



UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Curriculum vitae di Guido Roberto Carlo Gallo

ALLA MAGNIFICA RETTRICE
DELL'UNIVERSITA' DEGLI STUDI DI MILANO

COD. ID: 7059

Il sottoscritto chiede di essere ammesso a partecipare alla selezione pubblica, per titoli ed esami, per il conferimento di un assegno di ricerca presso il Dipartimento di Bioscienze

Responsabile scientifico: prof. Lucio Conti

CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI

Cognome	Gallo
Nome	Guido Roberto Carlo

OCCUPAZIONE ATTUALE

Incarico	Struttura
Assegnista di tipo A	Dipartimento di Bioscienze, Università degli Studi di Milano

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Titolo	Corso di studi	Università	anno conseguimento titolo
Dottorato Di Ricerca	Scienze Biologiche e Molecolari, ciclo XXVIII	Università degli studi di Milano	2016
Esame di stato professione biologo	Esame di stato professione biologo (sezione A)	Università degli studi di Milano	2012
Laurea Magistrale o equivalente	Biodiversità ed Evoluzione Biologica	Università degli studi di Milano	2011
Laurea Triennale	Scienze Biologiche	Università degli studi di Milano	2009

LINGUE STRANIERE CONOSCIUTE

lingue	livello di conoscenza
Italiano	Madrelingua
Inglese	Conoscenza professionale



	completa
Francese	conoscenza professionale; certificazione di lingua francese DELF (26/4/2006) - Livello QCER B2
Spagnolo	Conoscenza intermedia

PREMI, RICONOSCIMENTI E BORSE DI STUDIO

anno	Descrizione premio
2012-2016	Vincitore di una borsa di studio di Dottorato (scuola di dottorato in Scienze Biologiche e molecolari, XXVIII ciclo)
2015	Premio per il miglior poster durante la poster session del MARZ meeting (Mid-Atlantic Regional Zebrafish Meeting); Albert Einstein College of Medicine, Bronx, New York, 17 Luglio 2015
2015	Vincitore di una borsa di studio EMBO (European Molecular Biology Organization) "Short term fellowship" per svolgere un periodo di ricerca durante lo svolgimento del dottorato (a partire da marzo 2015) presso la Temple University, Philadelphia, Pennsylvania (USA)
2013	Premio "Prof. Silvio Ranzi": premio di Laurea Magistrale per l'attività di ricerca condotta durante il tirocinio nell'ambito della biologia dello sviluppo animale
2010	Vincitore di una borsa di studio Erasmus per frequentare un semestre all'estero (2/2010-6/2010) presso Université Paris Sud 11, Orsay, Francia durante lo svolgimento del corso di Laurea Magistrale in Biodiversità ed Evoluzione Biologica

ATTIVITÀ DI FORMAZIONE O DI RICERCA

Periodo	Descrizione dell'attività
1/7/2020-in corso	<p>Post Doc (assegnista) presso il gruppo di ricerca del Prof. Gianfranceschi (Dipartimento di Bioscienze, Unimi).</p> <p><u>Attività di ricerca:</u></p> <p>-attività di ricerca nell'ambito del progetto finanziato PRIN2017 "Phylogeography, genomics and genome-wide association studies to investigate the origin and biology of an iconic model species: the barn swallow (<i>Hirundo rustica</i>)". Il progetto prevede la generazione di risorse genomiche di alta qualità (genoma di riferimento chromosome-level, pangenoma) per la rondine (<i>Hirundo rustica</i>) e l'utilizzo di tali risorse per condurre analisi di genomica di popolazione (analisi di polimorfismi e varianti strutturali all'interno di popolazioni europee, analisi di struttura di popolazione, correlazione genotipo-fenotipo e ricostruzione della storia evolutiva della specie). Collaborazione con il VGP (https://vertebrategenomesproject.org/) per l'assemblaggio di genomi di riferimento di alta qualità di vertebrati. Membro del consorzio europeo ERGA (https://www.erga-biodiversity.eu/) e della società SIBE (https://www.sibe-iseb.it/)</p> <p><u>Attività didattiche:</u></p> <p>-instructor del corso di dottorato "Bioinformatics for genome and pangenome assembly, analysis and visualization" (aprile 2024) rivolto agli studenti del dottorato di ricerca in Genetica, Biologia Molecolare e Cellulare (Università di Pavia)</p> <p>-attività didattica integrativa (esercitazioni del corso di Genetica per Scienze Naturali) negli anni accademici 2021-2022, 2022-2023, 2023-2024, 2024-2025</p>



