea in Scienze delle produzioni animali. Docente di riferimento: Prof. Alessandro Bagnato.• Cultore della Materia in "ZOOTECNICA GENERALE E MIGLIORAMENTO GENETICO" del corso di laurea in Medicina Veterinaria. Docente di riferimento: Prof. Maria Giuseppina Strillacci. <p>Cultore della Materia in "RAZZE E PRODOTTI DI ORIGINE ANIMALI" del corso di laurea in Scienze delle produzioni animali e Allevamento e benessere degli animali d'affezione. Docente di riferimento: Prof. Maria Giuseppina Strillacci.</p>
Esercitatrice alle lezioni pratiche del corso "Genomic analysis of inherited diseases", secondo semestre 2024, Attività di Art.45. Docente di riferimento: Prof.ssa Maria Lina Longeri



Esercitatrice alle lezioni pratiche del corso “Genetica molecolare e applicazione negli animali domestici”, secondo semestre 2024. Docente di riferimento: Prof.ssa Maria Lina Longeri
Esercitatrice alle lezioni pratiche del corso “Genomic analysis of inherited diseases”, secondo semestre 2023, Attività di Art.45. Docente di riferimento: Prof.ssa Maria Lina Longeri
Esercitatrice alle lezioni pratiche del corso “Genetica molecolare e applicazione negli animali domestici”, secondo semestre 2023. Docente di riferimento: Prof.ssa Maria Lina Longeri
Esercitatrice alle lezioni e ai laboratori del corso “Miglioramento genetico avanzato”, secondo semestre 2022. Docente di riferimento: Prof. Alessandro Bagnato
Attività esercitativa - uscite didattiche presso allevamenti - ai corsi: “Zootecnia generale e miglioramento genetico” - Corso di Laurea in Medicina Veterinaria, UNIMI A.A. 2023-2024. Docente di riferimento: Prof.ssa Maria Giuseppina Strillacci “Miglioramento genetico avanzato” - Corso di laurea in Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali UNIMI A.A. 2022-2023. Docente di riferimento: Alessandro Bagnato “Zootecnia generale e miglioramento genetico” - Corso di Laurea in Medicina Veterinaria, UNIMI A.A. 2022-2023. Docente di riferimento: Prof.ssa Maria Giuseppina Strillacci “Miglioramento genetico avanzato” - Corso di laurea in Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali UNIMI A.A. 2021-2022. Docente di riferimento: Alessandro Bagnato “Zootecnia generale e miglioramento genetico” - Corso di Laurea in Medicina Veterinaria, UNIMI A.A. 2021-2022. Docente di riferimento: Prof.ssa Maria Giuseppina Strillacci
Correlatrice della tesi di laurea magistrale: - Giulia Gambarini, Titolo: “Consanguineità nella razza Frisona: il caso di 45 aziende lombarde del progetto GenoRip”, anno accademico: 2021-2022
Attività istituzionali
Rappresentante degli studenti di dottorato al “Consiglio di Dipartimento di Medicina Veterinaria e Scienze Animali”, da gennaio 2021 ad oggi.
Rappresentante degli studenti di dottorato per il XXXVII ciclo in Scienze Veterinarie e Animali, da novembre 2021 ad oggi.
Rappresentante degli studenti di dottorato per la macroarea delle Scienze della Vita al “Consiglio della Scuola di Dottorato” di UNIMI per il triennio accademico 2023/2026.
Attività di terza missione
Partecipazione all'organizzazione delle attività di divulgazione scientifica organizzata dal Dottorato di ricerca (VAS Days) per gli anni accademici 2021-2022, 2022-2023, 2023-2024
Presentazione dei “Risultati ottenuti” dal progetto GENORIP all'evento finale del progetto GENORIP organizzato nel Dipartimento, Lodi 23 febbraio 2023
2022-2023 - Partecipazione alle due fiere delle vacche da latte (Cremona e Montichiari) per la diffusione dei risultati del progetto GenoRip.
Altre attività
Revisore per la rivista “Tropical Animal Health and Production” dal 2021.
Revisore per la rivista “BMC genomics” dal 2023.
Organizzazione delle attività di divulgazione scientifica organizzata dal Dottorato di ricerca (VAS Days) per gli anni accademici 2021-2022, 2022-2023, 2023-2024
ACCADEMIE E SOCIETÀ SCIENTIFICHE



- Membro dell'Associazione Scientifica di Produzione Animale (ASPA) dal 2022
- Membro della Federazione Italiana Dottori In Scienze Della Produzione Animale (FIDSPA) dal 2021

Le dichiarazioni rese nel presente curriculum sono da ritenersi rilasciate ai sensi degli artt. 46 e 47 del DPR n. 445/2000.

Il presente curriculum, non contiene dati sensibili e dati giudiziari di cui all'art. 4, comma 1, lettere d) ed e) del D.Lgs. 30.6.2003 n. 196.

RICORDIAMO che i curricula **SARANNO RESI PUBBLICI sul sito di Ateneo** e pertanto si prega di non inserire dati sensibili e personali. Il presente modello è già precostruito per soddisfare la necessità di pubblicazione senza dati sensibili.

Si prega pertanto di **NON FIRMARE** il presente modello.

Luogo e data: Lodi, 30/08/2024