	<p>-instructor del corso “Genome Assembly and Annotation” organizzato dalla company Physalia (https://www.physalia-courses.org) per le edizioni 2022, 2023 e 2024). Già reclutato per l’edizione 2025 (https://www.physalia-courses.org/courses-workshops/course20/)</p> <p>-esercitatore nell’ambito del corso di laboratorio “Laboratory Methods for Biodiversity” della laurea magistrale in Biogeoscienze per gli anni accademici 2020-2021 e 2022-2023. Assistenza agli studenti durante le esercitazioni pratiche di biologia molecolare/genetica</p> <p>-attività didattica integrativa (responsabile esercitazioni pratiche) per il corso “Genomics for ecological and evolutionary studies” (edizione 2020) erogato per gli studenti della scuola di dottorato PhD course in environmental sciences (Unimi). Co-instructor del medesimo corso nelle successive edizioni (2021 e 2022).</p> <p>-correlatore di due tesi di laurea magistrale e quattro tesi di laurea triennale</p> <p><u>Corsi e attività formative:</u></p> <p>-partecipazione al corso “Computational Pangenomics” organizzato da Alta Formazione Insubria (7/8-10-2024, corso virtuale)</p> <p>-partecipazione al corso “Fully Automated and Accurate Annotation of Eukaryotic Genomes with BRAKER & TSEBRA Workshop for ERGA community 2022” organizzato dalla Universität Greifswald (15-12-2022, corso virtuale)</p> <p>-partecipazione al corso “Exploring evolution using tree based methods: phylogenetics, molecular clocks, barcoding, and phylogenomics” (organizzato da SIBE, Società Italiana di Biologia Evoluzionistica); corso virtuale, febbraio 2021</p> <p><u>Varie:</u></p> <p>-vincitore di un assegno di ricerca presso il Centro Agricoltura Alimenti Ambiente (C3A) dal titolo “Filogenomica e genomica comparata degli elementi trasponibili in zanzare del genere Aedes” nell’ambito del progetto “PRIN 2022”, responsabile scientifico: prof. Rota Stabelli.</p> <p>-vincitore di un incarico di n. 30 ore di collaborazione per supporto alla didattica nell’ambito del corso “Biologia generale ed ecologia - Ecologia con esercitazioni di laboratorio” (II semestre a.a. 2024/25) presso l’Università di Trento, responsabile scientifico: prof. Rota Stabelli.</p> <p>-attività di rappresentante degli assegnisti nel Dipartimento di Bioscienze (da gennaio 2024)</p>
1/7/2019-30/6/2020	<p>Laureato frequentatore presso il gruppo di ricerca del Prof. Gianfranceschi (Dipartimento di Bioscienze, Unimi).</p> <p><u>Attività di ricerca:</u></p> <p>-allestimento di colture cellulari primarie di fibroblasti di rondine</p> <p><u>Corsi e attività formative:</u></p> <p>-training sull’analisi di dati di sequenziamento presenti in letteratura per l’identificazione di varianti genetiche all’interno di diverse popolazioni di rondine</p> <p>-partecipazione al training ufficiale del VGP (Vertebrate Genomes Project) sull’assemblaggio dei genomi di vertebrati (2019/2020)</p> <p>-partecipazione al corso di perfezionamento estivo in genetica medica e di popolazioni (summer course “Analyses of genotyping and NGS data in medical and population genetics 2019”) dal 29 luglio al 2 agosto 2019, presso l’Università di Copenhagen.</p>
2/2019	<p><u>Corsi e attività formative:</u></p> <p>-partecipazione al corso “Genomics for ecological and evolutionary studies” erogato per gli studenti della scuola di dottorato PhD course in environmental sciences (febbraio 2019).</p>



3/2018-6/2018	<p><u>Corsi e attività formative:</u></p> <p>-acquisizione di 24 CFU nelle discipline antropo-psico-pedagogiche per il percorso di abilitazione all'insegnamento nella scuola secondaria superiore, presso l'Università degli studi di Milano, Milano (MI). Esami superati: didattica delle bioscienze, pedagogia della scuola, antropologia culturale, psicologia.</p>
21/11/2016-25/11/2016	<p>Assistente didattico durante esercitazioni di laboratorio; Università degli studi di Milano, Milano (MI).</p> <p><u>Attività didattiche:</u></p> <p>-attività di tutoraggio, in quanto esperto esterno, durante le esercitazioni pratiche del corso "Laboratorio di Metodologie Cellulari e Molecolari" per gli studenti del secondo anno del Corso di Laurea in Biotecnologie Mediche. Insegnamento delle tecniche di base di biologia molecolare (estrazione di acidi nucleici, elettroforesi, PCR, colture batteriche).</p>
1/8/2016-19/11/2016	<p>Attività di ricerca successiva alla fine del dottorato presso la Temple University, Department of Biology, Philadelphia (USA).</p> <p><u>Attività di ricerca:</u></p> <p>-attività di ricerca nell'ambito della biologia molecolare dello sviluppo animale, utilizzando zebrafish (<i>Danio rerio</i>) come sistema modello; analisi della funzione di geni coinvolti nello sviluppo embrionale; continuazione del progetto di dottorato.</p>
1/11/2012-25/5/2016	<p>Dottorato di Ricerca (Dottorato in Scienze Biologiche e Molecolari); Università degli studi di Milano, Milano (MI).</p> <p><u>Attività di ricerca:</u></p> <p>-attività di ricerca nell'ambito della biologia molecolare dello sviluppo animale, utilizzando zebrafish come sistema modello per studiare la funzione e l'espressione di nuovi geni durante l'embriogenesi. Tecniche di biologia molecolare (estrazione e manipolazione acidi nucleici, clonaggi, PCR, estrazione di proteine e western blot), biologia dello sviluppo (immunofluorescenze, ibridazioni <i>in situ</i> whole mount su embrioni di zebrafish, analisi dei fenotipi ottenuti in seguito a inattivazione funzionale tramite morpholino-mediated knockdown) e tecniche istologiche (sezioni in paraffina di embrioni a diversi stadi di sviluppo, colorazione con ematossilina-eosina e acquisizione di immagini); microscopia ottica e confocale. Titolo tesi: "Analysis of the <i>in vivo</i> function of the Haspin kinase using Zebrafish as a model system: knockdown and knockout approaches". Supervisore: Prof. Paolo Plevani</p> <p><u>Varie:</u></p> <p>-collaborazione alla traduzione dall'inglese all'italiano della nuova edizione del testo universitario di <i>Biologia dello sviluppo</i> della casa editrice Zanichelli.</p>
3/2015-4/2016	<p>Periodo di formazione e ricerca all'estero durante la frequenza del dottorato presso la Temple University, Dipartimento di Biologia, Philadelphia, USA; beneficiario di una borsa di studio EMBO (European Molecular Biology Organization) "Short term fellowship". Supervisore: Prof. Gianfranco Bellipanni</p> <p><u>Attività di ricerca:</u></p>



	<p>-acquisizione di competenze specifiche relative a tecniche di mutagenesi sito-specifica tramite il sistema CRISPR-Cas9 da applicare ai miei progetti di ricerca; generazione di diverse linee di mutanti stabili di zebrafish tramite CRISPR-Cas9 knockout (genome editing); genotipizzazione di individui e studio di specifiche mutazioni geniche (inserzioni, delezioni); analisi di sequenze genetiche e allineamenti; individuazione e clonaggio di una nuova variante di splicing del gene <i>zhaspin</i> dei primi stadi embrionali non riportata in letteratura; analisi di correlazione genotipo/fenotipo</p> <p><u>Attività didattiche:</u></p> <p>-intensa attività di tutoraggio rivolta a studenti (undergraduate students; training specifico nell'ambito della biologia molecolare)</p> <p><u>Varie:</u></p> <p>-attività di peer review: revisione di articoli scientifici per la rivista "Journal of Cellular Physiology".</p>
5/2012-10/2012	<p>Laureato frequentatore presso Università degli studi di Milano, Milano (MI).</p> <p><u>Attività di ricerca:</u></p> <p>-continuazione del progetto di ricerca svolto durante il tirocinio della laurea magistrale: analisi del ruolo del gene <i>adap2</i> durante lo sviluppo cardiaco in zebrafish.</p>
9/2009-12/2011	<p>Laurea Magistrale in Biodiversità ed Evoluzione Biologica (LM-6) presso Università degli studi di Milano, Milano (MI).</p> <p>-tesi di laurea: "L'inattivazione funzionale del gene <i>adap2l</i> causa difetti cardiaci in zebrafish (<i>Danio rerio</i>)"; supervisore: Prof. Franco Cotelli. <u>Tesi premiata (premio di laurea "Prof. Silvio Ranzi")</u></p> <p>-voto di laurea: 110/110 con lode</p> <p><u>Attività di formazione all'estero:</u></p> <p>-svolgimento di un periodo di studi della durata di un semestre all'estero (2/2010-6/2010) tramite il programma Erasmus (presso l'Université Paris Sud 11, Orsay, Francia), con il superamento di quattro esami e relative esercitazioni pratiche in lingua francese. Esami superati all'estero in lingua francese: génétique évolutive, conservation in situ des espèces, biodiversité végétale, biologie et écologie marine.</p>
9/2006-12/2009	<p>Laurea Triennale in Scienze Biologiche presso Università degli Studi di Milano, Milano (MI).</p> <p>-tesi di laurea: "Analisi dell'espressione di <i>VE-caderina</i> e <i>tie-2</i> in morfanti <i>zve-ptp</i>"; supervisore: Prof. Franco Cotelli</p> <p>-voto di Laurea: 110/110 con lode.</p>
9/2001-7/2006	<p>Diploma di maturità scientifica presso Liceo scientifico statale Alessandro Volta, Milano (MI)</p> <p>-votazione: 99/100.</p>



ULTERIORE ESPERIENZA LAVORATIVA (interruzione di carriera accademica)

Periodo	Descrizione dell'attività
Settembre 2017- Giugno 2020	Insegnante di Scienze naturali (Biologia, chimica e scienze della terra) nella scuola secondaria superiore (Collegio San Carlo, Milano, Italia)

ATTIVITÀ PROGETTUALE

Anno	Progetto
2020-in corso	Assegnista di ricerca di tipo B per il progetto finanziato PRIN2017 "Phylogeography, genomics and genome-wide association studies to investigate the origin and biology of an iconic model species: the barn swallow (<i>Hirundo rustica</i>)".
2012-2016	Progetto svolto durante il Dottorato di ricerca: "Investigating the in vivo function of Haspin during zebrafish development by both knock-down and knock-out strategies".

CONGRESSI, CONVEGNI E SEMINARI

Data	Titolo	Sede
28/10/2024- 1/11/2024	Conferenza Biodiversity Genomics 2024 (organizzato dal Wellcome Sanger Institute, Hinxton, UK). <u>Poster</u> : Guido Roberto Gallo , Riccardo Rossi, Simona Secomandi, Diego Rubolini, Roberto Ambrosini, Andrea Bonisoli-Alquati, Giulio Formenti, Luca Gianfranceschi. "Evolutionary insights from long-read sequencing data in different barn swallow populations and subspecies"	Conferenza online
8/9/2024- 11/9/2024	Simposio "The wild side of population genomics" all'interno del decimo congresso SIBE (Società Italiana di Biologia Evoluzionistica). <u>Poster</u> : Guido Roberto Gallo , Riccardo Rossi, Simona Secomandi, Diego Rubolini, Roberto Ambrosini, Andrea Bonisoli-Alquati, Giulio Formenti, Luca Gianfranceschi. "Evolutionary insights from long-read sequencing data in different barn swallow populations and subspecies"	Università Parthenope; Napoli (Italy)
8/9/2024- 11/9/2024	Simposio "Miscellaneous" all'interno del decimo congresso SIBE (Società Italiana di Biologia Evoluzionistica). <u>Poster</u> : Riccardo Rossi, Guido Roberto Gallo , Simona	Università Parthenope; Napoli (Italy)



	Secomandi, Diego Rubolini, Roberto Ambrosini, Andrea Bonisoli-Alquati, Giulio Formenti, Luca Gianfranceschi. "Structural variants reveal genome evolution and adaptation mechanisms in a non-model bird species"	
11/3/2024-14/3/2024	Congresso "Genetics of migration". <u>Poster</u> : Guido Roberto Gallo , Riccardo Rossi, Simona Secomandi, Diego Rubolini, Roberto Ambrosini, Andrea Bonisoli-Alquati, Giulio Formenti, Luca Gianfranceschi. "Investigating the genetic variability of barn swallow populations and the genetic basis of the migratory behavior".	Max Planck Institute for Evolutionary Biology, Plön, Germania
8/2/2024	Giornata del Dipartimento di Biotecnologie e Bioscienze. <u>Poster</u> : Riccardo Rossi, Guido R. Gallo , Giulio Formenti, Luca Gianfranceschi. "Population genomic analyses in a bird non model species"	Università degli studi di Milano-Bicocca (Milano, Italia)
14/9/2023-16/9/2023	Congresso AGI (Associazione genetica italiana). <u>Poster</u> : Guido Roberto Gallo , Simona Secomandi, Marcella Sozzoni, Gianluca Lombardo, Anna Olivieri, Antonio Torroni, Diego Rubolini, Roberto Ambrosini, Andrea Bonisoli-Alquati, Giulio Formenti, Luca Gianfranceschi. "A chromosome-level reference genome and pangenome for barn swallow population genomics".	Cortona (Arezzo, Italia)
30/5/2023	Conferenza PacBio (Pacific Biosciences) Discoveries Roadshow 2023. <u>Talk</u> : Simona Secomandi, Guido Roberto Gallo . "Barn swallow pangenomics for ecology and conservation".	Hotel Crown Plaza (Milano, Italia)
4/9/2022-7/9/2022	Simposio "Dynamics of genomic diversity in domesticated species" all'interno della nona conferenza della SIBE (Società Italiana di Biologia Evoluzionistica). <u>Talk</u> : Gallo Guido Roberto , Secomandi Simona, Sozzoni Marcella, Lombardo Gianluca, Olivieri Anna, Torroni Antonio, Rubolini Diego, Ambrosini Roberto, Bonisoli-Alquati Andrea, Gianfranceschi Luca, Formenti Giulio. "The barn swallow genome reveals selection signatures in genes involved in neural development and fear memory formation, suggesting a role for synanthropy"	Università degli studi di Ancona (Ancona, Italia)
26/6/2022-1/7/2022	Conferenza AOS (American Ornithological Society) 2022. <u>Poster</u> : Andrea Bonisoli-Alquati, Simona Secomandi, Guido Roberto Gallo , Marcella Sozzoni, Diego Rubolini, Roberto Ambrosini, Giulio Formenti, Luca Gianfranceschi. "A	San Juan, Puerto Rico (USA)



	reference genome for the barn swallow suggests an evolutionary path for synanthropy”	
8/1/2022-12/1/2022	XXIX conferenza PAG (Plant and Animal Genome); Avian Genomics - Going Wild! Workshop. <u>Talk</u> : Gallo G.R., Secomandi S., Sozzoni M., Ambrosini R., Bonisoli-Alquati A., Gianfranceschi L., Formenti G. “Barn swallow pangenomics provides insights into the evolution of synanthropy”	Conferenza online
9/11/2021	Conferenza PacBio (Pacific Biosciences) Global Virtual User Meeting 2021, “HiFi Sequencing: Around the World in 24 Hours”. <u>Talk</u> : Secomandi S., Sozzoni, M., Gallo, G. R., Ambrosini, R., Bonisoli-Alquati, A., Gianfranceschi, L. and Formenti, G. “Barn swallow pangenomics provides evolutionary insights into learning and domestication”	Conferenza online
27/9/2021-1/10/2021	Conferenza Biodiversity Genomics 2021 (organizzato dal Wellcome Sanger Institute, Hinxton, UK). <u>Talk</u> : Secomandi S., Gallo, G. R., Sozzoni, M., Ambrosini, R., Bonisoli-Alquati, A., Gianfranceschi, L. and Formenti, G. “Evolutionary insights from a barn swallow chromosome-level assembly”	Conferenza online
22/9/2021-24/9/2021	Congresso AGI (Associazione genetica italiana) 2021. <u>Talk</u> : Lombardo, G., Formenti, G., Caprioli, M., Lancioni, H., Secomandi, S., Gallo, G.R., Capodiferro, M.R., Rambaldi-Migliore, N., Colombo, G., Semino, O., Achilli, A., Ambrosini, R., Rubolini, D., Ferretti, L., Gianfranceschi, L., Saino, N., Olivieri, A., Torroni, A. “The mitogenome relationships of barn swallows (<i>Hirundo rustica</i>)”	Conferenza online
5/10/2020-9/10/2020	Conferenza Biodiversity Genomics 2020 (organizzato dal Wellcome Sanger Institute, Hinxton, UK). <u>Poster</u> : Secomandi S., Gallo, G. R., Rhie, A., Ambrosini, R., Rubolini, R., Bonisoli-Alquati, A., Jarvis, E., Gianfranceschi, L. and Formenti G. “A new chromosome-level reference genome for the european barn swallow to boost genomic studies”	Conferenza online
19/2/2020-21/2/2020	Life Science 2020, 3° Simposio annuale congiunto DBB, DMM & CNR-IGM. <u>Poster</u> : Lombardo, G., Formenti, G., Caprioli, M., Lancioni, H., Secomandi, S., Gallo, G.R., Capodiferro, M.R., Rambaldi-Migliore, N., Colombo, G., Semino, O., Achilli, A., Ambrosini, R., Rubolini, D., Ferretti, L., Gianfranceschi, L., Saino, N., Olivieri, A., Torroni, A. “Reconstructing the phylogeny	Pavia (Italia)



	of the barn swallow & lesser kestrel using mitogenomes"	
17/7/2015	Conferenza MARZ (Mid-Atlantic Regional Zebrafish Meeting) 2015. <u>Poster</u> : Gallo G.R., Quadri R., Panigada D., Muzi Falconi M., Giordano A., Bellipanni G., Cotelli F. and Plevani P. "Deciphering the in vivo function of Haspin using zebrafish as model system" [<u>poster vincitore del "MARZ poster contest"</u>]	Albert Einstein College of Medicine, Bronx, New York (USA)
21/11/2014	Conferenza MARZ (Mid-Atlantic Regional Zebrafish Meeting) 2014. <u>Poster</u> : Gallo G.R., Quadri R., Panigada D., Muzi Falconi M., Bellipanni G., Cotelli F. and Plevani P. "Deciphering the in vivo function of Haspin: from yeast and human cells to the zebrafish model"	Temple University, Philadelphia (USA)
26/6/2014- 27/6/2014	Workshop organizzato dagli studenti di dottorato (Scuola di Dottorato in scienze biologiche e molecolari, Università degli studi di Milano). <u>Poster</u> : Gallo G.R., Quadri R., Panigada D., Muzi Falconi M., Cotelli F. and Plevani P. "Deciphering the in vivo function of Haspin: from yeast and human cells to the zebrafish model"	Università degli studi di Milano, Milano (Italia)
9/7/2013- 13/7/2013	VIII Conferenza "European Zebrafish Meeting". <u>Poster</u> : Carra S., Foglia E., Cermenati S., Bresciani E., Giampietro C., Lora Lamia C., Gallo G.R., Dejana E., Beltrame M. and Cotelli F. "Veptp modulates vascular integrity by promoting adherens junction maturation"	Barcellona (Spagna)
13/5/2013- 15/5/2013	Workshop SIICA: Angiogenesi: basi molecolari ed implicazioni terapeutiche IV. <u>Poster</u> : Carra S., Foglia E., Cermenati S., Bresciani E., Giampietro C., Lora Lamia C., Gallo G.R., Dejana E., Beltrame M. and Cotelli F. "Ve-ptp modulates vascular integrity by promoting adherens junction maturation"	Certosa di Pontignano (Siena, Italy)
28/5/2011- 31/5/2011	Conferenza ESHG (European Human Genetics Conference) 2011. <u>Poster</u> : Venturin M., Carra S., Gaudenzi G., Gallo G.R., Cotelli F. and Riva P. "Morpholino knockdown of the zebrafish CENTA2 orthologue results in cardiovascular defects"	Amsterdam (Olanda)
13/11/2011- 16/11/2011	XIV congresso SIGU (Società Italiana di Genetica Umana) 2011. <u>Poster</u> : Venturin M., Carra S., Gaudenzi G., Gallo G.R., Cotelli F. and Riva P. "Functional	Milano (Italia)



inactivation of adap2-like causes
cardiovascular defects in zebrafish

PUBBLICAZIONI

Articoli su riviste
Gianluca Lombardo et al. The end of the American dream; How the barn swallow (<i>Hirundo rustica</i>) returned to Europe. [co-autore; in preparazione]
Guido Roberto Gallo et al. Evolutionary insights from long-read sequencing data in different barn swallow populations and subspecies. [in preparazione]
Riccardo Rossi*, Guido Roberto Gallo * et al. Structural variants reveal genome evolution and adaptation mechanisms in a non-model bird species. [in preparazione] *co-first authors
Guido Roberto Gallo , Giulio Formenti, Simona Secomandi, Alexandria Koedel, Roberto Ambrosini, Diego Rubolini, Timothy A. Mousseau, Anders Pape Møller, Luca Gianfranceschi, Andrea Bonisoli-Alquati. 10x linked reads for barn swallows exposed to long-term radiation from Chernobyl. [in preparazione]
Morin, P.A., Bein, B., Bortoluzzi, C., Bukhman, Y.V., Hains, T., Heimeier, D., Uliano-Silva, M., Absalon, D., Abueg, L., Antosiewicz-Bourget, J., Arnold, J., Baird, R.W., Balacco, J.R., Bonde, R.K., Brajuka, N., Brownlow, A., Bryant, C., Carroll, E., Carter, M., Clayton, L., Collins, J., Davison, N., Denton, A., Dudchenko, O., Fedrigo, O., Formenti, G., Foote, A., Gallo, G.R. , Greve, C., Hilger, N., Houck, M., Howard, C., Jacobsen, J.K., Jain, N., Krashennikova, K., Lieberman-Aiden, E., Maloney, B., Manley, B., Mathers, T., McCarthy, S., McGowen, M., Meyer, S., Mountcastle, J., Neely, B.A., O'Toole, B., Pelan, S., Pugh, R.S., Rosel, P.E., Rowles, T.K., Ryder, O.A., Schell, T., Sims, Y., St. Leger, J., Stewart, R., Ternes, K., Thomson, J.A., Tilley, T., Whelan, C., Wood, J., Hiller, M., Blaxter, M., and Jarvis, E.D. Genomic infrastructure for cetacean research and conservation: Reference genomes for eight families spanning the cetacean phylogeny. [under submission at Frontiers in Marine Science]
Marco Bonelli*, Elena Eustacchio*, Guido Roberto Gallo *, Barbara Valle, Duccio Tampucci, Simone Ornaghi, Luca Gianfranceschi, Morena Casartelli, Marco Caccianiga, Mauro Gobbi. <i>Oreonebria tresignore</i> (Coleoptera: Carabidae: Nebriinae), a new species from Orobic Alps (Northern Italy). [submitted to Journal of Insect Biodiversity] *co-first authors.
Secomandi S.*, Gallo G. R.* , Rossi R., Fernandes C. R., Jarvis E. D., Bonisoli-Alquati A., Gianfranceschi L., Formenti G. Pangenome graphs and their applications in biodiversity genomics [accepted at Nature Genetics; in press] *co-first authors.
Valle B, Eustacchio E, Gallo GR , Beretta M, Bonelli M, Zanzottera A, Gianfranceschi L, Federici G, Mangili F, Mangili L, Perico G, Traini M, Caccianiga M: <i>Campanula bergomensis</i> (Campanulaceae), a new species from Bergamo Prealps (Northern Italy). Phytotaxa 2024;637(2),120-132. doi: 10.11646/phytotaxa.637.2.1
Larivière D, Abueg L, Brajuka N, Gallardo-Alba C, Grüning B, Ko BJ, Ostrovsky A, Palmada-Flores M, Pickett BD, Rabbani K, Antunes A, Balacco JR, Chaisson MJP, Cheng H, Collins J, Couture M, Denisova A, Fedrigo O, Gallo GR , Giani AM, Gooder GM, Horan K, Jain N, Johnson C, Kim H, Lee C, Marques-Bonet T, O'Toole B, Rhie A, Secomandi S, Sozzoni M, Tilley T, Uliano-Silva M, van den Beek M, Williams RW, Waterhouse RM, Phillippy AM, Jarvis ED, Schatz MC, Nekrutenko A, Formenti G. Scalable, accessible and reproducible reference genome assembly and evaluation in Galaxy. Nat Biotechnol. 2024 Mar;42(3):367-370. doi: 10.1038/s41587-023-02100-3. PMID: 38278971.
Theissinger K, Fernandes C, Formenti G, Bista I, Berg PR, Bleidorn C, Bombarely A, Crottini A, Gallo GR , Godoy JA, Jentoft S, Malukiewicz J, Mouton A, Oomen RA, Paez S, Palsbøll PJ, Pampoulie C, Ruiz-López MJ, Secomandi S, Svoldal H, Theofanopoulou C, de Vries J, Waldvogel AM, Zhang G, Jarvis ED, Bálint M, Ciofi C, Waterhouse RM, Mazzoni CJ, Höglund J; European Reference Genome Atlas Consortium. How genomics can help biodiversity conservation. Trends Genet. 2023 Jul;39(7):545-559. doi: 10.1016/j.tig.2023.01.005. Epub 2023 Feb 16. PMID: 36801111.
Gesesse CA, Nigir B, de Sousa K, Gianfranceschi L, Gallo GR , Poland J, Kidane YG, Abate Desta E, Fadda C,



<p>Pè ME, Dell'Acqua M. Genomics-driven breeding for local adaptation of durum wheat is enhanced by farmers' traditional knowledge. <i>Proc Natl Acad Sci U S A</i>. 2023 Apr 4;120(14):e2205774119. doi: 10.1073/pnas.2205774119. Epub 2023 Mar 27. PMID: 36972461; PMCID: PMC10083613.</p>
<p>Secomandi S*, Gallo GR*, Sozzoni M, Iannucci A, Galati E, Abueg L, Balacco J, Caprioli M, Chow W, Ciofi C, Collins J, Fedrigo O, Ferretti L, Functammasan A, Haase B, Howe K, Kwak W, Lombardo G, Masterson P, Messina G, Møller AP, Mountcastle J, Mousseau TA, Ferrer Obiol J, Olivieri A, Rhie A, Rubolini D, Saclier M, Stanyon R, Stucki D, Thibaud-Nissen F, Torrance J, Torroni A, Weber K, Ambrosini R, Bonisoli-Alquati A, Jarvis ED, Gianfranceschi L, Formenti G. A chromosome-level reference genome and pangenome for barn swallow population genomics. <i>Cell Rep</i>. 2023 Jan 31;42(1):111992. doi: 10.1016/j.celrep.2023.111992. Epub 2023 Jan 19. PMID: 36662619; PMCID: PMC10044405. *co-first authors</p>
<p>Lombardo G, Rambaldi Migliore N, Colombo G, Capodiferro MR, Formenti G, Caprioli M, Moroni E, Caporali L, Lancioni H, Secomandi S, Gallo GR, Costanzo A, Romano A, Garofalo M, Cereda C, Carelli V, Gillespie L, Liu Y, Kiat Y, Marzal A, López-Calderón C, Balbontín J, Mousseau TA, Matyjasiak P, Møller AP, Semino O, Ambrosini R, Bonisoli-Alquati A, Rubolini D, Ferretti L, Achilli A, Gianfranceschi L, Olivieri A, Torroni A. The Mitogenome Relationships and Phylogeography of Barn Swallows (<i>Hirundo rustica</i>). <i>Mol Biol Evol</i>. 2022 Jun 2;39(6):msac113. doi: 10.1093/molbev/msac113. PMID: 35617136; PMCID: PMC9174979.</p>
<p>Formenti G, Theissinger K, Fernandes C, Bista I, Bombarely A, Bleidorn C, Ciofi C, Crottini A, Godoy JA, Höglund J, Malukiewicz J, Mouton A, Oomen RA, Paez S, Palsbøll PJ, Pampoulie C, Ruiz-López MJ, Svardal H, Theofanopoulou C, de Vries J, Waldvogel AM, Zhang G, Mazzoni CJ, Jarvis ED, Bálint M; European Reference Genome Atlas (ERGA) Consortium*. The era of reference genomes in conservation genomics. <i>Trends Ecol Evol</i>. 2022 Mar;37(3):197-202. doi: 10.1016/j.tree.2021.11.008. Epub 2022 Jan 24. PMID: 35086739. *listed as co-author within the ERGA Consortium</p>
<p>Secomandi S, Spina F, Formenti G, Gallo GR, Caprioli M, Ambrosini R, Riello S; Wellcome Sanger Institute Tree of Life programme; Wellcome Sanger Institute Scientific Operations: DNA Pipelines collective; Tree of Life Core Informatics collective; Darwin Tree of Life Consortium. The genome sequence of the European nightjar, <i>Caprimulgus europaeus</i> (Linnaeus, 1758). <i>Wellcome Open Res</i>. 2021 Dec 7;6:332. doi: 10.12688/wellcomeopenres.17451.1. PMID: 35028428; PMCID: PMC8729189.</p>
<p>Quadri R, Sertic S, Ghilardi A, Rondelli D, Gallo GR, Del Giacco L, Muzi-Falconi M. Phosphorylation of H3-Thr3 by Haspin Is Required for Primary Cilia Regulation. <i>Int J Mol Sci</i>. 2021 Jul 20;22(14):7753. doi: 10.3390/ijms22147753. PMID: 34299370; PMCID: PMC8307231.</p>
<p>Quadri R, Galli M, Galati E, Rotondo G, Gallo GR, Panigada D, Plevani P, Muzi-Falconi M. Haspin regulates Ras localization to promote Cdc24-driven mitotic depolarization. <i>Cell Discov</i>. 2020 Jun 23;6:42. doi: 10.1038/s41421-020-0170-2. PMID: 32595981; PMCID: PMC7308332.</p>
<p>Giani AM, Gallo GR, Gianfranceschi L, Formenti G. Long walk to genomics: History and current approaches to genome sequencing and assembly. <i>Comput Struct Biotechnol J</i>. 2019 Nov 17;18:9-19. doi: 10.1016/j.csbj.2019.11.002. PMID: 31890139; PMCID: PMC6926122.</p>
<p>Gallo G.R. and Bellipanni G. (2017). New insight in melanoma studies from the zebrafish animal model. <i>WCRJ</i>, 4(1): e843</p>
<p>Venturin M, Carra S, Gaudenzi G, Brunelli S, Gallo GR, Moncini S, Cotelli F, Riva P. ADAP2 in heart development: a candidate gene for the occurrence of cardiovascular malformations in NF1 microdeletion syndrome. <i>J Med Genet</i>. 2014 Jul;51(7):436-43. doi: 10.1136/jmedgenet-2013-102240. Epub 2014 Apr 7. PMID: 24711647.</p>

ALTRE INFORMAZIONI

<p><i>h</i>-index (Scopus): 8. Numero totale di citazioni (Scopus): 524</p>
<p>Certificazione ECDL - Livello Specialized (6/5/2017) conseguita presso MEDIASTAFF ISTITUTO KANT</p>
<p>Patente di guida B, automunito</p>



UNIVERSITÀ DEGLI STUDI DI MILANO

Le dichiarazioni rese nel presente curriculum sono da ritenersi rilasciate ai sensi degli artt. 46 e 47 del DPR n. 445/2000.

Il presente curriculum, non contiene dati sensibili e dati giudiziari di cui all'art. 4, comma 1, lettere d) ed e) del D.Lgs. 30.6.2003 n. 196.

RICORDIAMO che i curricula **SARANNO RESI PUBBLICI sul sito di Ateneo** e pertanto si prega di non inserire dati sensibili e personali. Il presente modello è già precostruito per soddisfare la necessità di pubblicazione senza dati sensibili.

Si prega pertanto di **NON FIRMARE** il presente modello.

Luogo e data: Milano, 02/01/2025